Table 4

1/111

>Sequence 1
ACTTAATTAAGTGAAGGTAACCTCCCAGAGTTAGCCAGCCTTTCAGAGTT
GAAGTCACAGCTTAGGGATTCAAAATGAGCTTCTAAAAACACTAATTTAG
TTATTAGAGAACTCCGGGTTCCACTTTCAGGATCCACCTTGGTTGGCCAG
TGGAAAAACACAAGTATTCTTCATTCAACAAGT
>Sequence 2
GGTACCCAGTTAAGTTTTGATGGTTTAAATTCCACTAAAGAACATATTCT
TCTAATAACTAGCATTTATTACATGAAATTTAAGAGTTTAAGTTCCATCA
AACTAGCCCTTGTGTAAGATTATTATTTCTTCTCTATAACTTCAAAATAG
ATATTTCATTCAAACTGTTCAGGTGAGAAAACATAATGGATTTTTTTTTT
TTTCCTCTGGAGCTGCCTGTTCAGTGAGATGGAGGAGGTGGGCACATTTA
AGGTCAGTTCACTAACCTATGGTTCAGAGTTCTGATCATATGGAAGTTTG
GAAAAGAGAGCTTATAACAGGTTTGTATGCTGGCGAATGGATAG
>Sequence 3
ACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAGCAGTTTAGAT
TTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAGTAATAACCCTCCAACCACAACCTAG
TCAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGAAAACAAAGAAGAAAATAATA
TTGAAAAAATGGAGATTCCCCAACCAGTTTCATATTTGAAGGATCTGAGT
TGTATTTTTATTAAGGAAATTTTTTTTCTGAATACTGTCTTCCAAAATGT
TAACATTAAAATCTGAAT
>Sequence 4
GGTACTCTACGGTGTCAATAATTATTTCAGTCTCTGCTGCAATTAGTGCT
AATTACAATACCTGAGCTATGAAAATAAAAGATTTCATTATAGCAAAGTT
CACAAATATCGTTTTAGTTCAGTTATCCACATTGTTCGTCTAAAATAATA
CATTTTCTTTACATATAACTGTCTTAGACTTGTAATTGAGGATATTTGAT
GAAACAGATCTGTATCTGAAACAGCACTATGATGCTAAACATTTGCATAA
GGAATGAAAAAAGTTAGCAACCTAGTTTTTTCAATATTCAGATATTTGAG
ATTACACAGAAAACTACATCCAGATGAATGACTGAA
>Sequence 5
GGTACACATATACCGTATTTAGCTCAGTTTGGTATTTTATAGAGGTATAT
TTGGTATTAGAGTTTAAATTGTCTCAAGGAGCTTTTAGACCTTGATTTTT
TTCATGTCATAAAATGAGCTACGAGACCCTTTAACTGAGTAGTAATGAAG
GTAGCCAGTTTTATATAAATAGCATTTATTATTTTATGATCATTTTATTT
AGTTTGTTATGTGCAGATGTTTTCCCCACTAGAATTTAAGTGGTATGAAT
GGAGGGATCTTGTTTGTCTTGCACAGCATTGAATTCCCACTAACTCTTAA
TTAATACTTACTGGTTCAATGAATGAATGGACAGAATAAGCAAGTGTGCT
>Sequence 6
CCCTTAGCGTGGTCCCGGCCGACGTACGCGGGGAGAGAGAAGGTTAAGAG
CAACAAGATGGGAGGCAGCTGCATGGAACCTGTCCCACTGAGGAAGTAAA
ACAGGAATCCAAAATAATACGTTTGCTGGGAATTATAAAGAATTTCATTG
AGAAAGTGAAAAAGAAAAATCTATGCAAAGGAAGTGATTCTGTTGTTTAA
TGCCATTACCTGTCATTCTGTCTCTTACCATGGCTGGCTTGGCTAGTGGC
ACCACGAACAGATCCCTACATACCCCAACACAAGAAAAAGTTTTACTCTT
TGTTGCCCAGTCTGGAGCGCAATGGTGCTATCTCAGCTTACCGC
>Sequence 7
GGTACAGGTTATCTAAAATTTACAACAGTCCTCTTTTCTTAAAAAAAATG
CAGATATGATTAGGATTGTATTTAACACAAAAGCTTTGTAATTCCTGCTT
TAAATCTACTTGGCTATAAAAATTTTAAGGGAATTTTATCGTGAAAGCAG
CCCAAATCTATTCAAAGGAGCAAGCCTTTCAAGCCAGTGACCCCCAATGC
CTTTTTTTCTTTGCCATTCAATAGTGCAAATCACCCATCTGTTACAAACA
GGAACCTGAAAAAGCAACAACATCCTGGCAGTGACTAGCCTTAAAAACCA
TTCCCAACTCTACCTCCAGACCTGACACTGTATTCAAGTGAATGTGCCTG
AGGTGTGATCACCACAAGGAAACAGAACTGTGTCCTGTCTATGCCTATAC
TTGGCCATGCTTGTTAGAGCAAACATCCTGAAGTGACCACTGTGCTGTCC
GCACCCCAGCCAGGCAAGACTGGTTTAGATGGGAAAGTGTCAGGCCTTCA
GGCATATGCTAGGGGAAACTGCCTTTTGAGAAGCTTTTGTTTCCCTGACA

Table 4



CCTTTGTCGGGACATGAAAAATGGANNGGGATGAGCAGCAGNTGGCTGCT
TCTGCATTGAAGCCTGGCTTCTGATCTTACCATAATGAAGAGGCTTTGAT
GGTGTCTATANAGAGGATGGTCTAGAATTACTGAAGAAGAACGATCTAGA
TAGCTTTAAACTACGTGCAAAGAACATTTGATTTTAGT
>Sequence 8
ACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAGCAGTTTAGAT
TTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAGTTATAACCCCTTCACCCACAACCTA
GTCAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGAAAACAAAGAAGAAAATAAT
ATTGAAAAAATGGAGATTCCCCCAACCAGTTTCAATATTTAAAGGATCTG
AGTTGGATTTTTATTAAGGAAATTTTTTTTCTGAATACTGTCTTCCAAAA
TGTTAACATTAAAACCTGAATCAGAGGACTCTGAATGGAAAAGAAGTTTG
ATCACTGACACCTAGGGCTCTGAAGCGTGTGTGGCCACAT
>Sequence 9
ACTTCATTCCCAAGGGCTATGCAGTTATACTGAAGAGCAATGCTGATCAT
CACTTCTCCACTTTACAGGATATTCTCTTGACCCCAAAGTGAATCTGCTT
AACTTGGCACAAGGGAGCGGACATGGTCATTGTGGGCTGCCCCAGGAGAG
ACATATTAGTGGCCACAAGATTCAATGCCTCTATGAAATGGAAGGCTAAT
ACAAAAAAAGGTGGGATCCTTGGGAGCAAAGACACTGGCCAAGAAATACA
CCAAATTTGACCAAAACCCGAATGGAGTGCTGAGGCTCTGG
>Sequence 10
ACTCTTAAAAATCTGTTAAGAGAGTGGATCTCATTTTAAGGGTTCTTACC
ACAATAAAATTAAATTTTTGAAATAAATCAGTCATATTTGAGTGAAATGA
AACCTTTCCGAGTAGTTTCAGACAATTGATAATACCTAGTTTACAGTTCC
TGTAGTCATTTTGGAGGGTGAGGACTTGATGTGTTTAGTAAAGTTGAGAA
ATAAATACATGAAAGAATGTGTGGGGAAGAGAAAGTGTGGGGAAGAGAAA
TTGTCTTAGAGGACCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACCCAG
AAGAATTTAACTGCGCTCACTGCAAAAATTCAATGG
>Sequence 11
CCCTTAGGTGGTGCGGCCGAGGTACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTAAA
CCATCAGTAGAAGCAGTTTAGATTTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAGTA
ATAACCCTCCAGCCACAACCTAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTAGCA
AGAAAACAAAGAAGAAAATAATATCGAAAAAATGGAGATTCCCCAACCAG
TTTCATATTTGAAGGATCTGAGTTGTATTTTTATTAAGGAAATTTTTTTT
CTGAATACTGTCTTCCAAAATGTTAACATTAAAATCTGAATCAGAGGACT
CTGAATGGAAAAGAAGTTTGATCACTGACACCTAGGGCTCTGAAGCGTGT
GTGGCCACATGGAAAAGTCGAAGGATGCGCTGTCGAATCTCCTTTGTCTT
CACTCCATAGACAATTGGGTTGAGCACAGGAGGAACCAGCAGATAGATAT
TGGCCAAGATGACGGGCAGCGGAGAGTCACGCCGCTTGCTAAAGCGATGC
ACCATGGACAAATCAATGAAAAGTACCTTGCCCGGCGGGCGCTCGA
>Sequence 12
GGTACGATCTTGGCTCACTGCAACCTCTCCCTCCCGGGTTCAAGTGATTC
TCGTGCCTCAGCCTCTTGAGTAGCTGGGATTACAGGCGCGTGCCACTGCG
TCCGGCTAATTTTTGTATTTTTAGTAGAGATGGGGTTTCACCATGTTGGC
CAGGCTGATCTCAAACTCCTGACCTCATGTGGTNNACCCACCTTGGCCTC
CCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCACGCTCAGCCTACAAGCA
ATTTTTTAAAAACTGACACCTATTACTGATAAAATTCTCTGTTTAAAATC
CTATTTACTATTTTAAAGATAAAGTATTAGTTTTTT
>Sequence 13
GGGAAGGGTATTTGGAGAAATTCGCCCTTACCGTGGTCGCGGCCGAGGTA
CCCAGGTCAAGTGATTTTGAAGACTCAGCACATCTCATGCAACCAGTCCA
CAATAAGCCTGTTAAACAAGGACCTAGGTATAAACTACATCAGATCCAGG
GTCACCTCAGCCTCCTTCGACATTTACCACAACCCAGGACCCCAAAATGT
TTGCAAACCAATCAGTTCAGAAAAAATTTTTTCAGAGGAATTCCACAATT
GTTTTACCAAGAGTACAACCATTCTTCCCCTTCCTTCCATGGGTACCCCC
TCTGTGAGTAGGGAACTATTTTCAACCAACAGGGAAGGGTATTTTCCTTG
GGAAATGTTGGAAGTCTCCCAAATGACCTAGTTCGGGGGCAAGTCCCCCA

Table 4



GGAATTAGGAAAGTAAAGGTTGGGGTTATTCCCTTTATTAAATTTACTTT
CCAATGACTTTT
>Sequence 14
ACTCCTCGCAGTGCTCCTTGTCTTCAGCCCAGGCATACCCTTCTCTTAAG
GACCAGTCCACCCCCATCTTCAAGGCCTTCTCCAAGTATTTGGCATTCAT
TGGGATGACACCTTTTGACCCCACCCCAACAGGAATGTGGTCAAACATAG
CTTGGGCAAGTTGCTCCTTCACAGGCTGGACATCACTTTCATCTAAATTG
GTTCTTAGCAAGCGGACACCACAGTTGATGTCAAACCCGACACCACCTGG
GGATACTACTGCTTTAGGGGCATTCATATCAAAGGCTGCCATGTTCCCAA
TAGCAAACCCATATCCTGAATG
>Sequence 15
ACCCTTGATTATTTCCTTGTGTTGACTCTGAGATGCTGACCCCAAGCTGG
CTGCCATAGGAGTTGATTCCCATCATGCCACTGTGCGCTGGGGAGCTAGA
GAGGGCTGGAAGCTGGCTGGGATTCCTGGGGACGCTGTAGAGAGCTTCAG
CAATGTCTGCGGCTCGCTTCAAAATGATGTCCTGGTTATTGTGTGGTGTG
CCATAAAGAGCTTCCACTAGATCTGCAGCTCTTTTCAACAGCATCTCCTT
AGCTAGTCTCTCAGGATCTCCAGGATGCCTAGGGATGACCTTCTGCAGTC
TCTGGAAGCCATAGTCTATGGGTGGGGTTCATTT
>Sequence 16
GGTACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAGCAGTTTA
GATTTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAGTAATAACCCTCCAACCACAACC
TAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGAAAACAAAGAAGAAAATA
ATATTGAAAAAATGGAGATTCCCCAACCAGTTTCATATTTGAAGGATCTG
AGTTGTATTTTTATTAAGGAAATCTTTTTTCTGAATACTGTCTTCCAAAA
TGTTAACATTAAAATCTGAATCAGAGGACTC
>Sequence 17
CCCTTTGGCCGCCCGGGCAGGTACGATCTTGGCTCACTGCAACCTCTCCC
TCCCGGGTTCAAGTGATTCTCGTGCCTCAGCCACTTGAGTAGCTGGGATT
ACAGGCGCGTGCCACTGCGTCCGGCTAATTTTTGTATTTTTAGTAAGAGA
TGGGGTTTTCACCATGATTGGCCAGGCCTGAATCTCAAACTCCCTGACCT
CAATGTGGTTCCACTCCCACCTTGGGCCCTCCAAAAAGTGCCTGGGGAAT
TTACCAGGTTGTTGAAGGCCACCCGCCGCTTCAGGCCTTACAAAGACAAA
TTTTTTTTAAAAAAACCGAACAACCTTATATACCTGAATAAAAAATTCCT
GCTGGTTTAAAAAATTCCCTAATTTTACTATTTTTTAAAAGGAATAAGGT
ATTTAAGTTATTTTTTTT
>Sequence 18
ACCTCTTATTCCAGAGAAGTGGGGAGCAGAGAGGAAGATGGAGTGGAAAG
GGGCGAGGCAAGGCCCTCCTGAAATACCTCAACCCAAATCTTCAAGAAAT
CCCCAAGTCCTCACAGTGCTTTTTGTGGATTTTTGTGGAAACCGGTAAAA
GGGGCTGATTTGCTGACCCCAGTGGGTAGAAAACAGAGACTGTCAAGAGA
ACAGAATAGAAGGCAGAAAGGGGATGGGGAAGTTGGGATTCCTTCACTTT
ACATTTCCTTCTGGTTCTCCAAAGTTCTCTTCTCCTTACCCAACTTCTTC
TTTCTACTTCTTCGCTTATTTTATTTTTATTTTTCAATTTCTCTTCTTTC
TTTTCTTCCCCTC
>Sequence 19
GGTACACTTATGGTCCTAGTTACTCAGGAGACTTAGGCAGGAGGATTGCT
TGATCCTAGGAATTCGAGGCTGCAGTGAGCTATGATTGCACCTCTGCACC
CAAGCCTGGGCGACACAGCGAGACCCTCTCTCTTAAAAAAAAAAATAGCA
GAGCTCACCAAAGTGATGTTCACCTTTTTATGACATTCCTTTTTCTTAGC
TTAAGAAAAGAAAGCTGCTAGATGAGAGTCTTAGTTTTCCTGCATAAGAC
CTCCTTTATGAATAGAATAAAAGACTGTCAAAGTAGGCTGGGCTTGGGCC
CAGGCTAATA
>Sequence 20
GGTACAGAGAGGGGCTCGCTGCGCTGGGTAGAGGAAGCAGGAAGTTTGCT
GAACTCAGACGGAAGAAAAAGGATTCCTTGGAGAATCCCAGCAGGTTTCT
GATTGGACATGGGTCCATGTCCTTGCGAAGTCTCCTCCTCCTGAACCTGC

Table 4



CCTGCTCTGAGACTGGCTTTTGACCACCAGCATGCTGCAGACGTGATGCC
GTGTGACTTCTGAGCGGGTCATAAGAAGCCTTGCAGTGTGGCCTGTGTCT
TCACGAATGCTTGCATGAGGAAAACCACTGTCATGTAAGAAGTATGGCTA
CCCTGAGACTGTCATGGTGTGAGGACTCCTAAATGAGTCACATGTGGATG
GCCACCTATTCAGGCCTCAATTCTTCCACCCATTGCGACTGTGGCCCACG
CATGTGGGGGAAGAGGCCATTCTTCACGCCCATCCCAAGCGAGTCTTTTG
ATGATCCCTTTCTGGGCCTACAGCTGACATGTACCAGACATCAGGCAGGA
ACCACCTATGAACTGGACCCAGTCTATCAACAGGCCTGGGAGGATGATAG
TCCCTCGCTGATTGAGGCACTGCATTTGGGATGGTCTGGTGGTTACTACC
TAATGAGAACAAGACTCATTCCTTTTTCCGAAAAAAATAAAAAAGAAAAA
GTCCTTGCCCGGCCGGCTGTTAAAAAGGCCAATTCAACCCATTTTGCGGC
GTTACTTGTGGGATCCGGCTCCGAACCAACCTTAGGCGAATTATTGGCAT
AGTT

>Sequence 21

ACAGAGGAGGAGGGCGCCAAAGCTGAGAGAGGCAACCCCTCAAATATTAA
AAAGGAAGAAATGGCGTGATAGGCTAGCACATTTTATGGAAAGCCATGTT
TTAATTAAATGTTTTCCCTACAAATGTTCTCTGTATCAAGGAACCTGGCA
CATAGGGAATGCATGAAACCTGATTTATAATCAGATTCAGTCTACTTAAG
TAATAACCTATATCTAGATGATAGATTGTCAACTGTGCTACTTTAGCCAT
CATCACATACCCAGCGTTTCTATCCTTAGTGACACAGCTGGGCCAGAGGC
AAGGCCTGCATTCAT

>Sequence 22

NGATTATGTAAATACCGAACTCCACTTATGAGGGGGCGGAATTTGGGGGC
CCCTTCTTAGATAGGCTATGGCTTCCGAAGCCGGGGCCCGCCCAGTTGGT
TGATAGGGATATTTTCTGGCGAGGAATTTTCCCCCCCTTTAACCCGTGGG
TCCCCCGGGCCCCGAAGGAACCCTTTTTTTTTTTTTTTTNTTTTTTTTTG
TTTTTTCTTTTTTAAAATTTCTTGCTTTTTTTTTTTGCTCTTTTCTCTTC
TGTTTCTTATTTTTTTTTTTGTTTTATTTTAATTATTTTTGTTTCTTTTT
ATTATGGAGGGATAAAAAAGAGGGTTTTTTGCTCCCCCTTTTTATTATAT
ATAAATATTGGTGTTTACAACAATAAATATTATAACGAACGGGGAGGGGG
TGCTCCTA

>Sequence 23

CCCTTGCGGCCGCCCGGGCAGCTACAGAATTTCCTTTTATATTATTCCTC
TACCCTCCACCTGTAAATGAATGTTAGTGCAGTAATTGTTTGAAATAATG
CCTCATCCAGTGTTAGGTCAGTAGCTCCACAGTCTACACAGTCCAGAATT
CTTTCTCTAATTGTCCCAAAGGGGGACATTGTGGAGGCAGGGTTAGGGGG
AACCACTTCAAGTGGTTAGGGACAGATAAATAATAGGCAGTATAGCACAT
GAAAGAAAACACACACTTGGAAGCCAGGAGACTTGTGTCCTAGTCAAAAC
TCTGGCATTATGTGACCTTGGACAGGTCATCTAACTACTCTGAAATTTAT
CATCAGTCAAATAAGATTTTATTCTGTTTTGTTTTGTTTGAGATGGGGAT
TTGCTCTTGTTGTCCAGGCCGAACTGCAATGTTGTGGTCTCGGCTGACTG
CAACCTCCACCTCCCAGATTCAAGCGATTCTCCTGTCTCAGCCTTCACAG
AAGCTGGGATTTTTTTTTATTTTTTTTGGATTTTTAGTAGAGATGGGGTT
TTACCATGTTGCCCAAGCCGGTCTTGAATTCCTGTCCTCAGGTGGATCAT
TTGCCTTCGCCTTCCAAAGTGCTATGATTACAGCGTGAGCCACTGAACCC
AACCCAAATGAGATTGTTCTAAAACTTAAAGTTCTTTTGCTTTTGCAATT
CTGGGAAACTAATTGAAATTTTTCAAGGAAAGGATTTTTTATTTGTTAAG
AGATGTTTTATTTTATTAATCCCA

>Sequence 24

CCCTTTCCAGCGGCCGCCCGGGCAGGCACTAAATGTTAGGCTTCTTGAAC
CCAGCATGTTTTTTTCTCTCTTCTTATCAGCAGAACACACGTTGCTCTCT
TTACTTGGAACGCCGCCTCTGACAGATGGTCACCTCACCATCACTCATTC
ATCCTTCAAGTCTTCGATACAATTGCTTCCAAGAAAACTTACCTGATTAT
TTGAGCTTGAGATAGCACTCTCTGGAAAGCCCTAGAATTTTTATAGCTTG
CGGTAATTGCTTACTGAAATCTCCAGTGGGCTGGAAAATTAGGGAAGGTA
TTTTCATGTGTCTATTGTTTAATTTTTTCATTACCACAGCTAGCA

Table 4



>Sequence 25
ACAGAGGCTTAGGGGAAGTGAGACATAAGCTTGTAGGAATAATAAACGTT
CTACAATAAACGTTTTGGCTATCTTAAGCCATTGTATGGGGGGGATTAGG
AAGTAGGAGGGATTGTCCTACAACAGGCCCTTATACTTCAACAGCCCAAA
TATTTTGGTTTATTCCTTTTTATCCATAAAGTCTTTATTCTTCAAGTTTG
GGTATTATAGATTACCATTGTTAGCCT
>Sequence 26
CCCTTAGCGGGGCGCGGGCCAAGTACAAGGCTAAGCATTTTAACTTTATA
CTGGAAAAAAAATCATAACATAAGGTGGAGGGGATATAAGGTACTATAAG
TCAGTTCTTTGGCAACTGTGTAAAAAACAAAAATATAGTGGTAAATCTAT
AAACTTCCCAATAGNCATGCAATCGTACACAATTTAGAATATCTTTCCCT
AGGCTTAAAAAAAAATAAAGTTGTAATACCTGTGAATAATTTAATGGAAA
TGAACAATTTCTGACGGTGCTTAGAGGAAATGGTGCACTAAATAGTAGTG
GAAAATGAAATTTTCAAGTAATGGGGGCAAAAGAACCACTTGGAGGGAAC
GAAGTGTTTGGAATTAGGATAAATTTCACTTTCCGTGAAATGAATTCATG
GCCTGTAGTGGCTAGGTAAAGGGTATTAAACCCCATGGGAAAAGAATTCC
TTGGAGGAG
>Sequence 27
GGTACAATATAAACCATAATTGTGATTTACCTTAAGTAGGTATAACTCTT
ATGGGATATACAGTATAGTTTTTGTGAATCTTTACATGATAGCATTATCT
TTTTATAATTTTTTTTCCTAAGATAAACAAATGCATAGTTTTCTTCTATG
GGTGATAGAAACAGCTTTTTGAAGTAATGAAAACCTCAAAAGATCATGTT
GATTCTTAATTTTTGCCTTTTGCATAAGCCTCTTTATAACATGTATCTTT
AAAACAATTAAGTCCTTAGGAATGTGTAACCAGAACTATGTTAGTATTGC
TTATAAAACTTTAGTTAGGTTCAATATATACATATATACA
>Sequence 28
GGTACCTGTATGAGGCCCCTGGCAACTTCACACGACCTAACTGAACTCTC
TCAAGCCATCCTTTCAAAAGGAATGAAAATTGAGGTCTCTTGTTTTATGC
TGAAGACTCTACGATGCCTGCAGAGTCAGGAACTCTGGAATCTTAGGTGT
CCTCCTTACATATCCATCTCCATCACCCTTGGCTGAACATGCTGAGAAAG
AATGACCCGGCATGCATGCAGAGAAGAGTCACTACTTTCTGTGTTCAAAC
ATGTTCGGGCCCTGTGTACCTGCCCG
>Sequence 29
GGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAATAATCACAGTAAG
TTCATTCGTATTTGTCAAAACTAGGAACGCTCAAGAAGTTCTGTAGGTGA
GTAGATTAAACAGCCGGCAGTAAATTCATAGAATAATATTCAGTAATTAT
AAACAAGAGCTATCAAACCATAAAAATACATAAATGAATTTTAAATGCAT
ATTGTTAAGTGAAAGAAACAAGTCTGAAAAAGCTACATAATATGTTATTT
ATTTGATATTCTGGAGAAGTCCAAACACACAAAGTGATTCTGTATTCGCG
AGAAATTTAAGGAGATGATGAAAATGGGTAAAAAATAGATTTAAG
>Sequence 30
GGTACTCTACGGTGTCAATAATTATTTCAGTCTCTGCTGCAATTAGTGCT
AATTACAATACCTGAGCTATAAAAATAAAAGATTTCATTATAGCAAAGTC
ACAATATCGTTTTAGTTCAGTTATCCACATTGTTCATCTAAAATAATACA
TTTTCTTTACATATAACTGTCTTAGACTTGTAATTGAGGATATTTGATGA
AACAGATCTGTATCTGAAACAGCACTATGATGCTAAACGTTTGCATAAGG
AATGAAAAAAGTTAGCAACCTAGTTTTTTCAATATTCAGATATTTGAGAT
TACACAGAAAACTACATCC
>Sequence 31
GGTACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAGCAGTTTA
GATTTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAGTAATAACCCTCCAACCACAACC
TAGTCAGGGTATTAATAATTATATATAGCAAGAAAACAAAGAAGAAAATA
ATATTGAAAAAATGGAGATTCCCCAACCAGTTTCATATTTGAAGGATCTG
AGTTGTATTTTTATTAAGGAAATTTTTTTTCTGAATACTGTCTTCCAAAA
TGTTAACATTAAAATCTGAATCAGAGGACTCTGAATGGAAAA
>Sequence 32

Table 4



GGTACAGAAGACGCTGCATCCCTCGGAGGAGGAGGTGAACCAGCTGCACC
AGCGTTATATCAAAGAGCTGTGCAACCTCTTCGAGGCCCACAAACTTAAG
TTCAACATCCCTGCTGACCAGCACTTGGAGTTCTGCTGAGTCCAAAGGGC
AGGGCCAACATTAGGGAGCCCAGCAGGAGGTGCTGTGCTGAGAAGACTTC
CTGGAGGTGTTTGTTGAACATATCTGCAGAGCCTTCCCAGACTCCTGCAA
ATCCAACCCATATCAGGCTGTAAGTCAGAGCAGGCAATGCAGAAGAGGAG
ACCAGACCAAGGGGTCAGCTGGGGCTAGGA

>Sequence 33

ACGGGGGGAGAGTGTTTTGAGAAAGAAGTGGTGGGACGTCACTGTCTGTG
GAAAATTTCAAGGAAAACTGAAGGATCATTGAGATGAACAGTGTGGCAGA
ATTGAGAACTCTTGATGTTTCAGTGAGCTTTAATGGAGGAAAATCTGTCA
TTTCAGGATCATTAATTGTCACAGCCACAGAATGTTCTAACGGGATCGCA
GCCATCATTGTTATTTTGGTGTTACTGCTACTCCTGAGGATCGGTTTGAT
GTGGCGGTTTTGGCCCCTTTGCTGC

>Sequence 34

GGTACTCCAGCCTGGGCGACAGACCTTGCCTTTTCAAAAAAAAAAGAAAG
AAAGAAAGAAAAGAAAAGTATTTGGACACATTTCTCCCAATATGTCCAAA
TTTTCCAAAGCAATTATATCAAGGGTATTGGCTCCTTGGTTAAGAACTGG
GCTTTATTTTCACACACTCCCTGAAATGACACAGCCAGAGATCAGGTAGG
ACCCAGAGAGAACAAAGTTACAAACCCTGTGTCCAAACAGCATCCTAAAA
TGAAATACTCCTGGATGGAACCCTTGGAAAACTCAGTGTTGACCATATTC
CCAGTTACCCATAAAAACTTATCAAGTTGTGGTTTAGAAA

>Sequence 35

ACAACCAGAACCAACAATTGTATTTCTCTATAGTTATTTTAAAATAGTAA
TCAATGCTATGTATTTGATGTATATGTTTCTAAATTAGAAATTTCTTTTG
GCTTTGTGTTTTTTTAATGTGCGTTAAATATGTAAACTGAACCTGTTCCT
AAAATGCATTAAACTTGAATGCTGCGTCTATCCAATGCCAAAATGCTCAG
AAGAAAAGTGAATAATTCAGTCATTCATCTGGATGTAGTTTTCTGTGTAA
TCTCAAATATCTGAATAT

>Sequence 36

GGTACTTTCTATTTTTTTTTTTTTTTTTTGAGATGGAGTCTTGCTCAGTC
GCCCAGGCTGGAGTGCTAACCTCTCCTTTCATGTGGAGATGGACAGGGAT
GGCAGGAGCACTGAGTGCTCTTGACAACACCATTGAAGATGATGCTGACG
ATCAGCTACCCTGTGGAGAAGGCAGGCCAGGCTGGGTGAGAGGGGAGCTC
CTTGGAAGTCAGGGGGTCTGTAAGGACAGCAAGGATCTCTTTGTCCCAAC
CTCCAGCAGCCTTTATGGGTGCTTCTGTGTTGGCCTTGTTTCTGGGATGG
CCATT

>Sequence 37

CCCTTTGAGCGGCCGCCCGGGCAGGTACTCTTAAAAATCTGTTAAGAGAG
TGGATCTCATTTTAAGGGTTCTTACCACAATAAAATTAAATTTTTGAAAT
AAATCAGTCATATTTGAGTGAAATGAAACCTTTCCGAGTAGTTTCAGACA
ATTGATAATACCTAGTTTACAGTTCCTGTAGTCATTTTGGAGGGTGAGGA
CTTGATGTGTTTAGTAAAGTTGAGAAATAAATACATGAAAGAATGTGTGG
GGAAGAGAAAGTGTGGGGGAAGAGAAATTGTCTCAGAGGACCATTCTTAG
TGGCACTGGGNNGAAATCTTGGCACCCAGAAGAATTCAACTGCGCTCA

>Sequence 38

CCCTTAGCGTGGGTCGCGGCCGAGGTACAAAGTCCAGGCCCCGGCACGGT
GGCTCACACCTATAAATCCCAACACCCTGGGAGGCCCAAGGCGGGTGGGA
TCAACCCCGGAAGGGTCCAAGTGTCCAGGGGGAAAAGTTTGGAAACCAGC
CTGGCCAAAATGGGAAAAACCCCTGTCTTCCCTTAAAAAATAAAAAAAAA
ATATAGCCGGGTTTGGGGGGCAAGGTGCCCTTTTAATCCCAAGCTTCTTT
AGAGAGGGCTTAGGGAGAAAA

>Sequence 39

GGTACACCTTTCAAAGGACTTTGTGCCCGTGGTATATCATGATCTTACCT
GTTGTTTGACTATGAAAAAGAAATTTGATGCTGATCCAGTTGAATTATTT
GAAATTCCAGTAAAAGAATTAACATTTGACCAACTCCAGTTGTTAAAGCT

Table 4



CACTCATGTGACTGCACTGAAATCTAAGGATCGGAAAGAATCTGTGGTTC
AGGAGGAAAATTCCTTTTCAGAAAATCAGCCATTTCCTTCTCTTAAGATG
GTTTTAGAGTCTTTGCCAGAAGATGTAGGGTTTAACATTGAAATAAAATG
GATCTGCCAGCAAAGGGATGGAATGTG
>Sequence 40
ACCCCCTAAAATTTACAAAAATTTAAAAAATTTCATTTGTGCTTACTGTC
TTTACTGAAATGTTAAATATTTACTCATGAGTTGATTACTCTGTGCACGT
GAGATTGTCTTTTGTAGTTATAAAGAAGGGATGCTTAGAAGTAGTATCAG
TGTTCTTTCTTATTCCTATCCCTCCCAAATCTCACACCAGAAAATGCTGG
AATTTTTTGGAAGGAAATAGAGAAGAGTGGAATTAGGTTTAGGGATGGTA
GTCCTAGGAGGAGGGGAGTAATGGAAGTTATAGA
>Sequence 41
CCCTTTCGAGCGGCCCGCCCGGGGCAAGGGTTACCACAACATAGTGGCTG
TCATTCCTCAAATGGCAAAACAGCCCCTGTTGAAGAATAACTTTATTGGC
ATGAAATAGAATTAAATCTTTGATTTTAATTTCAAAAGCCGATCTGGGGC
TGAAATTTTTTGGAACCCTATTTTTTTAAAAAAAAGTTTTTCCCTTAAGG
GTTTTGGATCCCAAAAAAAATGGTTTGA
>Sequence 42
GGTACCCGAAAAGAAAGGAAGCTTTAGTAATGAAAGGATTGCTGCCAAAA
TCCTGTTTCCCCCTTGCAGATCTTACAGAAAACAGCCACAGAATCCCAAG
GCATCAGCACCAAGAGAGCCTGTAGAAACTATCTGGTCTAAGCTCCTGAA
GCCCAGAGATAAGAATGACTTAACCCAAGCTGCACAGCCTCTTAACAGTC
CACTGTTAACCCCAGAAACAGATGCATTTGAATCTGAAAGGAGACAGGAA
TCCTAATCCTACTGCTCAGGGACTTGCTGATTTACTTTGCTGTCCATTAG
CCTTTCTGTGACATGATTTTCTACC
>Sequence 43
ACTAAGTTAAAATAAGGTCTTGGGCAAATTAAACTCTGGGTTTTAGTTTC
CTTATCAGGTAAAATGATGCTAGTAGGAGCTAAAGATTACTTTGAAGGTT
CTGTGGGAATTAAGGTAACATGCTTAATATAATAAGGGTTCAGTAAATGT
TACCTATTGTTTGCTGTTAATCAGATAAGCAGAATACATTCTATGTGACC
TACCTTTCTTTATAGGTGAAATGTGGGAACGTTAGGAATTTCTTTACCAC
AAAGTCCCTCTTCATATGCCAGTCACTAAGTTGTAGGAATTTAAAGGTGT
TTTTGGGATAATTGTCTATACTGAGAAGGTTCANGATTCTAAAAAGTAA
>Sequence 44
GGTACTTTCATCAGACCCCTGTTTTGTGATATATATTACCTGCTTTCATA
TTTGTATTTTAGAACTCACTCTTCATTCCCTATTCCACTACCCAACTTCA
TACCAAAAATCCTGCCAAGTATTTCAGAAAACTTGGTTATTAACTTGGAT
TAATTACAGTAGACATACATAGGAGATGTGTCTATAGAATGCCAAAATAT
TTAATTGTGTCAGAAATTTAGTCATTCATCCAAATATTTTGTCCATATGA
TGCCAAACATACTTAATGAATTATGTTAGCTGACAAAATTCTT
>Sequence 45
GGTACCCGAAAAGAAAGGAAGTCTTTAGTAATGAAAGGATTGCTGCCAAA
ATCCTGTTTCCCCCTTGCAGATCTTACAGAAAACAGCCACAGAATCCCAA
GGCATCAGCACCAAGAGAGCCTGTAGAAACTATCTGGTCTAAGCTCCTGA
AGCCCAGAGATAAGAATGACTTAACCCAAGCTGCACAGCCTCTTAACAGT
CCACTGTTAACCCCAGAAACAGATGCATTTGAATCTGAAAGGAGACAGGA
ATCCTAATCCTACTGCTCAGGGACTTGCTGATTTACTTTGCTGTCTATTA
GCCTTTCTGTGACATGATTTTCTACCAAGCAAAGTCTTTTATTCAAGTCT
CCCAGAGATTTCCTATTTAAGCGTTTGCTATTTGGCCACTTAAAAAAGAC
AGAAGAGAAGTAAACAGAAGCATATACCACACAACTCAGTCCAGTCAGTA
GTTGACTCTCAAGATGGCGGATGTCACTGGGATGGCTGAGAAATAGGAAC
GGATGTGGAGAAAGGAATGGCAATGGAGTTAGCTGTTTTGTCTACCTGCT
GGATACCTGGGAAGCCAGACTCTGCGTGGACAGTGAACCCTAATCATAGG
AAACTTTGCCTGTGCTTGCATCAATGGTCATGGAAAACTGTTTCTTACCT
TGAAAAATCCCTCTTCTTCGTTCCTTAAGTACCTGGCCCGGCCGGCCGTT
AAAGGGCAAATTCCAGCCACT

Table 4



>Sequence 46
ACTTACATGATTGAGGTTGACTATATGAGGTATTGTTAGTCTGTTAGTCT
TTCAAATTGACTTTTAAAAATACATATCTTTATGATTTTCATCATAAAGA
CTGGCAATATTATAACTAAAAATCTTACTATAATGAAAGAAATCATACAT
AAAAATGTAGCCTGCCTTACATATAAGCTAATGTAGAAAAGTTTAGACTT
ATAAAAAGGCAGATAGTATATATATATTTATATACATGTATGTATATGGT
ATATTATACATTTGGTGGCAGAAAAAGAAGATACTGCATTTTCACATTGA
AAAGAATACTTTGATTTTTGC
>Sequence 47
ACAAAGAAAAATTTGAACGTTGCGGCTTAAAATTCAGTTAAGAGAATTAA
AAAGCAAGTCATAAATGCCACATTTTTCCTCAATAAAAAGTTTTGACTAC
TGTGTTTATCTGTTGTCTTGAGTAACTTATTCATGAAGCTCTCCTATTCT
TCCCCAAGACCATTTCGAAGAAAGAAAATACAGGTTGGTCTTGCTTTGTA
AGCAAGAAAAAAAAAAATATTGTATATTTTTTTTGGCCCTAGGAAGCTGC
TTAGTN
>Sequence 48
ACTAGGAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAAACTGAAAACCCATCACCTCC
TTCCCACTGCTATAGCAGCGTTAGCCCTGGGGTTCATTATCTAGCCAGTT
CACACCTTCTAAAGTGGGGCTCTGAAAATGTCTTACTTCCCTCACAGACA
AAGCAATTCTCAAGCCTCCTGAGATCACCCACCAACCAGAGCAACTGCTG
TCACTTGGAGGTGCAGCTGAATTCTTCTAATTGTGACACAAACTCTTGAA
ACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAACACTCAGAAGGTTTTA
TAAGTAAAAGTAGGTCAAATCA
>Sequence 49
ACAAATATGCTTCATAACAAATTACAAACACTTGAAATATACTGGGATTG
TGTTTATTCTCTGTTTAGTTAGATAGCTGTATTGAAGTCTCTGTAAATGA
AAAATTTACCCCTATCCCTCAACATGTAGGTTGAGAACAGAAATATTAAT
GGGTGTGATTTATTAATTCCTGAGGGCTATTAGCCCATCAATAGACTACT
TCAAATAACCATTAGTCTCAATAGTATTGATTAATTCCCCAAATACATTT
AAAGCAATAGTATATGAAGTGCCCTTAAGTGAGCCTCACGTTTACTCATT
CTACAGATAAGAAACCAAGGTACC
>Sequence 50
CCCTTTGAGCGGCCGCCCGGGCAGGTACAACAAACCAATAATGATAAAAA
ATACTTCTCTTTTTCTCCCTGTTTCCCTTTTTCCCTTGGCCACAGCCAAA
TGCTAATTGCTGCTTTAATTACAGAGATGTGTAAATGTATTCAGATTACA
AACTCTACAGGAATACATCAACATTTTAACTCTTTTGCGTTTTTACTGTT
TAACTGTTTTAAATGCAAGTTATTTTAGGGTGACACTCCTTCCAGTTCTG
GCCAGATCATGAGTTTCAAGATCAAGAGTAAAAAGTTATTAGAATT
>Sequence 51
ACAGTATACAAGTTTTTCCAAGAAATCCTAACCCTGGGGGCTCAGGCGAA
TGAGGAGGGTCAAATGCTGAGGGTGGGAGAAAGCAGATCTAGACAGCATT
CTGGAATTGTTGCTTTGCCATTATTTGCCCAGAAAACATTTATGGCAAGG
AAGCCTGAAAACATGGCAATGGTTGTAAGATGGGTTGCGATACAACTGGT
GATGTGAGAAGTGAAAATGAAACTGACTCCTTTAGGGAGGACATTGGTTT
ATAGTAAACAGGTTTGCCTCATCAGAAATGAATATGGATATTGCTACACA
ATAAAAAGAGGAAAAACACCAACAACAGTAACAATGGTAATCACAATAAT
GATAATGACTCTGTAGGTATAGAACCTCCAGTTTTTTGTGTTCTGAAGGT
TATTTCAGAGTTTCTTGCAAGAGAGAAAACAAATCAGAAAAAAAGGGGAA
GAGAGAAGATGGGAAAATAATTTATGTATGGGTATACAAAAGTAGATATA
GGCAGTCAGAGAAAAACAGATACAGACCGAAAAGGAAAAGAAACTTAGAG
GAGATATTAAAATGCTACTGGGAAATTGCTCTGTGGCCTTAGTACCTCGG
CCGCGACCACGCT
>Sequence 52
GGTACTTGAAACTTGAAAGCGTCTCTTAATAACACAGCACAGCAATTAAC
AGCTCGCAAACTTTTGTTTTATACACACCGTGTCACGACTTCCAGAAACC
TTCCGGATTGGAGTCCAGTCCTTGCGTTTGTTTGGTCGTTCGTCCTCTTT

Table 4



CCAGGCAGGAGAGTGTCACCTCCGCGTTTTCTCCCTTGTGTAGTCGGAAT
CCATCTATTGCAGGGTGCCGGTGGAGTCTGCAGTGTGTTCTTTCCTGAGC
AGATTACTTTCTCCCTTTAGACTGCTGCGGCTTGCAGACTAAAACAACCC
GTTGATTTGCTTGACTTCCAGGTCTAAAAT
>Sequence 53
ACAAGATGAGACAGAATTAGAGGATGAAAATCAAGAAGGCATGACTGTGC
ACAGTTCTGTTCACAGCAATAACCTCAACTCTATGCCAACTGCTGAAAAG
GGTAAAGACACATTAAAATCAGCTTATGATGATACAGAAAATGACCTAAA
AGGAGCAGCTATTCATATCTCAAAAGGGATGCTCCACGAAGAAAAGCCTG
GAGAGCAGATTTTGGAAGGTGGCTCAGAGAGTGAATCTGCACAGAAAGCT
GCAGGGAATCAAATGAATGACAGAAAGATTCAACAGGAATCCCTGGGTAG
TGTACCACTCATGGGAGATGACCACCCTAACGCATCCAGAGACAGTGTGG
AGGGAGACGCTTTGGTAAATGGGGCCAAACTGCACACGCTTTCAGTGGAG
CATCAACGTGAGGAATTGAAAGAGGAATAAGTTCTTAAAACTCAAAACCA
ACCTAGATTCTCCTCTCCAGATGAGATGGATTGCCCCAGAAACTGGAAGA
CGAGGTCCCATTCTGGGAAGAAATCTTTCCTGCAACAAGAAAAGATGTGG
TTGCCCAACCAGTAAGCAAATGAGTTGGAAGATAAGGTTCTTGAGGGAGA
AGCCAAAAGGACTTCCTGGATGAAGAGTTTTTCATACCAAGCAATGCAGG
GCACAAGGGTTGGCGGACAGACCCAACTGCCGTACCAGAGGACCGCTTTT
>Sequence 54
ATCTTTGCCGTGGTCGCGGTCGACGTACTCAAAAACTCACCCAGCCTCAA
CTTGAAAATGATTCATATGCCAAGGAAAAACCATTCAAATCCATTCCGAA
ATTTCCTGTCAACTTTTTAAGTTCAAGAACAGACTCTATTAAAAATACTT
CCCTAATTGAATCAGCTGCTGCATTCTCTTCCCAACCATCACGAAAATGC
TTGCTGGAGAAAATTGATGTTATAACAGGGGAGGAAACAGAACATAATGT
GTTAAAGATAAACTGCAAGCTTTTCATATTCAACAAAACAACACAATCCT
GGATTGAAAGGGGCAGAGGAACGTTGAGACTGAATGACACAGCAAGCACT
GACTGTGGAACATTACAGTCAAGACTAATTATGCGCAATCAAAGCAGTCT
AAGGCTGATCCTTAACAGCAAACTCTTGGCCCAAATGAAGAATTCAAAGG
AGCAACCACAAAAATGTACCTGCCCCGGGCGGGCCCTCGAAAGG
>Sequence 55
ACTCATTTAATTAGGGTTGCAGAGGAGATGGAAAAACAAGCTGTTTGATT
ATGAAGGCAACACTTCTGTCAGTAGAATTGCTTTGGATTGTAAATATGTT
TACTTCAGAGGAAATCAGTCAGAGTGGATGGCTCAGCAAAACCCATCACA
ACTGCGGAAAAAGGAAGTGACTGGCTAGAGGTAAGGAAATAGATTTTCTC
TAAGTTAACTGGCCTACGTGTGAATCGAACCCTGCACCCTGGCCTCATTA
GCACCAACACTGTGAAGAACAGCTGTGGCAGAGAAAGTGCCACGGCCCCA
CCCCATCACCAGATTCAGTAGAAAGGCCCTTGGAAT
>Sequence 56
GGTACTAAAATTCCTTGGTTCACTGATTCGAAGAAGAACATCAGCAAGAA
CATCAGCTCGGATGGGCCCTTAGAGAGCAACAATAGATTTGAAATAAGGG
ACAAGCCAGGAGGTTGCCGGGGGGCGGGTAGGGGGATAGTTGCAAAAATG
TTCTGAACTTTAAAATAACGGTCCCTTGCAAACAGAAGTTTTTTCTCCAA
AGTGTCTCTCCTCCAGATCTCCCATCTACCATTTCCACCCTGCATGTGAA
TCTCACTTTTTAAGGGAGTTGGCTTGGGTTCAGGTTTACGACACCTTTAA
AAAGCTTTTGGTTAATAAAGGCCTTTCAAAAAAACCTTTTCTGC
>Sequence 57
GGTACTCAATGGTGGCATATTTATAGTATTATCCCCCAAATTTTTCCTAT
CTACAAAAGTTTTTAAAATCTTTGAAGCCACATTATTTGAAGACTTAACA
GGAACAAGAGATGGCGTAAAAGGCTGTAGATTATCTTGGAAAATCCATTT
CACTGGAGCAGCTTGAGAATGCTGACCACCTTTCAATTGTGTCTCTGTAG
CAACATTCTTTGGAATTTGTGTGGTATTTAAGTATTACTGGCTTTGCTAT
TTCTGTAACAGGTTTTTGGGTAAAATGTTTTTGAAAAGTTCTTGGTAACT
ACATTTTTCACTTGGATTTACAGGAGAAAC
>Sequence 58
ACTGGAACATTTGTAGCTGAAGGAAAATCTCCAAAAAAGATTTCAAAGAG

Table 4



ACTAAAGTAGGAATGGGTGCTGGAGAATGAGCAAGAAGGGTGAGAGTCCC
ACGGGTGAAGGGAGAAAGCAGCAGAGAATGAATATAAGCCCGGAGAATGA
ACATAAATGTGAGGGGAAGAGGCCAGAGGCCAACACTGGAAGGACAGTGA
GGGCCAAGAAAGGAACTACTAATGTTTCTGAGACCTGCAGGGAACCATGG
TATTAAGCT
>Sequence 59
GGTACAGTGAAAAGAGCCAAGGCTGTGTGACCCCCTCATCACTTAGCCAG
GCGTATGGTCCTGGTTTCTGAGGCTGCAGAAAGCATCTTAGCAATTTGTG
TTTGGATGGTCCATGCCTGACTATTCTAGGCTGGAGGTTCCTAAAGAGTA
ACAAGAGGAAGAGAAACAAGAATCTCTGACACTTGTTGAGAATAGAGCAC
AGTCCCATTTGTTTGAAAAGAGACACCAGGTAGCCATGTTTATGTGCCAG
AAATGCATTCCACCTCAAGGAGGACTTAATTTATGGACCCGTGTGTGCCA
GGCTGAGCTGGGCAAGATCTTTCTCAGGACAAACTCTGCCATGCAGCTAA
AAGCCTGGAAACTAAAGGATTTCATGTAGTAAACTATCTTCCAACCCCTG
TAGGCATCAGACCACAGGATGAGGTTTCAGAAGGTCATAAGGCAGAATAG
TTAAGCCTACAGGGCTTACAGTCTGACAGACCTGGGTTCAGTTCTTGGGT
CTTCATCACTAGTTTTGTGACTTCGGGAAGATGACTCCCCGAGCCTTAGT
GAGCCTCAGTTACTTCATATGTAAATGAAGTAATACTACCTACTTCACGA
GGCTGTTGAAAGGATTAAATGGAGAATGGGTGTAAAACCCTTAGTGCCAT
GCCGGGCACACCACCAAGATGCCCAAACGTTGATGTTGGCACTACACAAT
GTGTTATTCCAATACAGCAGAGCTAGGT
>Sequence 60
ACAAGAAGAGAGGATGGAGACGAGGGTAGGCTTCTTTTCAGATTATACAT
TCTGGATCAGAAAGTCTATATCAGTGGGATTTTCTGAATGACCCAGGTTT
TTTTTGTTTGTTTTTGTTTGTTTGTTTGTTTGATTTAGAATTTCCTGGGT
CTAGTTATTTTTAATGTATTTATTTTATGAGATTCTAGTTTGACATTTGA
TCTATTACTTACATTTATTTTTTAGTTGTTCATTTGTATCTCAATTATTC
TCTCTTTATAATAGTGTACGTTTCTATATATCTTACTTTGTATATAATTA
TTATATTCTATTTTATAGTTTGTGTATATTATTCACCGTTTTTGATACTT
TACATCGTCTAATCACACATTATTACTCTTTTTTTATATTCCTCTCCTTT
C
>Sequence 61
ACACAGTGAAAAGGTATTTGGCTGTGTTTCTATTTACATTCACTGTCCTT
GATAAATACTAATTGGCCAGTGATTGTAAGTCTCAAGAATTTTTGCTGCA
GAGCGTGTGGTAAAACTCATTTTAAGTGGTGTAGGAGTCATGCAGTGTTT
ATCACTTAAGTGGGTAATCTGACAGCTGTATTTTACTGCCTGACTGCAGC
TTTATTCTTGATCATTCTCTTCCTTGAGTAGTGTGTTATGGTCATGTTGT
CTTAGCTGCAATTAATTCCCAACCTTTTTTTGTTTTCCAGTCTTTGTC
>Sequence 62
GGTACCATTCCTATGATGGTAGCCATTCTTCTCTTTATAAAATATTTCCT
CTTTGAAAAGCGTCCTAAAACATTAATTTCAAATCCCCTCTTGGATGCAA
AGTGTCCCTAAGACCGTCCATTCAACAGTATTTATGTGAGCCAACTTACT
AGAGCCGCTACAACTAATCATGATAGACAGTCCAGAATCTCCCTGGACTT
TATACTGGGCCAGCCTCATTGTCCCTAAGATTTCTCTTTTTATGTCTCAC
GGATTACTTCTCTTTTTAATTGCCCCAGGCACATTCCAAATGAGAACCTG
GTAAAAGTCACATTGGAC
>Sequence 63
GGTTTATTNCCTTGGCAGATTCGCCCTTTTGAAGCCGGCGCCCGGGCAGG
TAACTTTNTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGNNNNGGGGGGGGNNAA
AAAAAAAAAAAANCTTTAAGGTTTTTTTTTTTAAAATTTGGGTTTTTTTT
TTAAATTTAATTTTTTTTCTTTTGGGGGGTTTTTTTTATAATTTTCCCTA
AAAAAGGGGTTTTTTTTGGGAAAAAAAAATTTTTTTTNTTTTTNNAAT
>Sequence 64
ACCTGCAATATATTTGGAGTATTATGTCTTTATTGTTGTTAAAAAGTTTT
TATTGAATGTATGAAAATTATCAAATTGTATTCATCAATTATTAACATGT
CCTGGGGAAGGAAGGGAAACTTTCTAGGACAGAAGTCACTTTCAGATGTC

Table 4



ATGTATGTATNTGGGTGTTCAATCATATCTAACACTGTTTTGATTTTTGT
GGGAAAATATTCCAGGAAACGCTAATTCTCTTTAGACTCCTTGTTCTTTT
ATGACTACAATGAACATATGTCTATGTGATAGCTAAAGATATTTTTGAAT
TGTATTGTGTGCTTAATTATCGGGTAAGTATAAATATTTGAGAA
>Sequence 65
ACTTCTATGATATAGTTGTCAAAATCAACTGGAGGATAATAAAATATTGT
GGGTTCTCAGCATTCTTAGAATCCAAATTACAACCATATCAGTACGGGTT
TGGTCCACATGAGCCAACTGAAGTCATTTTCCTCAAGGTTGGAATTTGTG
CCAACCTAAATACGTTGTTTCTTTGATGGTGTTTATTGCTATTGGTATTA
TTTTGAACTAATAACAATTATTTTGTCTAAATAATGCTAAGACAATTCTG
TTAAGAATTTTGTCAGCTAACATAATTCATTAAGTATGTTTGGCATCATA
TGGACAAAATATTTGGAT
>Sequence 66
ACTAGGTTGAGAAGTTTCTAATGTGAAAAATCTTGTTCATCTGTTCATGC
AACAGACATTTATTAGGCATCTGTAGACCATATAATTGAGACAGAGAAAC
ATTTTGGAGAATTAGAAGCTCACACTATTTATGGCATAGGTTATATAATT
ATGATAATTTATGATTTACTTTCTTGACAAAAACAGCTACAACCATGTAT
ACCTACTATTTCTCCTACAAAGTAGGTGAGATTTTTTGATTTTACATTAG
TTNGGAGGGTTTTTGATTTTGGTTTTGCTTTAAGATAGGCATTGACTATA
GCTTCTG
>Sequence 67
ACACAGTCATTGTGATCTTAGTTATCATTTCTAAGTAATTAAATTTGTAT
TTTTACTTGCTTATATTAGAAATGCTTATTACCAATGAGAAACAGAAAAT
GCCACATAAGTGAACATTTAAATGTTACAAAAATTTATAATATATGTAAC
GCTACTAAAATATATAATGAACTTTTCAAACATGTAAATATAAATCAGGA
AAACCTGATATGTAATAATTGGGCCAAAAATGAAAATCACAAAACACAGT
AGGGGGGTAAAAGAATTAAATTTGAATTTTAATTATTAAGTCCCTTTTTT
AACCAAATTTTATTTTGAAAAAAAAATTTTTTTGGACTTTAAAAAAAAAA
ATTTTTTTACCCGAAAAAA
>Sequence 68
GGTACCAAATATGTTACTACAAAGCAACTGTTCAAGTGTGCTAAAAACAG
GTGTCTTCTCCCTTTTCAGAGCTCCCCTAGTCATTTGCAATATATTTTGC
CTACTTCTCTAAAAATCAAAATAGGTCCTAATAAGTAAGATACAGGTCTT
CAATCCCAACAGCAACTAAGGGATTTTCCTGAATAAAAAAAAAACAAAAAC
AAAAACAAAAAAAAACTCTGCTGCCAGTTTGCAGACAGAGTGCCGTGTTTC
ACCCCAACCTATGGAGGCTAAATCACAGTCAAAAACAAACTGCGTGACTG
GGAATTATAGTAAGAGGAGTTAAAAACAAGGGCAGGTGCAGTGGCTCACG
CTCGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGCAGGTAGATCACCTGAGTT
AGGGTGTTGGAGACAGCCTGGCCAACACGGAAAAACCCCGTCTTTACTAA
AAAATCAAAATTAATGGGGTGTGGTGGTGT
>Sequence 69
ACACTCTTCTTCTTTTATTTATTTATTTATTTATTTTTAGGCCATTCTTC
TGGTTTGCCAAATTCTATTAAGACAGTGATACATTTGCTTCCTTATTTAT
GCATGCTTAGATCATGAACATGATGCCCTTCTTTTTTTTTTTTCTTTGGT
CAAGTAGGGATTAATGCCATAGGTTTAGAGAGAAGGATTGTTTTCAGTTT
TTAAGAGAATTTTTTAAAAATACATTTTATGGTTCTCTTAAGGAATTAAT
ATTCACTTCTGAAGGACTTACTTGTAATATATAATTTATCATTTTAGCCA
GCAGGGAAATAAATCATTTTTAATCCCCAGAAGA
>Sequence 70
ACATAGGAATGCATCTTTGTTTGCACGTGTGTGTGTTGAGGAAACAGGAG
GAATATTCATCTTTTTGTTGTTTGGATTTTGGCCCAGTCCCTTATGTTAA
GGACTGACTGATTCCTCTGACAGAATTCAGACCAAGTCATTAAACTTTGT
TGCTTATGGAAAGTAATCTTAGTATCTGTTGGCCTTTATTTAAAAAAATA
ATTTTTTAAAATAAGCATGAACAATATTCATTATCCCATTATAACCTTAT
TATTAGGTGAGTCAGATCAGTCTCTAAGTAGTGAGTATGAAGCACCTTAA
ATTCTTCCTAAAAACAAGATTAAATTTAAATATACAAACAAT

Table 4



>Sequence 71
ACCCGAAAAGAAAGGAAGCTTTAGTAATGAAAGGATTGCTGCCAAAATCC
TGTTTCCCCCTTGCAGATCTTACAGAAAACAGCCACAGAATCCCAAGGCA
TCAGCACCGAGAGAGCCTGTAGAAACTATCTGGTCTAAGCTCCTGAAGCC
CAGAGATAAGAATGACTTAACCCAAGCTGCACAGCCTCTTAACAGTCCAC
TGTTAACCCCAGAAACAGATGCATTTGAATCTGAAAGGAGACAGGAATCC
TAATCCTACTGCTCAGGGACTTGCTGATTTACTTTGCTGTCTATTAGCCT
TTCTGTGACATGATTTTCTACCAAGCAAAGTCTTTTATTCAAGTCTCCCA
GAGATTTCCTATTTAAGCGTTTGCTATTTGGCCACTTAAAAAAGACAGAA
GAGAAGTAAACAGAAGCATATACCACACAACTCAGTCCAGTCAGTAGTTG
ACTCTCAAGATGGCGGATGTCACTGAGATGGCTGAGAAATAGGAACGGAT
GTGGAAGAAGGAGTGGCAGTGGAATTAGCTGTTTTGTCTACCTGCTGGAT
ACCTGGGAAGCCAGACTCTGTGTGGACAGTGATCCCTAGTC
>Sequence 72
ACTCTAGAACCAAAGTTAAAGTGAGTCTCAATTTCTCACCTGAATAAAAC
TTCATTTTTCCACTTTTCTTATCAGTCCTTAAAAAACGATGAGCAGTCTG
CCAAAACTGATGTTCAGAAACTTCTGGAATTAGGACAGAAACAAAGAGAA
GAAATGAAGTCTCTTCAGGAGGCCCTGCAAAATCAGCTTAAGGAGACATC
AGAGAAAGCAGAAAAACACCAGGCTACTATTAATTTTTTAAAGACTGAAG
TTGAAAGAAAGAGCAAAATGATCCGAGACCTCCAGAATGAGAATAAAAAC
TTGAAAAACAAACTCTTGTCAGGAAACAAGCTCTGTGGCATTCACGCAGA
AGAGTCAAAAAAAATCCAAGCCCAGCTGAAGGAGCTTCGTTATGGGAAGA
AGGATTTATTATTTAAGGCGCAGCAGCTTACTGATCTGGAACAAAAATTA
GCTGTAGCCAAAAATGAACTGGAGAAAGCAGCTCTTGACAGGGAGTCACA
GATGAAAGCAATGAAAGAGACTGTGCAGCTCTGCTTGACAATCTGTTTTC
GTGATCAGGCTNCTCCCNCTTGAGTTTAATCACATCAAAATCAACTCGGA
TGTTACTCCCACCCAGGAATATTGGCTCTTAGCTTCCAAATGCAACGGGC
CAAAACAAGCCTCAACAAAATGCTTCTGGGAACAATGAGAGCTTTCAAGT
TGAGTCCCCAAAGGAAGGAAATCCAGTCCTTGGGCCGACCACGCTTAAGG
GCAATTCAA
>Sequence 73
GGTACAACCAGAACCAACAATTGTATTTTTCTATAGTTATTATAAAATAG
TAATCAATGCTATGTATTTGATGTATATGTGTCTAAATGAGAAATAACTT
TTGGCTTTGAGTCTTTTTAATGTGCGTTAAATATGTAAACTGAACCTGTT
CCTAAAATGCATTAAACTTGAATGCTGTGTCTATCCAATGCCAAAATGCT
CAGAAGAAAAGTGAATAATTCAGTCATTCATCTGGATGTAGTTTTCTGAG
TAATCTCAAATATCTGAATATTGAAAAAACTAGGTTGCTAACTTTTTTCA
TTCCTTATGCAAATGTTTAGCATCATAGGGGCTGA
>Sequence 74
ACGCATCTTCCCATTCGACCTTGTCCTCCAGGTTCACTCACGCCAAGGAG
GAGGATGACTCAGATCAGGTTGAAGTCCCTCGAGACCAAGAGAATGATGT
CGGGGATAAGCAGTCGGCTGTGAAGATGAAGATGTTTGGGAAGCTCACCC
GAGACACGTTTGAGTGGCACCCTGACAAGCTTCTATGTAAGAGATTTAAT
GTCCCTGACCCTTATCCAGATTCAACTTTAGTTGGCTTACCAAGAGTGAA
GCGTGACAAGTACCGTGCCTGAATTAATTATTAATATTTAAAATACTTCA
TTCCTTAACTCTCCCTCA
>Sequence 75
ACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAGCAGTTTAGAT
TTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAGTAATAACCCTCCAACCACAACCTAG
TCAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGAAAACAAAGAAGAAAATAATA
TTGAAAAAATGGAGATTCCCCAACCAGTTTCATATTTGAAGGATCTGAGT
TGTATTTTTATTAAGGAAATTTTTTTTCTGAATACTGTCTTCCAAAATGT
TAACATTAAAATCTGAATCAGAGGACTCTGAATGGAAAAGAAGTTTGATC
ACTGACACCTAGGGCTCTGAAGCGTGTGTGGCC
>Sequence 76
CCCTTTCGAGGGCCGCCCGGGCAGGTACAACCAGAACCAACAATTGTATT

Table 4



TCTCTATAGTTATTTTAAAATAGTAATCAATGCTATGTATTTGATGTATA
TGTTTCTAAATTAGAAATTTCTTTTGGCTTTGTGTTTTTTTAATGTGCGT
TAAATATGTAAACTGAACCTGTTCCTAAAATGCATTAAACTTGAATGCTG
TGTCTATCCAATGCCAAAATGCTCAGAAGAAAAGTGAATAATTCAGTCAT
TCATCTGGATGTAGTTTTCTGTGTAATCTCAAATATCTGAATATTGAAAA
AACTAGGTTGCTAACTTTTTTCATTCCTTATGCAA
>Sequence 77
ACAGTGAAAAGAGCCAAGGCTGTGTGACCCCCTCATCACTTAGCCAGGCG
TATGGTCCTGGTTTCTGAGGCTGCCAGAAAGCATCTTAGCAATTTGTGTT
TGGATGGTCCATGCCTGACTATTCTAGGCTGGAGGTTCCTAAAGAGTAAC
AAGAGGAAGAGAAACAAGAATCTCTGACACTTGTTGAGAATAGAGCACAG
TCCCATTTGTTTGAAAAGAGACACCAGGCAGCCATGTTTATGTGCCAGAA
ATGCATTCCACCTCAAGGAGGACTTAATTTATGGACCCGTGTGTGCCAGG
CTGAGCTGGGCAAGATCTTTCTCA
>Sequence 78
ACAGTGAAAAGAGCCAAGGCTGTGTGACCCCCTCATCACTTAGCCAGGCG
TATGGTCCTGGTTTCTGAGGCTGCCAGAAAGCATCTTAGCAATTTGTGTT
TGGATGGTCCATGCTTGACTATTCTAGGCTGGAGGTTCCTAAAGAGTAAC
AAGAGGAAGAGAAACAAGAATCTCTGACACTTGTTGAGAATAGAGCACAG
TCCCATTTGTTTGAAAAGAGACACCAGGCAGCCATGTTTATGTGCCAGAA
ATGCATTCCACCTCAAGGAGGACTTAATTTATGGACCCGTGTGTGCCAGG
CTGAGCTGGGCAAGATCTTTCTCAGGACAAACTCTGCCATGCAGC[illegible]AAAA
GCCTGGAAACTAAAGGATTTCATGTAGTAAACTATCTTCCAACCCCTGTA
GACATCAGACCACAGGATGAGGTTTCAGAAGGTCATAAGGCAGAATAGTT
AAGCCTACAGGGCTTACAGTCTGACAGACCTGGGTTCAGTTCTTGGGTCT
TCATCACTAGTTTTGGGACTTCGGGAAGATGACTCCCGGAGCCCTAATGA
GCCTCAGTTACTTCATATTGTAATGAAGGTAATACTATCTACTTTACCAG
GCTTGTGGAAAGGATTAAAAGGGAAAATGGGTGTAAAAACCTTTATGGCA
TGCCCGGCACCCACCTTAAATTCCGAACGTTTAAGTTGGGACTTCACAAT
GGGTAATTCCATTAAGCCGAGCTAGGCGGCAAATTTAATCAAGAATTTTT
TAGGGGACTGAAACCAAAAA
>Sequence 79
ACCTATATCTTCAGTGTGGAGGTGAAGGCAGTATTAACAATATCCTATAG
TTGACTGAAGAGTTGGTTACAGCAAAGCTCTCCATTGCCCTTAAATTTTC
TCTCTCCTTAATACAGTAGGATCAATTTTAAGTGCATTTTATGTGTGCAT
TTTAAAACTCTTTTTTAAAAACAGAATAGAAATGGTTTTCAGAGTGATGC
TGATATTGGTTGATGATGCCAAGGCACCAATGGAGAGCATATTTTTTAAA
TTGAATATGTTTTTATTTTCTTGTTTGTTGATTTTTAAAGTGAATCCAAA
TGTGAAGAGGAAAAAAATCAAATTCTGCCAATTTGAAAAGAACAAAACCA
GCTAT
>Sequence 80
CCCTTAACGTGGTCGCGGCCGAGGTACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTA
AACCATCAGTAGAAGCAGTTTAGATTTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAG
TAATAACCCTCCAACCACAACCTAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTAG
CAAGAAAACAAAGAAGAAAATAATATTGAAAAAATGGAGATTTCCCAACC
ATGTTCATATTTGAAGGATCTGAGTTGTATTTCTATTAAGGAAATTTTTT
TTCTGAATACTGTCTGCCAAAAGGTCTACATTAAAATCTTGTTTCATATG
ACTCTTAATTTGAAAAATAATTTTTATCACTTGACACTTAGGGTTTTTAA
GCGT
>Sequence 81
CCCTTAGCGTGGTCGCTTTCGAGGTACCTCTTTCAGTTTCCCAATTAGTT
ATTTGTTTTAGATTAAACAATAGTGTAATGCATCAATTCCTTGGGTAATT
TACCGATTGGAATTCCTAGTGTCATCCTTGAGACACAAGCAAAAAACTCA
ACAATATTATCCACGTGAAATGGGACCTCTAAACTGTCCTGTTTTGTTAC
AGCCTCTAATGAGCTAAAATAGTATAAGAATCTTGAAGATTAAGAATTTC
TGTAGTGCTCTACTTGCCTGAAATTTGGGGTGCTAAGCATTAAAAAAATG

Table 4



CAATTTTAGTGTGTTATACTTGCGGACATTAAACACTATGTGTAAAGGTT
GAGAATTTCTACCATAAAATACATAGATCCTCTGGATGTAAATCTTGTAT
ATGACACAAACTAGATGTTAGACCCTTAAAAAAGATGTTCAGAATCTCCA
TGTGTCAATCTCTTCATTTTAGAAGAATCTATAATCCGAAGAATAAAACA
ATGTAGGGAAAGTCTTTAGAATAATGAAATTTACTCGATAAGCATTCAAT
AAATTTTGCTATAATACCGATGGTTATAATGTCAACTTGATTGGATGAAG
GAACAAAATATGAATCTGAGGGGTCTGTGAGATGTTCTAAAGGAGAATAA
CATTTGATAATGAGCTGGGAAGGCAACCCACCCTTAATTGGGGGCCTATC
TAAATAACGGCACCTTGGTACATTATAACCGCCAAAAAATTTAAAAGAAA
ACTTGCCTATTTTCCAGCGAAATTTTTTCGGTGCCGGACCTTCCGGCCTG
G

>Sequence 82

CCCTTAGCGTGGTCCCGGCCCAGGTACAAGAGGGTGCACTAACAAAGGTC
TGATTTAAGTGCTTTTATTCAACCCAGTGAAGGGAAAATGACAGTAATAC
ATCTAAGCCATGCATAAAGGATTCAGGCTTCCTTGAAAAGGATTCACGTG
GCATAAAATGGTTTGTTTCTTCACAGCAATTTACATTTATTAAAATAGAT
AATAGGCATAATCATTGTCAAAATAGAGCTTCTACCCTGTATAATATCTT
AGTACATTCCCCGCGTACATAAAATATATTTAACTATTGATAATGTGGGG
TGGGTAATACTGGCTGGGAAATAATGTTAGAAGCTTTTCACTTAAAAAAA

>Sequence 83

ACAGAAAGTTCAGCCAGTCTTCAGAGAAGTAAAAGTGATGTCTATTGTGC
ATTGAAGTAAATATTACAAACATTCCAGTTTCGCAATACAATACTTGAGC
TTTCGAACACCTCAGACACTAGAATGTGTAATGCGAGTCAAAAAAGCTGA
CATACAAAACAATTCCCATTTGGCTCAGGGTTCCTAAATGTCACAATATC
TTGGGTAAAATATACTTTTTGATTTCCTGATGATGTCCTTCTAATCCCTT
CTGACTTTGATTCCTAACAGCCAGGCACTGTTGACATGAATCATTAACTT
CCAAACCCCTTTAAAATCA

>Sequence 84

CCCTTTTAGCGGCCGCCCGGGCAGGTACGTTCTTGGAGACACAGCAATGC
AGAAGATGGCCAAGTCCCATGTTTTCTTAAGTGGGATGGGTGGTCTTGGT
TTGGAAATTGCAAAGAATCTTGTTCTTGCAGGGATTAAGGCAGTTACAAT
TCATGATACAGAAAAATGCCAAGCATGGGATCTAGGAACCAACTTCTTTT
CTCAGTGAAGATGATGTTGTTAATAAAGAGAAACAGGGCTGGAAGCTGTA
CCTCGGCTCGCGACCCACTCTAAGGGGCGAATTTCAAGTACACTTGGCGG
GCCGTTAACTTATTGGATTTCGAAGCTCTTGTACTCAAGCTTTGTGCTTT
AATCATGGG

>Sequence 85

ACCTGGCACTACAGACATGCACAAGCATGCATGGCTAATTTTAAAAAAAT
TTTTGTAGAAATGGAGTCATGAACTCCTGGGCTCAAGTGATCCTCCCACC
TCAACTTCCCAGAGTGTTGAGTGAGATTACAGTTATGAGCCACCATCCCT
GGCCAATAAAGGTGTTTTTAATACCTATAAGAATATTGCCTGCAAGGATG
TTTGATAGGTTTCTTGATATTTCATTCTCTCTTGAAATGTTTGCTTCGTC
AATTTTTTATTTTTCATAAAAGCTTTACTCAAGAATTAGGATGACCACTA
TGTTATCTAGTAG

>Sequence 86

ACTGCCCTCCTTATTTCAGCGCTGTCATTCTGATCACTCTAGGACCGGTT
GAGACTTTTTCGTGATACAGTTTCCTACCTTTTTAGGCAACCATCTGTAA
GACAAGGTAGAATGCTACCATAACCATGATTAACATTTGCAAACACTCTG
CCACAGTGCAGCCACTTTCTTTGCCTCCAGCTGAAGAAATTGAGGTGCAC
AGAGGTTAAATTTGATGCTCAAAGCAATACAACTAGAAAATATAGGAGGC
TGGGCTGCCTGATTGATTCCCAGCTTAGAGATTGAAAGTCACATGCGAAG
CGCTTTAGCAGATAGAGAAGGGGGAGTCATACTCCAGCGTGCATTTTAGT
TTGTGCTTTTCTGTCCTTGAATTAAGAAGTGTGACGTGTGCCTCCAACAG
CATAGCATGCTACAGAAATGGATTTCTTTTCCTGGGGTTGATAATCTGCT
GGCCAAATCTTTATCTCTGTAGTATCCCGTGTTTTCTGGTGCATTTTAGC
ATTTGGTTAAATTGTAGGGAAAAGGGTTTGTGTTCTTTATATCTGGATTG

Table 4



TCTATTAGATCACGTTTTTTTGGGGTTGTATTTGCGGCTTTTTTTTTCTT
GGAAGAAGTGATTGGCTGTAACAGTTTCTTTTCCACTCCGTCTTTTTTCC
ANTGGGGCAGTCCCCTTGGTGTGACTGTCCTGGCTGTGGTCCATCTGAGC
TAGTTTTTTATAAATC
>Sequence 87
GGTACTAGATATCCAAATGAACCTGGGAGAATTACATGTTAGATAGCATT
TGAGTTAAACCAGACCAATTTATATGGGACAATTTACTAGTTGACAACAA
AATATTTCTGACTGTGGGTATTCAATTCAATGAGGTTATTGCTTAAGGAT
CATAATTGGTCTGGAATCTTTGAGAATGTGTAGGCTACTTTATAAAGTTA
CATAAAATTGTGAAAAAGTTGCATGCTTTAGAAACAGTATTTCCATCAAG
CTTGTGGTTTAAAAAGACTATGAAGACAATAGCAAATGGATGTTTTTAAC
ACC
>Sequence 88
GGTACGCGGGGGAGCCGAGGAAAACTGAGCGTGGGCCTCAGAAAGAAGTT
AAGGCACCCGCGAGCCGGGCAACTGCCCTCCTTCCGCGCCGGCGGAGCGA
TTAAAGTGAAGAAACAATGGCCAGCAATCACAAATCTTCAGCAGCTCGCC
CTGTTTCAAGAGGTGGAGTTGGGTTAACAGGAAGGCCTCCTTCTGGGATA
CGACCCCTATCAGGAAATATTCGAGTGGCAACTGCAATGCCACCTGGGAC
AGCAAGACCAGGTTCTCGGGGTTGTCCCATAGGGACTGGTGGAGTTCTGT
CTTTTTCAAATCAAAGTAGCCCATCGCCCTGTTACACAACAAGGTTTGA
>Sequence 89
ACTCAGCTGGTGGAAGTCAACCCTTTAAGCCCACTCCCATGCATAAGAGT
AACTTTCACTCTTTTCCCTATTTTAAGACTATTTCAATAGTAAATGCTAT
TTGTCACAAGGAAGTTAGATGGAAAGGAATGAATCACCATTCAGGACAAA
TGTATAACCACTGTGATGTGACTGACACCAAAGCAGATTATGGCTGTGTG
TTCTGAGTTGTCTTCCTGTAAAAAAGCAATGCACTGCAATTTGACTGGAG
TTCTACATATTAGTTCCTCGGCCAGTACCATACATGGGGGAATTTCAAAA
CACTTTCCTGTCGTTACTTGATGATAACAGTTTAGATTCATGATTAGTGA
AGACTATTACTATAGACTATATCATATGTGTAAATGAGTGTACTGTATTA
ATCGACCTTAGAATATTATACTATATGACATTTCTGGAGTAGATTAGTAG
TATTATAGTAATACACTATAATATATTACTATATTAGTAGCCAAGTGTAT
TATTAGAATGGTCTAGATTAAGATGTTCTATAAGCTTATGAGCAGTAAGT
GTCTGAAGACTTAGTATAGTTTATTACGATATAAAGTACAAGTACATGAT
GTAGTAATTAGTACTTTTAGAACTAGAATATGTAGTAATCATTTAATATT
ATGAGCATGCACATCGATCTCCACGATGTATGTACTACTTCTATATACTT
TCTATTAACAGCTATTATGTTGAATATGTAACTAGGTATTCGTATATCTA
GTTGTAAGATTAGGGTTGTCTAGGAGGTCCTT
>Sequence 90
CCCTTAGCGTGGCGCGGCCGAGGTACACTATCCTGTGGTTTCTAAATTCT
GCTTCTTTATTAAGAAGCGATTAACTGTAAGGTAGAGGAACTACCATGTT
ATACTTCTCTGCAAATCTCAGAAACAAGCACCCAAATGTAGATCACCCTG
CTGAAGCTCAAATCACAGGACTCCTTGAGTATAGATGCCTTAGAATGCTA
CAGGGCTGCTACCGTCTTCTTCGACTACGTAATTCAAAAGACAGCTTGTG
GCTTGGTCTCATTCCTACAGAAGGGGCTGAAGCATGAAACTCAAACCCTA
GTTGCTGTTTTGGGAGATAACTGCAGGAAGTGATGAATGGAGGCACTTAA
ACN
>Sequence 91
ACCCGAAAAGAAAGGAAGCTTTAGTAATGAAAGGATTGCTGCCAAAATCC
TGTTTCCCCCTTGCAGATCTTACAGAAAACAGCCACAGAATCCCAAGGCA
TCAGCACCAAGAGAGCCTGTAGAAACTATCTGGTCTAAGCTCCTGAAGCC
CAGAGATAAGAATGACTTAACCCAAGCTGCACAGCCTCTTAACAGTCCAC
TGTTAACCCCAGAAACAGATGCATTTGAATCTGAAAGGAGACAGGAATCC
TAATCCTACTGCTCAGGGACTTGCTGATTTACTTTGCTGTCTATTAGCCT
TTCTGTGACAT
>Sequence 92
GGTACCTTACAATGTTAGTAACTGTCTTTTATTAAGTAAGAAAAAGTTAA

Table 4



AATGGCATGTAACTTAAGAAGGTGGGAAAATAATAAAGGAAAAAATTAAG
AACAAAACGAAAAGAATCATGAAATAGTAAAACAGTAAAATTAAGATATA
AATCTCAGAGTTGGTTATTTGAAAAGATCAATGAAACAGAGTAATTCTGG
AAAAACCAATGAGAACAAAAAGGGAAAGCACACGCAACATGGGAATGAGG
AAGCAGAATACTACAACTCCAGGCCAACAAATCTGAAAATAGAACAGAAT
CACTATTTAGGAAAATTCACTTAATTAAAAAAAATTT
>Sequence 93
ACGCGGGACACATTACTCAGTTGTGAGGGGGAAGGTAGACTCTTTCCAGA
CCTTTGATAAAGGGGCTGCTCAAAAAAGCCACGACCTTGGGCCTCTGCTA
AAACCATGGCTTTAAGTAAGGAGGGAGCAGATATATAAAAAACCTTATCC
CTCTTTCTAATCTCTTATGTCCTGTGAGTGTCACCCATTGAGTAAACCCA
AGTGGAAGTCAGTAGGAAAGTAGCTGGGATGATGCCAGTCTTTACAGGGT
CTTCTCTGTCACCCAGGCTGGAAGTGAAATGGTGTTGATCTCGGCTCACT
GCAACCTCTGCCTCCTGGGTTT
>Sequence 94
ACTTGAACATACCTAGCTATTATCTCTCTTTCATAGATTAAAAAAAACAA
GGTTCAGAGAATCCAAGTGAATGGCTCAAGATCATCCAATTAGTAAGTAG
TAGCTGAAAGAATGACAAATAAGTCTTAACCATAAACCAGTGAGAAAGAA
CTTTAGGAGCAATATGATCAAATAGTATGGAAGAATACGCAGAGAGAGTT
ATTTGCTTTTCTTCAGAAAAGGGTGGGGAAGAGAGTCAGGGAAGTCTTTG
TGAAGGAGAGGAAATGTAATCTACTAGGTGGCCAGTCAATCCATAAACAA
TTGGAGTTGACTAATGTGGAAAAATATTTTTCTTTTT
>Sequence 95
ACGAGAACTGGAGCAAGAGGTGCAAAGACTTAAAAAGGAACAGGCCAAAA
ATAAGGAGGACTCAAACATAGAGAAAATTCAGCAGGAGCTGGAAAAACTA
AGCGTGCATTTGATTTCAGTGCTCATGGCCGAAGACACGTAGCCCTAAGA
ATAGCCTATATGGGCTGGGGATACCAGGGCTTTGCTAGTCAGGAAAACAC
AAATAATACCATTGAAGAGAAACTGTTTGAAGCTCTAACCAAGACTCGAC
TAGTAGAAAGCAGACAGACATCCAACTATCACCGATGTGGGAGAACAGAT
AAAGGAGTTAGTGCCTTTGGACAGGTGATCTCACTTGACCTTCGCTCTCA
GTTTCCAAGGGGCAAGGATTCCGAGGACTTTAATGTAAAAGAGGAGGCTA
ATGCTGCTGCTGAAGAGATCCGTTATACCCACATTCTCAATCGGTATGGC
TGTAGAATTTCCTCTAATCTTATATGACTGTAAGTTTGAAAATGTCAAG
>Sequence 96
ACTGCCTTATCATTTTATTGGTGTTGTGTTACTAGAGATTTGACTTGAAG
TCCTTAAGGCAGCATACTTTGCAGATAAATAATCTGAGAGAATCTGGTAG
GTCAACAGATCTGCTGTCTGTGAGCTAACACTAAAGAAATAGAAGAAGAG
GAAATCTTTGAAAAATCGAGAAAAGATACCTTTGATCCCAAAAGTCTTGG
TTTGAAGGAACTTTTTATCCATTAGATCATCTAATTCTGGAAGAATAACC
AAAGTGCAGCATCCTTGTATTCTTCCTCTAAGAGGCTCATCCTCATAGGG
GATGTAAATTGAGCCAAGTTTTCTAAGTGTCTAAATGTTAAGTGCTCCAN
GGCTCAGTCCTTGGACTCTCTAGTCTCTTCTTTGGTGAAGTGTCCATTTG
TGGGGCTTCAAACACCTTTTGCGCTCTCTTTCAAATTTACACTTTTCTTG
TCGGACCATTTTACTGAACTACAGTCATGTATATGCAACTAGACCATTGT
GCACCTCAAATTTAAGATTAACTGAACAGAACTCTGCCCAGGTTTCATTT
TTGGGGCTTTCCCATATAAGTAATGGGCCCTTGATTTACTTCTTTGGTCA
ACACTGGTTCCTGTGGCCCTTTTTGATTTTTTATTTAATGCCTTACCTTG
ACCATTTCCCGATATTTGGGCGTATAACGACGAGACCTATGTTCGGTACC
CCCTAATGTGAAATTCTTGTCACTTGTCGCGGGTGCTTATTGAACTCACC
TCGATCCAAACTTGTGGGCATCATGGGTTAAGATGTTCCCGGTGAAACAG
TATCTACTTAATTTCTAT
>Sequence 97
ACCAGAAGAGCCCAGTGCCCAGAAACCAATATCAGTTCTATACAGATACA
AGGTGATGCTGATTATTTCATCAACCATCTTGGAGTTCCCATCGTGCAGT
TTGCTTACGAGGACATCAAAACATTAGAGGGTCCAAGTTTTCTCTCCGAG
GCCCGTTTTTCTACACGAGCAACAAAAATTGAAGAAATGGATCCCTCTTT

Table 4



CAACCTTCATGAAACCATTACTAAGCTCTCAGGAGAAGCGATTTTGCGAA
TTGCCAACGAACCTGTTCTGCCCTTTAATGCACTTGATATAGCTTTAGAA
GTTCAAAACAACCTTAAAGGTGATCAACCCAACACTCATCAACTGTTAGC
>Sequence 98
ACATGTGTAATTCATGGGTAGTATGATGTATGTGTTATAACAGCATACTG
GAGAATGAGAAGCTCACAATAGTGGTTTCTTTTGGGGAATGGGCTTAGGG
AGATGGGCATGTAAGGGAACTTCATCTGGAGATAATGATTTATTTTCTTA
AGAAAAAGTAGATAGAAGAAGAATGTTAGAATATCTTAAAAAAATAGGAA
TCCCATTCTGTATTATTGGATAACATTAGCACACCCAATGAAATCAATTC
CTTAGTTTTATCCAATGCCCAGTTTATCCTCATCTTTCTCCAGTTATCCA
TAAAATATCCTTTAAAGCTGTTTTTCCC
>Sequence 99
ACTTGGATCAGTAGAATAAATATTTATTGAATCAATCAGTCAGCCAATTA
ATATGATGTTAGTGATAGACCTGCCTCCTTTTATGGAAGAGGTAACAGAT
CCAGAGAATTCAAGTAATTTATTTGTAGACTGAAAAATATATTAAAGTCT
TTGCTGCAATCATATGTAACAAAAAGAACCAAAACAAACACTTTTTAGTG
GCACCTGTGGATTTACAAAGGGTTGACTCTATGTCATTCCACAACTTTAT
AATGTTGTAACATGTTAAACCTATAATGATGACAAATTATGACAAGTATT
GAGAGG
>Sequence 100
GGTACTTTTGATAATAACTCACTCTGTGCGATATTCCTGAATAAGTCCAT
CTCAAAAGTTTGGGATTTTCCTCCTCTTAACTTTCTTAATATTTGGACAT
GCAGTTGTCGCCAAACTTGGGTATTCATGGAATTTCTAGTAAATGAAATA
CCTATACTTTGATACTGAAGACTGCCAAATACATAGGAATTTTCTTTCTT
AAAAAACAGTAATGAAGACTATATCTCCTTTCCCAGCACTGAATGTTTTA
CTAGCACTGNGTGCTCACCATGCAACTGAAGAAAATGTGGAAACTCAAAA
GGTCAGGACAGACTTCCAAGCACTTGCAACTGATGTTACTGTCTTCAATT
TTAATAATTACACATATTTGTATATTTCAGAGAAGTTTTTAATATTTCTC
TGTCCACTTTTTATAAGCTTTAAAATGATTTTCTCTGGCTTGAGAATTGC
ATCAAGAAAAAGCACCTTTTTTCACCTGAAAGCTTTTGAGACTAGAGACC
CGCTTTACACGTTTTAACAAGTATATTGAGTCCACGTTTGGTAGCATCAG
TTTGTGGAGTTAAAAAGAAAATTAATGCATTTGATCTGGATGGATTTTAA
AAGAATATAATGTTCAATATTAAAGGGTAATTCACAATTGCCACCCATAT
GTTCTTTTTATGTAAAAAGGAAAACTTGGAGAACTTAACATGAAAAAGTC
TTTATCATTAGCTTATGTTTTTGAGGAAGAGCGCTGTCTTTTTATATGTT
TTTGACAAACAAATTGATTCTTTTGACCTGCCCGGCGGCCGTTCAAAGGG
CAAATCACCT
>Sequence 101
ACATTATGTAGCTATGCACCCATCTAAAGAAGTTAGGAAAATGACATCAA
GTAGAGCATCAAAAGAAAGAAGGAAAGGATAACTTAAAACAGAAATGAAT
GAAATAAAACCAGAATAGAAGAGACGATCTACAAATCCAAAAGTTGGTTT
GTTGAAAATACTAGTAGAGCTGACATACTTGTGGTGAGACTGATGGAAAT
AGTGCAGTTACAACTAACCAATATCATAATTGGAAAGGAAATCACTATAG
GTGCTGTAAAAATTAAAAAGATAATAGAATATTATGAACAATTTTCTGCC
AATATTATTGAAAGTTTAGATAAAATGGAAAATTCATTTAAAAATATAAT
TTGACAGTATTATGTT
>Sequence 102
ACTAGACTTATTCAAATCCCTTAGTCCCAAGCCTGAATTGATTCCAAGGG
CAAGGATGTCTCCATTTGTGAGAAAAAAAAAGAGCAAGAGAAACGAAACCA
AGAAGTGCTTGACATCCTGAGCAATTCCCGGATGCTGCTTTGCCAGAGAG
TAGGATGCCAAATATTTCGAGAAAGCCTTTCTGGACTTGAAAAGGAAAAA
TGAGAGCCAGTCTTGTCGTGTCATTTGACTTTTAAATCATCTCCTGGAGG
AAGGTTATNATGGGAGAATCTTCAGCATGAGATGATTCTTTATAAGGGCT
AAATTAAAGCAAGGGGATTTTCCCTAGCCCAATAANCCN
>Sequence 103
GGTACTGAAAATTTAACAGGTGCTTTTATGTGGCAATATTACCTCACCCA

Table 4



CTTTCAAAAGATGTCAGCAAGCTAGGTCAAGGATCAGGTGCCACGTTATA
GACTTGAAGAACTTGGCTGATTTTTTCCCAGGATTTATCCATCAGCAGTC
CTATTAGCAGCAGAAAATTAGAAATCCTGAATTTTAACAAAGTCCCTAAA
GAGTCAAAGAACACTGGGTGATCACAATCAACCAAAGCTACCACTTGTCC
AGAGCATTTTTCTAAAGAGAAACAGCTAACACAAAAAACTTAACTCCTCC
TTCAGGAAAGATTTCCTCTTCGCCGGTAGTCTCTCCTGTTCGTCCTCCTG
CATCGAGGCGGCCAGCGGGAGCCCGTCCGCCACTCGGGCGATCATTGTTA
GCAACACCATCTTCACAAACTACAGGGATCCAACACTTGGCCCGAAGGCC
CTTGGCGCCGTCCTTACTTTCTTCGGCGCGACAACAGTTATACCCTATGG
TTTAANTCCCGAGAACCAGCTGCTTGGCGTTTCGCTTCCGCTGAAGGCCC
CGCGTACCTTGCCCGGGCGGGCGGTTGAAAGGG
>Sequence 104
GGTACAAACTGATGGTAAAACAGATAGCACCCCAAAATATTTCCACATGC
ACAAACAACCTTGAAACGTGTGTTCGCATATTTACAAGCAGGTATTTTTC
CAATGCCACTCACAGCCAATTAGTGGGTCATTAAATTAACTCAGTGACTC
CCAACCAACATATATTTCCCATAAATAGAATGAAATTGAAAAGGTGGACT
AGAATAGAAAATATCAGAGTGCCTGACATATGTAGGTATATCTTGTTTCA
TGAAAAGTTTGTTTTAGAAATATAAATGTTGTTATAGATACATGTGAACA
TGTAAAATGGATTTCTTATTGTAGGTTAAAGTCCAAAAAGTTTAAAAGCT
TCTTGTAGAAAAGATCAGGAAGACAACATCAGTAGTTAAGAGCAAAGGCC
GGGCATGGTGGCTCATGCCTATAATCCCAGTACGCGGGAGGCGACCCAAA
CAGTTATACCCTAGCCAAACCCCGAAACACCCTTTCCCACATCAAGCCCG
AATGATATTTTCCTATTCGCCTACACAAATTTTCCGAATCGTCCCTAAAC
AACTAAGGAGGCGGTCCTGGCCCTATACTATTCAATCCTAAGCTAGCAAT
AAATCCCATCCTTCATTATATTCCAACACAAAGCATAATATTTTGCCCAC
TTAGCCAATCCTTTTATTGACTCTTAGCCGAAAACTCCTTATTTTAAACT
TGATTCGAGGACCAGCCAGAAGCTTCCTTTTTACCATATTGGCAGGTGCT
ATCGGACTTTCCCGGGGCCTTTCAAAGGGGAATTCCAGACAAGGGCGGCG
TACTAATGATCCGGCTTGG
>Sequence 105
ACATTTTAATTTACATGTTGTGTAGAACATAGATGAGAACTCCGGGAAAA
CTTGGGAATGGCAACCAACCAAAATCATTTTTAATCATTTATTAGAAATT
TCTCAATATTGTGTCTTTTTCTTTTGAAACTCTAAACACTTCAGAAAAAA
ACACTATCAGTGTAGTTCATGTTAGTATAATTATAGATTTACATATATTT
GAATAGTTAATTTGCTTTGTTTTACACGTAGCCCACTGCCTCATTATAGG
TAAAAGGCATTTATAACTGCTCAGGGGATTACGAGAACTCAACTGAAACT
GAATTTTTGTAACAAGAATGTTAATAGTGGCAAAGTCCTCTGTCAGTAAA
CTCTTTAAGCTTGGTGCCGC
>Sequence 106
GGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGTTTTTTTTTTTTTTTTTTT
TTTTTTTTTTTTTTTTTTTATTTATTTTTTAGTATTTGGATTTTTAATTG
TGAATATATATATTAGTTTGAAAAAAAAATGTTTATTATTGTGAGGCAAAT
ATTTTTTTAGAAAGAAACATTTGTTTTAAAAAAAAAATAACAAAAAAAAAC
ACATATTTTTTCAAAAATAACAATAGGGGGGATTACTTATAAAGAGGGAA
TTTCTTTACACCATATTTTAAAACATCTTATAGGAGTTTTGGGTTTTTCG
GTTTAGAAAGGACCTTTATTTAGTACTATAACGTTAAATACAACTAGATA
CTATGATAAGATATTTTTATTTTTT
>Sequence 107
ACAGTGAAAAGAGCCAAGGCTGTGTGACCCCCTCATCACTTAGCCAGGCG
TATGGTCCTGGTTTCTGAGGCTGCCAGAAAGCATCTTAGCAATTTGTGTT
TGGATGGTCCATGCCTGACTATTCTAGGCTGGAGGTTCCTAAAGAGTAAC
AAGAGGAAGAGAAACAAGAATCTCTGACACTTGTTGAGAATAGAGCACAG
TCCCATTTGTTTGAAAAGAGACACCAGGCAGCCATGTTTATGTGCCAGAA
ATGCATTCCACCTCAAGGAGGACTTAATTTATGGACCCGTGTGTGCCAGG
CTGAGCTGGGCN
>Sequence 108

Table 4



ACCCGAAAAGAAAGGGAGCTTTAGTAATGAAAGGATTGCTGCCAAAATCC
TGTTTCCCCCTTGCAGATCTTACAGAAAACAGCCACAGAATCCCAAGGCA
TCAGCACCAAGAGAGCCTGTAGAAACTATCTGGTCTAAGCTCCTGAAGCC
CAGAGATAGGAATGACTTAACCCAAGCTGCACAGCCTCTTAACAGTCCAC
TGTTAACCCCAGAAACAGATGCATTTGAATCTGAAAGGAGACAGGAATCC
TAATCCTACTGCTCAGGGACTTGCTGATTTACTTTGCTGTCTATTAGCCT
TTCTGTGACATGATTTTCTACCAAGCAAAGTCTTTTATTCAAGTCTTCCA
AAAAATTCCTATTTAAGCGGTTGCTATTTTGGCCCCTTTAAAAAGACCGA
AGAAGAGTTAACAGAAACCTTTTCCCCACAACTTAATCCCAGCAGTAGTT
TGACTCTTCAAAATGGGGATGTTACTGTAAATGGTTGAAAAATAGGAACG
GATTTTTAAAAAAGAATGGCCATTGGAATTAACTGTTTTGTTTACCTGCT
GGAACCCTGGGAAGCCAAACTTTTGTGGACAGGGATCCCTTAGATTGGAA
AATTTGCCTGGCCTTGATTAGGGGCCAAGGGAAACTGGTTTTTACCTGTG
GAAAACCTTTTTTTTGTTCTTTAGGGCCCCTGGCCGGACACCCTTAAGGG
GAATTCCACACCTGGGT
>Sequence 109
ACTCACGTTGCCTCGTGTCACCAAAATTGGTGTGGCTGCTGTGGTGCGGG
GGGCTGCACTGATGGCACCCCTTCCTGTCTTCATCAAGCAGCTGCCCTTC
TGCCGCTCCAATATCCTTTCCCATTCCTACTGCCTACACCAAGATGTCAT
GAAGCTGGCCTGTGATGATATCCGGGTCAATGTCGTCTATGGCCTTATCG
TCATCATCTCCGCCATTGGCCTGGACTCAC
>Sequence 110
GGTACTTTTTCTCCTGAGCCCAGACTTGATAATCACTTTCTCAATCTCTG
CTTGTTAAATGGCTTCTAAAAATTCTTGGGTAAATATGGGTATGGTTGCA
TAAAGAAAAATCCCTTAAAGGATAAGCCAAAATTTTTCAGTGATAGTGCA
TAAAAGCCTTGTTATCTTTAAGGCTTGTCTTTTGGTGCATAGAGCCAAAT
AAATTGCCAAGGCAAAAACAAAAAGAAAGAAAATCTAGTCTCTGATTTAG
TGCCCAAAAGTTTTTAATGCTTTGGGTCCTCCAGTTGCTCTAAGAATTTT
TTGTGGCTTTGAAGCTTTTTATCAGGTTTTAATTTTATCCTTATATT
>Sequence 111
ACAGTGAAAAGAGCCAAGGCTGTGTGACCCCCTCATCACTTAGCCAGGCG
TATGGTCCTGGTTTCTGAGGCTGCCAGAAAGCATCTTAGCAATTTGTGTT
TGGATGGTCCATGCCTGACTATTCTAGGCTGGAGGTTCCTAAAGAGTAAC
AAGAGGAAGAGAAACAAGAATCTCTGACACTTGTTGAGAATAGAGCACAG
TCCCATTTGTTTGAAAAGAGACACCAGGTAGCCATGTTTATGTGCCAGAA
ATGCATTCCACCTCAAGGAGGACTTAATTTATGGACCCGTGTGTGCCAGG
CTGAGCTGGGCAANGATCTTTCTCAGGACAAACTCTGC
>Sequence 112
GGTACACTCACACACACACACACACACAGGGCTCTTAACAACTGGTCCTG
AGTAGCTCTTTGTAAATTCTTTATTGCCGGAGTGAACCCTAAGTGGCTCA
CAAGAGTGCCCTATTTCTTTCAATTAACTACAAGGACAAACACATCTCAA
AGTTGAGATAAGTGACCAGTATGATTTTGCCCAAATTTCTAAAGCGCACT
TACCATGAAAATGTGATAAAGGGTTACCCTTTGGGGGATTTTGCACCTTG
TATGAAAATTCTGGGGAAAAAGGCTTTGGTTGGGATTATTTGGAGGAATT
AGAGGAATAGGAAGAAAATGGAAGGTCATTATTTATTATTAAAGGAATAC
CTATTGAAGGGGTTCCCCTTGGCCTTTTTG
>Sequence 113
ACCTCTTATTCCAGAGAAGTGGGGAGCAGAGAGGAAGATGGAGTGGAAAG
GGGCGAGGCAAGGCCCTCCTGAAATACCTCAACCCAAATCTTCAAGAAAT
CCCCAAGTCCTCACAGTGCTTTTTGTGGATTTTTGTGGAAACCGGTAAAA
GGGGCTGATTTGCTGACCCCAGTGGGTAGAAAACAGAGACTGTCAAGAGA
ACAGAAGAGGAGGCAGAAAGGGGATGGGGAAGTGGGGTTCGCCATGTTCA
CGAGCTCCTGGAGCCACAGGGCCCCCCAGGAACAACAGAGCTGAGACTGG
GTGGCCTTGTTTCTGGCCCAATTCCCTGGGACCACCACCCTGGAAGGACA
ACTTGAGCCCTACTCAAGGACCCACCACAACATCTCAGCATTGTCGGTCC
TTAAATGCCAAGGTCTGTGCTCACCATTTCCATCCTTAAGATTCTCACAG

Table 4



GGAAGAACCCACACAACAGCTTTGTCCCTGCGACTCTGGGTGAGTTTCTG
ACACTGGCCTGNGCTCCCGTTTTGCCCGTCACCAACTTCTCACAAGTTAA
CTATCCAAGAAAAGTAGCATTTGATGTCAAGGAATCAAAAGGGCTAAGGC
TCGGGAAGGCCAGGCAGGTGAATCACTTGTAATCAGGAGTTCGAGACCCC
CTGACCAACATAAGGAAACCCATCTTTCTACCATTCCAAAAATAACCCGG
TGTGGTGGCAGTGCCTGTATTCCACCTTC
>Sequence 114
GGTACCTGAAGGAACGAAGAAGAGGAATTTCTCAAGGTGAGAAGCAGTTC
TCCATGGACACTGATGACAGCACAGGCAAAGTTTCCTATGACTAGGGATC
ACTGTCCACACAGAGTCTGGCTTCCCAGGTATCCAGCAGGTAGACAAAAC
AGCTAACTCCACTGCCACTCCTTTCTCCACATCCGTTCCTATTTCTCAGC
CATCTCAGTGACATCCGCCATCTTGAGAGTCAACTACTGACTGGACTGAG
TTGTGTGGTATATGCTTCTGTTTACTTCTCTTCTGTCTTTTTTAAGTGGC
CAAATAGCAAACGCTTAAATAGGAAATCTCTGGGAG
>Sequence 115
ACCCGAAAAGAAAGGAAGCTTTAGTAATGAAAGGATTGCTGCCAAAATCC
TGTTTCCCCCTTGCAGATCTTACAGAAAACAGCCACAGAATCCCAAGGCA
TCAGCACCAAGAGAGCCTGTAGAAACTATCTGGTCTAAGCTCCTGAAGCC
CAGAGATAAGAATGACTTAACCCAAGCTGCACAGCCTCTTAACAGTCCAC
TGTTAACCCCAGAAACAGATGCATTTGAATCTGAAAGGAGACAGGAATCC
TAATCCTACTGCTCAGGGACTTGCTGATTTACTTTGCTGTCTATTAGCCT
TTCTGTGACATGATTTTCTACCAAGCAAAGTCTTTTATTCAAGTCTCCCA
GAGATTTCCTAT
>Sequence 116
ACCACTTTAAATTCCCCAGTTAAGCTTTTTGGACCACACAGGTAGCCTAA
GCTTGGACTGAAAGCCCATAGAAGGCCATTTGTGGTTATAAATCATCAGG
GAAAATATTCTATAGTTTCCATGTGCCACTAAGGTTGAGACAAATGAGTT
CCTTGCTGCGCCCTTCTATGGAGTGTTTATTTCTTGTTCACCTTTACACT
GAGGGTGTCCAGCTTTATGAGGGAACCTACTAGATTTCTCATTTCCTGTT
GCCCATACTTTGTGTAATCACTAAAATAGAAGGTTATGGTCTGCTGAATT
TGGCAAAAATTCTGGGGAAAAGCTGGCTTTGGCAGTTACTTCCTAGGATT
CCAGCTTTTGCTTCATTTTGAAGAGCCGTAGGTTCCTTACTTTCGTGCCT
GCTCAGCAATATGTTTAAAAGTATTTTTTATAAATATATTTACCCAGTAT
CTTGGTTGCTTCTGCTGAAAGGACTTTTCAGAATTATCTAATCCAGCATA
CTGCCAAAAACAGAGCCCTGAATTAGTTTCAAATACGCACACCAACGCAC
TCCCCCTG
>Sequence 117
GGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGAGCTGCGGGGCATGATGGGGAT
TGCTGCATATTATCAGTTGGATGTTCTTGCCCTTGACAGTAGCTTATTGC
TCTGGGGGCCGGAATGGATTCATTACACTTCTTAAAAAAGAGGAGAGAGA
AATAACTTTTTTTGTGGGGATGGGGTTAAACACCTCTTTTGGGGTTGCCT
TTTAAAAATGCTTTATTGCGAAAACCATACAACTTTTTTAACCAGCAATA
ACCGTTTAATGCCTTGGTCTTATATTATCCTGGCAAAAAATGTACTTAGG
GGGCGTAACATGCCTAACCCAGTGGCGATTATTATCCCCTCTCTCGGGTC
ATATTTGGGGGGAGAAACATTTAAATTTAAAAATTTTCGGGCCGTTATAT
TTGAAAGATAGAGGGCGACC
>Sequence 118
ACCAATCAGAAGGACGTGTTGCTTCAGAAATTCAATGAAAAAGATTTGGA
AGTAATACAGCAGAACTGCTATTTAATGGCTGCAGAGGATCTTGAGCTCA
GGAGTGAAGGCTTAATAACAGAATAGTGCTCTTTTCAACAGACACCATTG
CTATAAATCCATTTTCTCTAAGGAAAAGAATCATTTTATTATACTATTAA
GAGCTGATTTAGGTTTTATAGAAAGAGCATTGACTTTATACAAATTTATT
TATATTTTTTTATGTTTTTTTACAGTATCTATTATATTTAATCTGTTATA
AT
>Sequence 119
ACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGG

Table 4



GGCACAAATATCGTTTTAGTTCAGTTATCCACATTGTTCATCTAAAATAA
TACATTTTCTTTACATATAACTGTCTTAGACTTGTAATTGAGGATATTTG
ATGAAACAGATCTGTATCTGAAACAGCACTATGATGCTAAACATTTGCAT
AAGGAATGAAAAAAGTTAGCACCCTAGTTTTTTCAATATTCAGATTTTTG
AGATTACACAGAAAGCTACATCCAGATGAATGACTGACTTTTTCCTTTTT
TTTCGAGACATTTTGGCTTTGGATAGACACAGCATTCAAGTTTAATGCAT
TTTAGGAACAGGTTCAGTTTACATATTTAACGCCCATTTAAAAAACCCAA
GGCCAAAGGAATATTTTAATTTTAAAACCTTTACTTCAGGTCCTTAGCCT
TGGATACTTTTTTTAAAATACCTTATGGGAAATTCCATTGGTGGGTTCTT
GGTGGACCTTGGGCCGGGACCCCTCTTAGGGGCGAATTTCAGCCCACTGG
CGGGCGGTACTAGTGGATTCGAGCTTGGTCCCAATTTTGGGGGAATCATG
GGAATAGTGGTTTCCGGGGGGAAAATGGTATTC
>Sequence 120
GGTACCCATTGCCCGAATAGTGAACACTCTACCCAGTCGTTTTTCATCCC
TCACTTTCCTACCACCCTCCAACATTTTTGGAGCCTCCAGTGTCTCTTAT
TCCACTCTGTATACCCATCGTTTAGCTCCCATTTCCAAATGAGAACATGC
AGGNTTCTGACTTTCTGTCTCTGAGTCATTTCACTTACGATAAGGGCTTC
TAGGTTCCATCCATTATTGGCTGCAAAAGATGTGAATTCN
>Sequence 121
ACAACCAGAACCAACAATTGTATTTCTCTATAGTTATTTTAAAATAGTAA
TCAATGCTATGTGTTTGATGTATATGTTTCTAAATTAGAAATTTCTTTTG
GCTTTGTGTTTTTTTTAATGTGCGTTAAATATGTAAACTGAACCTGTTCCT
AAAATGCATTAAACTTGAATGCTGTGTCTATCCAATGCCAAAATGCTCAG
AAGAAAAGTGAATAATTCAGTCATTCATCTGGGAGTAAAACAACTGAGCT
ATTCTCAAATATTCATAATTTTTGAAAAAAACCCAAGTTGTCTAATCTTT
TTTTTATTACCTTTATGCAAAATGGCCTTATTCATTTTTAGTGGGCTGTT
TTTTGGATTACTATAATCTTTTCTTTAG
>Sequence 122
GGTACCATCGCTTTTTAGGAAACAGAGAGCCCTCCTCTGGTCAGGAAACT
GAGATCCAACAGGTGAACAGTAATTGCTTAACCCTGCAGGAGATGGAAGA
TTTGTGTAAACTGCATTGTCTCACTGTGGTTTTTCTACTCCATCTGCCTC
TTTCTCAAAGAGCTTGTGCTAGAGTCATCACTTCCCATTGGGCTGAGGAC
ATGAAGCCTTTATTACAAATGAAAAAGTGGTGTGAATATTTCATCTTAAG
AAATATACATANCTTTTGAATTTTGGAATCTGAATTTAATTCACCTTTTC
TGA
>Sequence 123
ACTTGTATGTATCTGGAAATGGGAAAAGAATTGTGCTCATAACACCTTCT
GGATGCATATTTCTTTGGGAATATTTGGAATTAAAGAATATCTTATCTTC
TAAAAGCCTTTCATTGGCGGGTCGGTGGGGGGAGGTCATACCTGAAGAAG
CAGTTCTCTTGCCTTCCACCGAAGATAAAGAAGCTGTAGTGAATGCTGTT
TTTATAAAAAATGAGTTATTTGGAGACTGCTGCCTGTGTTCATTTACTTT
TTATTCTGGGGAATGCCTGAAGTTAACATTTCTAGCAATTCGGTGGCATG
AGAATGTATTTACATCTGTAAGATCATTGCCATACCATGTTCATTGGGCT
CAACAAGACTGTCATCTCTGTAGTTTAATTCCTAAATGTGAATCAGTAAA
GGCAAGAGGAGCTCTAATTTCTGCCTTTTCAAGAGATGGCCTTACCCTGG
CAGTACCTCTTAATCAGAAAGACCCCAAAGCAACTCAGGGGTTATTTATA
AACACACTGAATTTTGGTACTCTCTGGGGTAGCCTAAAGGATGTAGTAAC
AAGAGTCCCGGGGTN
>Sequence 124
GGTACAACCAGAACCAACAATTGTATTTCTCTATAGTTATTTTAAAATAG
TAATCAATGCCATGTATTTGATGTATATGTTTCTAAATTAGAAATTTCTT
TTGGCTTTGTGTTTTTTTTAATGTGCGTTAAATATGTAAACTGAACCTGTT
CCTAAAATGCATTAAACTTGAATGCTGTGTCTATCCAATGCCAAAATGCT
CAGAAGAAAAGTGAATAATTCAGTCATTCATCTGGATGTAGTTTTTCTGT
GTAATCTCAAATATCTGAATATTGAAAAAACTAGGTTGCTAACTTTTTTC
ATTCCTTATGCAAAATGTTTAGCATA

Table 4



>Sequence 125
GGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTCCGTCCCCCCAAACAAAGATTT
GTCTGGACTGACTAAAAAAAAAAGGGGGCGGACTCTTAATGGATTGGATA
ACATACATGCTTAAAACAAACTACCCACATTTATTTCCTTCCTTAAAACA
TACCTTTAATTCCCAACTCCTATTTAAAGACCGACCTGCTTGATAAGGAA
GGTAACGCCTGCATTGGACCGACTGGTGGGTGGGCTGGCACGTACGAAGG
AAGACTATCCTTGCTAATCAATCCTTGCATACGAAGGAAGAGGTATGGAA
TGTATACCCACGGAGGAACAAACCCC
>Sequence 126
GGTACTCTTTTCAAGGCTTTACTTCCAATCTTCCCCTTAAGTGCTAGTGT
CCAGAGGAAAAATTATTTCTTCTCTGTAGAAGTCATTTTGAAGACAGTAT
TTTTCTGAGATCCAA
>Sequence 127
ACAACCAGAACCAACAATTGTATTTCTCTATAGTTATTTTAAAATAGTAA
TCAATGCTATGTATTTGATGTATATGTTTCTAAATTAGAAATTTCCTTTG
GGCTTTGTGTTTTTTTTTATGTGCGTTAAATATGTAAACTGAACCTGTTC
CTAAAATGCATTAAACTTGAATGCTGTGTCTATCCAATGCCAAAATGCTC
AGAAGAAAAGTGAATAATTCAGTCATTCATCTGGATGTAGTTTTCTGTGT
AATCTCAAATATCTGAATATTGAAAAAACTAGGTTGCTAACTTTTTTCAT
TCCTTATGCAAATGTTTAGCATCATAGTGCTGG
>Sequence 128
ACTTACTACCAAATAAAGATTTTACCTATAGATTGAAACTAAATTGTAAA
TGTCCCAAATACTTTTCCCGATGAAATTCAAACAAAATTAGACTTTTATA
CACACAAAGCAAAACAAAACACAACCTATATATAATTTCAAGATTAAGAA
AAACAAAACAAATAAAAGCATTCTCTCAAGACCTTGCTTCAGTTGTGTAA
AATAATTAAATGTGCTATTCCAAGTTGATTTTAGTTTTTAAATACAGAAT
TTGATAAAAGATAAGTAAAAGAAGGCCTTGGGTTCAGGGTGGCAGATATT
TAGTGCACCC
>Sequence 129
GGTACAGAAAATGCGGTGATAACATAGGCAAACCATCTACTTCCCAGTCT
TCTTTCTAGATTTATTCCTTTCCAGAGCATGGATGCCATATTGAAATACA
AATGCCAATCATCAGCATGGTGAAGGGGAGAGAGCGGGTAAACGCTGCCA
ATCTTTTTGCTGGTAACACTTCTCCACACTAAGGCAGGAGCTATACAGTG
GCTTCTGAGGGTTCAAGAAGAACCAGATGTTGAGGGCCAAAGTTGCTAGG
GTGACAGGTGGAA
>Sequence 130
ACCTAGTAACATTCATCCTCTTGATTCCTGGTGAACACGGTTAAATTCAT
GCACATTTGTTCTTGTAGTTTCTTAAAAATTAGAATCCAAATTTATTTTG
TTTAGCCAAGCAAAATTGGAAAATTTCCATTTTATTATGACTTAATGTAA
ATTTTTTTGCTCTTGCTTATTAAGTAATACCGAACCTGGTAAATTCTGTA
AATTTTTAAAAATTTTAGTATTCTTTTACAATTCAAATTAATTTTGTTAA
TGCATTATTTTTTCATTTTAAATATTAGGAGTTATTACCAAATTCGAATT
GAAAGCCCTTTTTCACCAAGTTTAGTTGGCGTCTGGAGACTTATTTCTTT
TATTTGAAGTAGTAGTTGAAATTTAAGCTTTTCTGAAGAAAGGTCAAAAT
CCTATTTGATGAAAAAAGTTTTCAAGAATGTAGGAATTATTTTTTCTTTT
TTAGTG
>Sequence 131
GGTACTGGGGATGAAGCAGCAAATTCTGCCCTGCTGTGGGATGCTGCCAG
TGGCTCGTTGCTCCAGGACCTACAGACCGATCAGCCTGTGTTGGACATCT
GCCCATTTGAGGTGAACCGTAACAGCTACTTGGCTACCTTAACAGAGAAG
ATGGTCCACATCTATAAGTGGGAGTGACTGTGGTCTCGAAACCTTGAAGG
CATGCTGCTGGTAAGATGTTGTTTGCTAGCGCCTAGCAGCCCCAAGCAAG
ATCCCTGTTTATTGTCTGCAGTCTAGAACATTGGGAATCATGGTTTTGTT
TGCATTAGGTATGATTCTAGGGACCCTTAGTCAA
>Sequence 132
ACCCGAAAAGGAAGGAAGCTTTAGTAATGAAAGGATTGCTGCCGAAATCC

Table 4



TGTTTCCCCCTTGCAGATCTTACAGAAAACAGCCACAGAATCCCAAGGCA
TCAGCACCAAGGGAGCCTGTAGAAACTATCTGGTCTAAGCTCCTGAAGCC
CAGAGATAAGAATGACTTAACCCAAGCTGCACAGCCTCTTAACAGTCCAC
TGTTAACCCCAGAAACAGATGCATTTGAATCTGAAAGGAGACAGGAATCC
TAATCCTACTGCTCAGGGACTTGCTGATTTACTTTGCTGTCTATTAGCCT
TTCTGTGACATGATTTTCTACCAAGCAAAGTCTTTTATTCAAGTCTCCCA
GAGATTTCCTATTTAAGCGG
>Sequence 133
ACCCTACCACTGTTGGACCAGTGGAGAGCAGTGGATTGAGATCTCGCTAC
CGTTCTTCACCTACCGTCTACAACTCACCTACTGACAAAGAAGACTACAT
GACCGACCTACGAACTTTGGATACTTTTCTCGGAAGTGAAGAGGAGAAAC
AGCATAGGGTTAAGCTGGGGAGCCCAGATTCTACCTCTCCTTCCAGCAGT
CCTACTTTCTGGAACTATAGTCGTTCTATGGGGGATTATGCACAAACTTT
AAAGAAGTTTCAGTATCAGCTTGCCTGAAAGACTAAGGCCCCATGTGCTA
ACAAAGATGAC
>Sequence 134
ACCGGAAGGAACGAAGAAGAGGGATTTCTCAAGGTGAGAAGCAGTTCTCC
ATGGACACTGATGGCAGCACAGGCAAAGTTTCCTATGACTAGGGATCACT
GTCCACACAGAGTCTGGCTTCCCAGGTATCCAGCAGGTAGACAAAACAGC
TAACTCCACTGCCACTCCTTTCTCCACATCCGTTCCTATTTCTCAGCCAT
CTCAGTGACATCCGCCATCTTGAGAGTCAACTACTGACTGGACTGAGNTT
GTGTGGTATATGNCTTCTGTTTACTTCTCTTCTGTCTTTTNTTAAGTGGC
CAAATAGC
>Sequence 135
GGTACCCACAATGGAAAGATGGTCTTCCTGCATTGTGAAGGTTGTTCTCA
TCAACCAAGCCTGCAATGACTAGACATTCTAAAGAGAAGAGTGATGGCAA
TGGAAAGAGGACACATCCACTTGCCAGGTCACTTCTATCAGTTGATGACA
TGCCATATGTTATGGCTAGGTCAGCTTTCCACAAGTATGCACATGCAAAA
TAGAACTTGGGAAAAAAATCTTTGATTTGGCCCTCTACCAAGTGGATCAG
TGTGTCAGAGTTCAGTTGAGCAAAGGTCAGAGTTTAAGTTGAATCTCCAG
TCACTCTTTTGAAGATATTTGGTGATGCCAAATTTAATT
>Sequence 136
ATCATCAAAATGTCGATGATTACATAATGGTATATAGATCTTAACAAATT
TATTTAAGATTGATAATAATGAGTATATCTTTAATGTTGAAAANAAGANT
AAACTGGTGGNNNNTATAGGNGAATGTGGCTGTTATGCTGCCCATATCAT
TATATTGCGAGAGGTGCCCCCCCCCCGCTTCCTTCTTTTCATTTTAATTTT
NATATTTAGTGAGGGATAGGTGGGATGTTTGTGTCTAATATAAATGAATG
ATTAAATAATAATTTGCCATGTCTTCTAATAAGAGTGAAAAAGTGAAAAT
GAATCTGTATGCAACATTATTTTTATTTCTTAATATATTTTGGGAAACTT
AATTGCAACTGTGTGGTTCAGGGATTTAGTGCAAGAAGAAGAACAGTTGA
TGGAAAAAAAAACCTTATAACAAAAAAAGGAGGTTCCTGCCCGGCGGCCGC
TCGAAAGGG
>Sequence 137
CCCTTAGCGTGGTCGCGGGCGAGGTACCTAAATTTCCTCTAACCACTCTC
AGAAACTGAAACAATGTCTTTGCTCTTAAAAGAGAAGAGACTTCAGATGT
AATCAAGAAAACATTGTGTAACTTGCCTCTAAGCTCTTCAGAGCCAATTT
TACTATGGCAGGATATTCCTTCCTGATAAGGTGATTAATGAAGTTTTTGG
TGCTCACTTTTCTCTCATAGTCTATAAGCTCAGTATACCAAAAAAAAAAA
AAAATTAGATAAAATAAAACAAAACCCCCAATAGGTCTTGAAAATAATAT
AAATATTTTGTGGAGTCCCAGTCACATAATACTCCACTC
>Sequence 138
GGTACGGTTTGACTGCTGGGGTGTAGGGGAATGCCGAGTTTTGGGTGGTG
GAGTTGCAGGAGGTGATGGCCTGTGCCTTTGNCTTGGAGGACTTGCTGAA
GGAGATAACCTACGAGTTTTCCGAGGGGGGCTGGATGTCCTCTTGGGAGG
CTTCTTTGGTGGTGACCGTGAACGAGATGAAGAGGATGATGAGCTACTCC
CAGACAAGGATGCTGACGAACGTCTTCTTCGTCTTACTGGAGATCTACTC

Table 4



CTTCTATGCCTTGGTGGAAAGAGGGCATTCTTTTTGCCGGAATTTCTTTC
TTTCGAGGGAGTATGGGCCGCACTTTTTTTGGGCTTTGGGCCCGCCCTT
>Sequence 139
CCCTTAGCGTGGTCGTGGCCGAGGTACCTACTTGAAGGACTTCATAAGCA
AATTACGATTTAATTTACAAGAACACTATGTCACACGTATACACACAGGT
TTTTTATATTTGTTGTCTTTTCCGTGATTATCTCTTACAGTGTTGTATAT
TTAATATATTCATTTTATTTTAATTTTATGTAGGTTCCTCATTCCTTCAT
ATGTGTATTACATTTCCCTGGAACTATCACGTATTTTATATACTTAGCAA
TGGAAAGCTCCTGGTTTCAGTTGTCTGTGCAGCAGGCAGGGGGAGGAGAA
GAAAATGGGTCACACTCCTGACCCTGCCTGCATAGCCACAGGTTCCCAAA
AGCAGAGGTCCC
>Sequence 140
ACTTTTCGCTCAGCTGTTTTCATCACTGTGTTCAGAGGTTTGTCTTTTTT
TTTCCCCTAAAAGGTGCTGAGATGTTATGAGTGCTTTATGTGGGGGTACT
GGGATAAGTTTTGAAATGTCACTGTGTTATAAACTGCATGATTATCGATT
TTGGAAATTTTGTTTTTTTTAAATGATTAATTTAAATAAAATGGAGAATT
TTGATCCATAAGAAAAGCAGGACTGAAATCTCCAGGGATGGGAGCCTTTG
GGTTCACTTTGTTCAGTGTTGTTTCTTTGTAGACTTCCTACTTTCTTGTA
AAATGTTTTGGACTAAATATTTCACAAGAATTGAATT
>Sequence 141
GGTACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAGCAGTTTA
GATTTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAGTAATAACCCTCCAACCACAACC
TAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGAAAACAAAGAAGAAAATA
ATATTGAAAAAATGGAGATTCCCCAACCAGTTTCATATTTGAAGGATCTG
AGTTGTATTTTTATTAAGGAAATTTTTTTTCTGAATACTGCTCTTCCAAA
ATGTTTAACATTAAAAATCTGAATTCAGAGGACTTCTGAATTGGAAAAAG
AAGTTTTGATCACTTGACCACCTTAGGTGCTCTGAAAGCGTTGTTGTGGG
CCACAT
>Sequence 142
ACCAGGAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAAACTGAAAACCCATCACCTCC
TTCCCACTGCTATAGCAGCGTTAGCCCCTGGGTTCATTATCTAGCCAGGT
CACACCCTTTAAAAGGGGGGCTCTGAAAATGTCTTACCTCCCTCACAGGC
AAAGCAATTTTAAAGCCTCCTGAGATCACCCACCAACCAAAGCAACTGCT
GTCACTTGGAGGTGCAGCTGAATTCTTCTAATTGTGACACAAACTCTTGA
AACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAACACTCAGAAGGTTTT
ACAAGTAAAAGT
>Sequence 143
GGTACAGTGAAAAGAGCCAAGGCTGTGTGACCCCCTCATCACTTAGCCAG
GCGTATGGTCCTGGTTTCTGAGGCTGCCAGAAAGCATCTTAACAATTTGT
GTTTGGATGGTCCATGCCTGACTATTCTAGGCTGGAGGTTCCTAAAGAGT
AACAAGAGGAAGAGAAACAAGAATCTCTGACACTTGTTGAGAATAGAGCG
CAGTCCCATTTGTTTGAAAAGAGACACCAGGCAGCCATGTTTATGTGCCA
GAAATGCATTCCACCTCAAGGAGGACTTAATTTATGGACCCGTGTGTGCC
AGGCTGAGCTGGGCAAGA
>Sequence 144
GGTACCAACAATGATTTGGCTTTTATATTACTGTAAGATGTTATAATGTT
AATGTGGATGTAGTGCTTTTACTTTACAGATTGATTGGAATAAGATTATT
GCATATGAATTTACCCACAGGACTCTGAATCATGTTACCCACTCCCCTCA
CAATGTTGTCCACTTTAGTGAGTTGCATTGATCTATCCGT
>Sequence 145
ACTCGGGACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCAACAC
CCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCAAGTATTTAATTGGAT
GGACATTGCATAAAAGAGGTCCAATATCCAGGCTAACTCTAGAAATTTTA
TTCTTCAAACTTAGTATGGGCCTCTTTTTCTTACTGTCAGAGGAACCAAT
TCTTTTAGTGGCACCTGGGAGAAATTCTTGGGCACCCTAGAAAGAATTTC
AAACTGCCGCATCACTTGCAAAAAATTACAAATGGGCCCTACATTTGGGA

Table 4



TTTTGGTAGAAGGAAGAAAAGGAAGCCCCTGTTTTTGTGGAAGCTGGTGC
TAATGCAGAAAATTTCTTTTGGCCCCCTTGAAATGGTGGGTCCGAATGGC
CCAAAGGGAAAGAATCCTG
>Sequence 146
ACACTCTAGCATTGTAACTTTTTCCCCCTGAGAAGTGATTTTAAGATCTA
TCAGTCTCAATTTAAATGATCTGTTAATCAGCCAGAGTTTTAGTTTCATA
ATATCGTTCCATTGCCTGACAAAGATATACACACTGAAGTGCCTTTAGCA
GACCTGGGACCGTCAAGAATCTTGTTACCCTGATTATTGCAAGATGACAT
ATTTCTTAAGCCATTTATAATCCCATATTCGGGTTGAATCTGAATTTACA
AATAAAAGGGTTAAATTGAGGCAGTTTCAAGCAGCATTTAGGAAAATGAA
GTGGCTTCAAATTTT
>Sequence 147
ACCTCTCTTTCTTGTTGGAAATGTTGAAGTATTGAAATACTTCTTTTCTG
TAGAAGGTGGTTCTCCCTTCTACCCAGGAATAATTTTGTGGCAAGTCATT
GAGTCAGCAGTTATTTTGACCCTAACTGAAAGAGATAAAGTTCCTAAGAA
TTTATTATATATGTTTCTTGCCACTGAGTGAGCAAGAAAAATACACACCC
ATCAGTGCTGACTGGTTGGTAATTTCTGAAACACAATGCCACATCTCTTC
ATGAATAACACAGTAACAGAATTACAGAGATTTTGGAAGAGATCAATCTC
TAGATGGATGAGTTAGTCTATAAACAAATAGCTTCTCAA
>Sequence 148
ACATAACCGTGTAATCTGTAAGATAGTATGACATTTCTGCCTTTCTGCAA
AATTACTGAATCAAAGTTTGAAGTAGTGCGTTCTTTAATGGATTTTATTT
ATAAAATCATCTTTACTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCAGGGTGGGT
GGATCACCTGAGGTCAGGAGTTCAGGACCAGCCTGGCCAACATGGTGAAG
CCTGTCTCTACTAAAAATATAAAAATTAGCCAGATGTGGTGGGTGGGTGC
CCTGTAATCCCAACCCACCCGTGGAGGCTGAGTGTTTGTATAAATGGTTC
TGAACCCCATATAGACTGGAAGTTTGG
>Sequence 149
ACAAGGACACTAAGACAGTGTAGCCTGCTGACTTGAGAATGTTCTGTAAG
GACTGGAAACACTAGAATCTTGAAAAACGCCTGGCTAGAGGTGAGGGTAA
GCTGTTAATTACACTGATTACAGTTTGTGCCTCTCAGACTGAGAACTCTT
TTCTTCTTGCTGGGGGCATTGCTATCTCTAGGATGTTTGCCCTGAAGTCC
TGATAGTCTCTTTGGGGTTTTAATAAATGGCTGAAAAAATTGTTGTGGGG
TTTCAACAGGCGTTCATAGGCACCCTTGCTTGGCAATATAACATGGCTTT
TGATGTTTGGGTGTTGGAAGGGATCTTTGAAGTGCTGAGAGGGACTCAGT
CTTTTTCCAAAATCTCTGCTTGTGTCTGTCCAAGCCTTGGCTCCACTGCT
TGGCTGAGATCCTGGCCCATAGTAAAATCTGTGTAGAGGAAACGAGAGCT
CACTATTTGTGAGGCAACCTGTTCCACTATTGGACTGCTTTAAATGGAGT
GATCAGTGAATATTCTATAAATCCATCATGTATTAATTGGGCACCAACTA
TGCCCTAGGCATTGTATAAAGTACCTCGGGCGCGAACACGC
>Sequence 150
GCTGTTAACCTTCCGGGAAATGCAGGTCTTCAGTGGATTCCTGTTAGAGA
CATAAAAATGTAGAGAGAAGACTTTCAGTTAAAAGCCTCCTCCCTTCAGC
AAAGTATATTCTGATTCCATTATCGTGTTAGGCTCCTATATAGTTATAAG
TAATCCCATGCGGTTTTAGAATTCTTAAATATTCACACACATAGTCATCT
GAAAATGAATAAATCCATGAATGACTAAACAAAATTTATTCCTATATCNA
TTTCAATATCCTTAAATTATGCTTACATCCTTAAATCGGTTGCCTCATTC
TGAAAGCACATAGTCTGTAACTCGTAAAAAACACCTGTCGGCCGGGCACG
GTGGCTCACGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGGAGGCCGAGGTGGGCGTAT
CACCTAAGGTCGGGAGTTTGAGACCAGCCTGACCACCATGGAGAAACCCC
GTCTCTAATAAAAACAGAAAAAATAGCCGGGCGCGGNGGTGCATGCCTGT
AATCCCAACTACTTGGGAGGCCTGAGTAGGAAAATCACTTGAAACTTGGA
GGCGGAGGTTGCCGTGAGCCAAAATCGTGCCAACCTGGGCAACAAATACA
AAACTTCGTTTCACAAAAAAAAAAACCAGAAAAACCCAAAAAAAGGGTCC
TTGGCCGGGACCACGCTAAGGGCCGAATCCAAAAAATTGTCGCCGTTACT
ATGGGATCCAACTTGGAACCAACTTGGGGAATTAAGGGCAAAGTGTTTCC

Table 4



TGGGGAAAAGGTTTCCGGTACCATTTCCAACAACTACGAGCCGAAACCAA
AAGGGAAACCTGGGG
>Sequence 151
GGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT
TTTTTTTTTTTTAAAAAATTATCCTTATTNTTGTTTGAAAAAAAATGGTA
AATGGGGCTTTTGGGGATTGTAAAGAGACCAAATCCCATATTCTAGGGCG
AATTCTCCGACTTTTCCTTGGGTTAAACCTTTACCGGGGTTGTATCACCA
GCAGGAANCCTTGGGGGGGGCACAGCCCCAGGGGCAGAAATCTACAAAGG
GCAAATGGATCAGCCAAAAAAGCCTTTAACTTTTTAACAAGGGGAAAAGG
GTTAAACCGTTTTACAA
>Sequence 152
ACTTCTATGATATAGTTGTCAAAATCAACTGGAGGATAATAAAATATTGT
GGGTTCTCAGCATTCTTAGAATCCAAATTACAACCATATCAGTAGGGGTT
TGATCCACATGAGCCAACTGAAGTCATTTTCCTCAAGGTTGGAATTTGTG
CCAACCTAAATACGTTGTTTCTTTGATGGTGTTTATTGCTATTGGTATTA
TTTTGAACTAATAACAATTATTTTGTCTAAATAATGCTAAGACAATTCTG
TTAAGAATTTTGTCAGCTAACATAATTCATTAAGTATGTTTGGCATCATA
TGGACAAAATATTTGGATGAATGACTAAATTTCTGACACAA
>Sequence 153
ACGATCTTGGCTCACTGCAACCTCTCCCTCCCGGGTTCAAGTGATTCTCG
TGCCTCAGCCTCTTGGGTAGCTGGGATTACAGGCGCGTGCCACTGCGTTC
CGGCTAATTTTGGTATTTTTAGTAGAGATGGGGTTTCACCATGTTGGCCA
GGCTGATCTCAAACTCCTGACCTCATGTGGTCCACCCACCTTGGCCTCCC
AAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGCGCTCAGCCTACAAGCAAT
TTTTTAAAAACTGACACCTATTACTGATAAAATTCTCTGTTTAAAATCCT
ATTTACTATTTTAAAGATAAGTATTAGTTTTTTTTTTAAATA
>Sequence 154
GGTACGCGGGGATTCTCAATCCTACCCATGATGCAGACAGATTGCCTCAT
TTCAGCTCAATAAAACATCACCAAATTCCCTTAGGCAGAAAAAGGGTGGG
GAGTGCCCTTTCTTGAAGGAATCCCTTAAGTGCACGTCTCCCGTTTTCTT
TTCACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCAACACCCAT
GAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGAGCCAAGTATTTTAATTGGGTTG
GGACATTTTGCATAAAAAGAGGTTCCATTATCCAGGGCTAACTTCTAGGA
AAATTTTTATTTCTCAAAACTTTAGGTTGGGCCTTCTTTTTTCTTTCTGG
TCAGGAGGG
>Sequence 155
GGTACAAGAACTATGCAGAGTCATGTTTGATGCTTTGGAACAGAAATGGA
AGCAAACAGAACAGGCTGATCTTATAAATGAGCTATATCAAGGCAAGCTG
AAGGACTACGTGAGATGTCTGGAATGTGGTTATGAGGGCTGGCGAATCGA
CACATATCTTGATATTCCATTGGTCATCCGACCTTATGGGTCCAGCCAAG
CATTTGCTAGTGTGGAAGAAGCATTGCATGCATTTATTCAGCCAGAGATT
CTGGATGGCCCAAATCAGTATTTTTGTG
>Sequence 156
GGTACAAAAATTAGCTGGGCATAGTGGCACATGCCTGTAGTCCCAGCTAC
TCGGGAGGCTGATGAACAAGAATCACTTGAACCTGGGAGGAGGAGGGTGC
AGTTAAGTTGAAATCGTGCAACTGCACTCCAGCCTGAGCGACAGAGCAAG
ACTGTTTCAAAAAAATATAAAAGATACAAATAATTCAAAAGGAAAACAAA
AGCCCTTTTATAAAAAACAAAGGCCTTTTGAAAAAAGGATTGTTAAAATT
TGAATATTATTAGGATACCAATTTATTTTTTAAAAAAAGTTTTTATTAAG
AAAAAATATTACCTGGGAATTGTTTGAATGATTGGTTTTTAATTATATTT
TTTAAATCAATT
>Sequence 157
GGTACCAACAATGATTTGGCTTTTATATTACTGTAAGATGTTATAATGTT
AATGTGGATGTAGTGCTTTTACTTTACAGATTGATTGGAATAAGATTATT
GCATATGAATTTACCCACAGGACTCTGAATCATGTTACCCACTCCCCTCA
CAATGTTGTCCACTTTAGTGAGTTGCATTGATCTATCCGT

Table 4



>Sequence 158
ACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAGCAGTTTAGAT
TTGGACTGCATGGTAAATGAAAAGTAATAACCCTCCAACCACAACCTAGT
CAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGAAAACAAAGAAGAAAATAATAT
TGAAAAAATGGAGATTCCCCAACCAGTTTCATATTTGAAGGATCTGAGTT
GTATTTTTATTAAGGAAATTTTTTTTCTGAATACTGTCTTCCAAAATGTT
AACATTAAAATCTGAATCAGAGGACTCTGAATGGAAAAGAAGTTTGATCA
CTGACACCTAGGGCTCTGAAGCGTGTGTGGCCACATGGAAAAGTCGAAGG
ATGCCC
>Sequence 159
ACCCAGCAGGGAAATCACTTTGGGAAGTAGATTGGCTGTTTGAGCCACAC
AACCTTAGATCACATTCACTGTCAGAGAGACTGTCTACAAACCTGGAGGA
AAACATTAAGATAGTTCCTCTTCTCCTAGCAGCATGTGAAATAAATAAAT
AAATAAATAAAAGGTTAGAAATATTTTCTTTGAATCACAATTAAACATAT
GACTTATTCTAGTTTGGAGAAACATTGAAAATTACTTGGAAAGTCTAACT
TTTTTAGAATGCAATTTCTTTTCCCTAGGCCTTTTGGTTTGAACTTTTTT
CCTAAAAGGCCGGGAAAAAA
>Sequence 160
GGTACTTTGATCTTGGACTTGCAGCCTCCAGAACTGTGAGGCTTGTCCAT
TTTAATGAGAAGCTTATGCGGCATGGAACTGAGTTCACCCCCAACCAACA
GCTGGTGAGGAATGGAGCTCTTCGTTCAATGACTCATAATGAGCTTTGAG
ACAACCAAAGCCCCCTAGCTAACCTGTGCCTGGATTCCTGGCCCACAAAG
ACAGTGAGAGAGGGACCCAACTCAGCCCATGAAGCCACTGAAATACAGGA
AAGAGCATCTTCATTGAAGCCACTGGAGCATGGGAAAGAGCACCACCAGC
TCCCTGCTCGCTAGCTGTGAACCTCAGGATGGAATAGAAGAT
>Sequence 161
GGTACTCTACGGTGTCAATAATTATTTCAGTCTCTGCTGCAATTAGTGCT
AATTACAATACCTGAGCTATAAAAATAAAAGATTTCATTATAGCAAAGTT
CACAAATATCGTTTTAGTTCAGTTATCCACATTGTTCATCTAAAATAATA
CATTTTCTTTACATATAACTGTCTTAGACTTGTAATTGAGGATATTTGAT
GAAACAGATCTGTATCTGAAACAGCACTATGATGCTAAACATCTGCATAA
GGAATGAAAAAAGTTAGCAACCTAGTTTTTTCAATATTCAGATATTTGAG
ATTACACAGAAAACTACATCCA
>Sequence 162
GGTACCTAAGATAGAGCTGTTAGAATTTAGATAGACATTAGATAGACAGT
GAAAATATTTTAGTCTACAGTTGAAACTGTAACAATATTGGTATTGTTCT
CAACTACCCCTGGTCTAGTTAAGGGCTTTCAAGTATGTGTTTGGACCAAG
TATTTTCATGTCCACCATCTAGATAGTCCTTGGTCTATTTCCCACCCCAT
GTGCTTTCTGGTGGGATGATCACATCTGCACCTCTAGTCCCCAAGCTGTC
CCTGAGCTCTGTGTCCTCACTGTCTCCACATGGAGTGTCCCCTTCCACCT
CAAACTTGACAAGGGTTGTGTCTCCACACCACCCTGCTCCTCCTGGATTC
CAGCCCAGTCTGTCCTTCCTTTTCTGTTGGTTGCCCTGGTTCAGAGCCCT
GGGACCTCTCATGTTCCTCTCCCAGAGTCTCTTCCAGCCTTACTCTACCC
GCCAGACCACTTCTTGGTCAGCATACATTGTGCATTTCCCCAGGTTTGTG
CCTTTCCTATATTGGCTCCTCCACCTAAAAGGCCCAATCTGTTAAGTTTC
TGCTCAATCCCATCTCCTTCACAAACCTGCTGAATTTTTTCATTGGAATT
CATCTTTCTCTTCTGTTCTCCACACTGACTGCACTTTGGATGCTATTAGC
ATCTACAGGTTACTTTTTCTCAAGAATTTATGTTAAAATTTTTCAAATTT
CAGAAAAATTGATTGAACAG
>Sequence 163
CCCTTTGCGGCCGCCCGGGCAGGTACCCGAAAAGAAAGGAAGCTTTAGTA
ATGAAAGGATTGCTGCCAAAATCCTGTTTCCCCCTTGCAGATCTTACAGA
AAACAGCCACAGAATCCCAAGGCATCAGCACCAAGAGAGCCTGTAGAAAC
TATCTGGTCTAAGCTCCTGAAGCCCAGAGATAAGAATGACTTAACCCAAG
CTGCACAGCCTCTTAACAGTCCACTGTTAACCCCAGAAACAGATGCATCT
GAATCTGAAAGGAGACAGGAATCCTAATCCTACTGCTCANGGACTTGCTG

Table 4



ATTTACTTTGCTGTCTATTAGCCTTTCTGTGACATGATTTTCTACCAAGC
AAAGTCTTTTATTCAAGTCTCCCAGAGATTTCCTATTTAAGCGTTTGCTA
TTTGGCCACTTAAAAAAGACAGAAGAGAAGNTAACAGAAGCATATACCAC
ACAACTCAGTCCAGTCAGTAGTTGACTCTCAAGATGGCGGATGTCACTGA
GATGGCTGAGAAATAAGAACGGATGTGGAAAAAAGAATGGCCNTGGAGTT
AGCTTGTTTGTCTACCTGCTGGATACCTGGGAAGCCAGACTCTGTGTGGA
CAAGGAATCCTAGTCATAAGGAACCTTGTGCTGGCCTGCAATCAGTGGTC
ATGGAGAACTGTTCTTACCTTGGAAAAAACCTTTTTTTGGTTCCTTAGGT
ACCTNGGCGGGAACCCCCTAGGGCAAATTCCACCAACGGCGGGCGTACTT
ATGGATCCACTTCGTACCAACTTGGCGAAACATGGGCAAACCTGTCCTGG
GGAAATGGTTCCT

>Sequence 164

GGTACCCGAAAAGAAAGGAAGCTTTAGTAATGAAAGGATTGCTGCCAAAA
TCCTGTTTCCCCCTCGCAGATCTTACAGAAAACAGCCACAGAATCCCAAG
GCATCAGCACCAAGAGAGCCTGTAGAAACTATCTGGTCTAAGCTCCTGAA
GCCCAGAGATAAGAATGACTTAACCCAAGCTGCACAGCCTCTTAACAGTC
CACTGTTAACCCCAGAAACAGATGCATTTGAATCTGAAGGGAG

>Sequence 165

ACCTGAAGGAACGAAGAAAAGGGATTGCTTAAGGGGAGAAGCAATTTTGC
ATGGACACTGATGACAGCACAAGCAAAAGTTTACCATTTACTGGGGAGCA
CTGTCCACACAAAGACTGGCTTGCCAGGGATCCAACTGGTAGACAAAACA
ACTTAACTACCACTTGACACATCCTTTTATCCACATATCGCTTCATATAT
ATTCAGCCCAATCTCAAGTGAACATCCCGGACAATCTTGAAGAAGACAAA
CTTACTTGACTGGTACCTGAGATTGGAGGGGGGAAATATTGCTTCCTCGC
TTAACCTTATGTTTTCAGGAGGTGTTTTTTTAAAAAAGGACCAAAAATTG
GCAAAAAGGCTTTAAAAATAGGGGAAAAATCTTTTGGGAAGAA

>Sequence 166

GGTACGCGGGGATTCTCAATCCTACCCATGATGCAGACAGATTGCCTCAT
TTCAGCTCAATAAAACATCACCAAATTCCCTTAGGCAGAAAAAGGGTGGG
GAGTGCCCTTTCTTGAAGGAATCCCTTAAGTGCACGTCTCCCGTTTTCTT
TTCACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGAATTTACAACACCCAACACCCAT
GAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAGAATTGAGCAAGTATTTAATTGGTTGGAC
ATTGCATAAAAGAGGTTCCATATTCCAAGGCTAACTTCTAGAAAATTTTT
ATTTCTCAAAACTTAGTTTGGGCCTTCTTTTTTCTTTCTGGTCAGAAGGG

>Sequence 167

AGTACCTGTTGTATCCTTTTAAGTGTTTGTTGTGGTAATCCTTCAAANAG
ACCGGGGACTGATGGAAACTCCCTTGCTATTAAACTTTTTTTCTTGGAGG
TTAAAAAAAAAAAAAAAAAAAANANANAAAAAGGGCCCTNTTTTTTTTTT
TTTTTTTTTTTTTTTAACATAAAATTGGGGGAAGAAATTCCCGAAATCAA
ATTCAAATTTTTTAACCAGGGGTTTTATGGGAGAGGGTGTTCCTTT

>Sequence 168

GGTACTTGTAGATGTTTATGTGCTTTTTGTATCCTAACTTTTAGAATCTA
AATAAAATCAGAGGTAATGTATTTTGGCAGCTTGTTTAAGTGAGAATCTT
AATGATCATAAAGGAAATAAATCTAGATGTAGAAAGTACCTTGCCCGGGC
GGACCGCTAAAGGGGCGAAATTTCCAGCCACAACTGGGCGGGCCCGTTAC
CTTAAGTGGAAATCCCCAAGCCTTCGGTTACCCAAAGTCTTTGGGTCCGT
TAAATTCAATTGCGATTCCATTATGACCTGGTTTTTTCACCTTGTTAGCT
TTGACAAAATTTTGTTTTTTATTTCCCCGTCTCTTCCATCTAAATATTTT
TTCCCACCAACCAAAACCCAATTAACCTGTCAAGTCCCCCGGGTAACAGC
CCCATTAGAAAAAGGTTGGTTATATATAAGACCACCTTGATTATGGTCTG
CCCCCTTTAAAATTTTAAGTTTTTTTAAGCCCCT

>Sequence 169

GGTACAGTGAAAAGAGCCAAGGCTGTGTGACCCCCTCATCGCTTAGCCAG
GCGTATGGTCCTGGTTTCTGAGGCTGCCAGAAAGCATCTTAGCAATTTGT
GTTTGGATGGTCCATGCCTGACTATTCTAGGCTGGAGGTTCCTAAAGAGT
AACAAGAGGAAGAGAAACGAGAATCTCTGACACTTGTTGAGAATAGAGCA

Table 4



CAGTCCCATTTTGTTTGAAAAGAGACACCAGGCAGCCATGTTTATGTGCC
AGAAATGCATTCCACCTCAAGGAGGACTTAATTTATGGACCCGAGTGTGC
CAGGCTGAGCTGGGCAAGATCTTT
>Sequence 170
ACAGTGAAAAGAGCCAAGGCTGTGTGACCCCCTCATCACTTAGCCAGGCG
TATGGTCCTGGTTTCTGAGGCTGCCAGAAAGCATCTTAGCAATTTGTGTT
TGGATGGTCCATGCCTGACTATTCTAGGCTGGAGGTTCCTAAAGAGTAAC
AAGAGGAAGAGAAACAAGAATCTCTGACACTTGTTGAGAATAGAGCGCAG
TCCCATTTGTTTGAAAAGAGACACCAGGCAGCCATGTTTATGTGCCAGAA
ATGC
>Sequence 171
CACCTTCTTTATGGGCGGATTGTGCCCTTTTTTTATACATACTTCTAGCG
GCCCCCCAACGTGATTGGGTTATCTTTTAAAATTANTCCCTTTTTTTAGC
GGCCGCCCGGGGCAGAGAACGCTTTTTATTTTTTTGATTCATTGAGAGCC
TTATAATGTAGAACTATTTAACTCTCTTTTGTCTCATCTTTAATACCTCT
TTTCATTGAGAAACTTTAGACAACTCCGGGTTGAAACTGAGTAAAAATCA
ACTAAATTTAAAAATAAAAGTTTAATTTCAGAGTGGCAAGTGTCTCATTT
TTAAGAAATGAATACTTGTAAGTGAACTTCAGGAAACATATATTTTTATA
AAAAAACACCTGAATGAAATTATCTACTATTAAAAACATTATCGATGCAA
TTNTATTGTAGTATAGATTTTTAACTTTACAAGAAAGTCCTTTGACATAT
TATTATATTTTCATAATACCGGTAGGAATTTTTTCTGATAACAGTTTTTG
TGAACCATTATTGAAACAGAGCCTTTTTTTCTTGTTAACCGATTTATGAA
CCTTTATTGAAGCCGGAGCCTTTTTTTTTGGTTACCGGTTTTTGACCCTT
GACAGGATGAAGAGGAATTTCATTGTCTGCCCATGGGGAG
>Sequence 172
ACCACCTTGATGACTTCTGTATTCACCACTAAAAACTGAAATAGAACATA
CTATATACAGCTTCAAGTTTGTCACTTTTTAATAAAACTTTTCCCACAAA
TGATTATAATTACTTGCCCTTTGAAGCTATTGGATAGATCTGAAAGTGAG
GTAGGGTNGGGGATGGTCATTAGATCAGTTATAGTTATTTGTTCAGGCTT
CGATAAAAAGTATAAAACTCGGGCCAGGCGTGGGTGGCTTCAACGCCTGG
AAATTCCCAACACTTTTGGGAAGGCCAAAGCTAGGTGGAACTATCCTGAG
GTTAAGGTAGTCCAAGAACCATTTCTGGGCCAACTATGG
>Sequence 173
ACTCCAGCCTGGGCAACACAGCGAGACTCTGTCTAAAAAAAAAAAAAAGTG
CTTCAAAAGCAACCGTATAACAGAGACATACTGAACATAGGATTTCTGCC
ATTCTTGTCTGCCTATAAGGATAGACAAACTATCTCAGATAAGTAACTGA
GATATTTATTCAACGGTATTCTCATCCAGCATAAAATACTTTTTTCAATG
TAGTAACAAACTTACCATCTTTTACTTTAAGTGTTCTGTTATTTTTGATT
TGCAATCAGAGCAATAGTAAATTGAGTGAGAAAGTTCTGAGTTTTACAGA
AACTAGAAGGTGTAGGAATTTTCTTAAGAAATCCTGTTCTCATAGCAAAC
CATCCCGTTTCTTGATGAAGGAGTTCAGATAAGTATATGAAGTTTGGAGT
GTTTATTACGACTCTCAGACCTTTTGAAATTTACCCATCACAAATACCTT
CTGTTTTTATGTGTGCAGTTAATATAGATNTAAATATATACTTGCCTTCT
GAATTTTATTATAGATATACAGATATA
>Sequence 174
GCGCGGGGTTGAAGAGTGTGTATAGGAAAGGTCTAGAAATAAATAGGCTT
GTGCATACCTAGGCATTCATGCTCTTTCTTCCTCTTCAGAGATCATCAGA
AAAGAGGTGGGAATACACAAGCAGGTGCATGTAAGCCCAAAAGCTAGAAA
GCCTTATATTTAACCAAAGGTTGATGTGTTCATTCCAGTTATTCACTTAC
AGATGAAACTAAAACAAATAAAGGCAAGCTATTATCAGTTTGGTAGTTCA
TTATTTTAGAACAAATTTCTC
>Sequence 175
TACCCTTGGTGGCCAATTGATTTGATGGTAAGGGAGGAATCGTTGACCTC
GTCTGTTATGTAAAGGATGCTTAGGGATGGGAAGGCGATTAAGGACTAGG
ATGAATGGCGGCCAAGGATAATTTCAAACCGGTTTTTTATTTCCTTAACC
TTTTGAAAAATGTAATTAATAAAGTTAATTTTTTGGTTGGAGATGTGTTT

Table 4



AGAAAAAGGGGCATTATCCCGGTCTTTTTGGAAAACCCTAATATAGGGGA
AAATTTATTTTATTAAGGGGCCTTTGATTCATTGAAAAGGGTGGAATAAA
ACCTTCTTTTTATTTAAATAGGGGGGAAGTAAGCCGTTCTTTGGTAAAAA
CCCTATACTTTGCCGCCTTAATTTGTTTCCCATTTTCTCGGTATTAACCC
TTTCCCCCTGGGTAACTTGTCCTTTTTTAAAAAAAGGGCACTTTTTTTTT
ACTTATACAATTTGTGTGCGCCCCTTTTATTG
>Sequence 176
GGTACTCTACGGTGTCAATAATTATTTCAGTCTCTGCTGCAATTAGTGCT
AATTACAATACCTGAGCTATAAAAATAAAAGATTTCATTATAGCAAAGTT
CACAAATATCGTTTTAGTTCAGTTATCCACATTGTTCATCTAAAATAATA
CATTTTCTTTGCATATAACTGTCTTAGACTTGTAATTGAGGATATTTGAT
GAAACAGATCTGTATCTGAAACAGCACTATGATGCTAAACATTTGCATAA
GG
>Sequence 177
ACTCTAAAATCCTTTCCAGCTGCTATTGAACATACCATACAGTGGGCAAG
AGATAAGTTTGAAAGTCCCTTTTCCCACAAACCTTCATTGTTTAACAAAT
TTTGGCAAACCTATTCATCTGCAGAAGGAGTCTTACAGAAGATACAGAGT
GGACACAGTTTAGAAGGCTGTTTTCAAGTTATAAAGTTACTTAGCAGAAG
ACCTAGAAATTGGTCCCAGTGTGTAGAATTTAGCAAGATTAAAGTTTGAA
AAAATATTTTAAACCATAAGGGCTCTTAAGCTTTCTTTACTGGTTTCCCT
TCTGGGACATACCGAATAAAAAGATGGGCAGTTTTATTTTGGGCAGTCCA
CCCGAAAAGGGCCACCCCTTTCCAAATAAAATTTGGATTTAG
>Sequence 178
GGTACCTAATCTTTCTGGCCTGAAGTTTATGTAGAGGTTGTTCCGCTATC
GTCTAGTATTTAATGTGGCAGAGATTGGACACTACAGGAAAAAAATTCTG
GATATTTACATGCTTTGTATTGAGACAGAAAACTAATCACGGTGAATTGA
GGATTGAGTTTCCATTTCTTACTGAAATGGGGTAAACATTGCCAGTTTGC
ATCCTTGCTTTTATCTCTCAATTTCTGCAAAGTTTAAACTATAATGTAAA
ATTACAGCATTTTAAGAGCCTTGATAAGCATTAGAAGGTGCAATATGCAA
CACAGGTTGTTGTAAGACCCAGACCTGGCCTAAAATTCAAAATTTTTTTA
CAAAGGCTTGAGGCA
>Sequence 179
ACTTCTATGATATAGTTGTCAAAATCAACTGGAGGATAATAAAATATTGT
GGGTTCTCAGCATTCTTAGAATCCAAATTACAACCATATCAGTAAGGGTT
TGGTCCACATGAGCCAACTGAAGTCATTTTCCTCAAGGTTGGAATTTGTG
CCAACCTAAATATGTTGTTTCTTTGATGGTGTTTATTGCTATTGGTATTA
TTTTGGACTAATAACAATTATTTTGTCTAAATAATGCTAAGACAATTCTG
TTAAGAATTTTGTCAGCTAACATAATTCATTAAGTA
>Sequence 180
CCCTTAGCTGGTCGCGGCCGAGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGCT
CTAGAGGGGGTAGAGGGGGTGCTATAGGGTAAATACTTGGCCCTATTTCA
AAGATTTTTAGGGGAATTAATTTTAGGACAATGGGCATGAAACTGTGGTT
TGTTTCACAGATTTCATAGCATTTACCGTAGTATACCCCCGGTCGTGTAT
CGGAAAAAGTGATTTGGTTTAAACGTTAGGAAATTGTATATGGTTTTAAA
CCTAATGTGGGGACAGATCATTAATGCAAGACGTTTTGTTGATATTATTA
TTAATACAAATGGGGGCTTAAATACTTGAGATCTTTATCCCGGCAGAAAA
CTTTTAAT
>Sequence 181
ACAGATCTACTGGCAACTTTGGGTGCCTTTTGCTCCCTTTTATATAAAAG
TAGAAAATCCCAATGATCTGATGTAGTATAGCTGAGCATGCCCATTCTCA
TTCCCAATATCCACACTGTGTTTCTAACATATGTGTGTGCCCCACCCACC
TCTGGGACCTTTTTGCTCGACTTTTTCTCTTGGCTTCCACTTCAGTCAGG
GAGAATAGGGATAGGAAAAGAAAGAAATAAGGTCCTGGAAAAGCCAGTTC
CTTGGGACTCCCTAATTCCTTGAAATTCTACTTGTCTCCATCTTTCCAAA
TAGGAAGGGTCCCTGAGCCCTT
>Sequence 182

Table 4



CCCTTTCGAGCGGCCGCCCGGCAGGTACTACAAGATGGAAGTATAAAATT
ATTGGACAAGTGAAATCGTATCAGTAGTTCCTGACTGACAGCTTCTGGAG
CCACACTAGAGCAGTGATTCTCAGTCTAACATTAGGTTATCATGATGACG
TATGAGTAAATTCTTAATGGTTAAATGTGAGACAGTTCACATTTATTCCC
ATAGAAATGTCATTCTCATTTGAATTCAGAGATACTTCTTTGCTGGAAGT
ATGAATTATAGCTTTACACCAAGGAGTGACACGTAGACTAATCTGGCAAG
CCA

>Sequence 183

GGTACAATCACTTTTCCATGGTCACCCTCTTTTCTGCTTTATACTAATTG
CCCTGTTGAGGTGTTTCCATGTCAAATGCAGCTCTTGTCGGAACTGAAAA
TGGCAGTGCCAAGGGAGCTGTGCAAGTATAATCAAAGCCGGAAGATTTCC
TCCATCCACCCGCAACCCCAAGGCTTAAGCACTCCCTTAGGAACCAAAGC
TGACTCTTTGGGAAAGTTTTCACAGCGCTTATTAGGTTTACAACCCTGCA
AGGATGTTTTTGTTTGTTCTTGAGCCTTAAAAATATTTGTGAAACCTGTG
TTTGTTGAAACTGTGTTGTCGTTGTGCACCAACACATGGTGCAAAAGGGA
GTTTGCTTTGCC

>Sequence 184

CCCTTAGTGTGGTCGCGGCCGAGGTACATTATACAATAAGGCAAGAAACT
AAAAACCCATACAAATATTGGCAAAGAAGCAGCAAATTACTTTGTTTATA
GATTACAGTATTACACATTTAGAAAATATAAGAGACTTCGGCAGAAAACA
ATGTAGTTTACCTCAGGAAAACACTAATATTTTACCAGATGGCATAGAAC
AGAAACTGAAAAAAGTGAGAGAAAGACCATATTTCTTGATAAAAATATTT
AGTATCACAAAAATATTAATGCTTCCACAATTGTCTAAAAAACTCCTCCA
ATACAAATCACAATTGCAATACTTAGTTGGGGGAATTGGGGAACTGAAAA
ATTAGTTTTTGTTC

>Sequence 185

GGTACTTTAAGAAAATTTTAATGTCATAAATAGGCAACAAATATTAAAGC
AGAGAAATAAGATTAAAATTAGTGAAAGGTTAGGTAAAGAGAACCTAACA
GCAGCAGCAGAAACAGAAAACACTACAGATACGCTACATCCAGATGTGGC
AAGAAATTGAACATATGAAACAAAGACTGTCTCTGACACTAAAAGCACAA
TGGTGTCATAAACAGGAGGGGAAAAAGACTAGAGATTGTGGTGAGTTCAA
GAGATTTGATATAAATTGTTACATATGTTACCCAATTATCTTTATGAAAT
ATTGTTTTACATGAATATTCTGTATTTTTCTCCAAGATGTTATAAATCAC
TAAATAAGCAATTCGAGATATAATTACAAGTAGAATACAATATGAAATAA
TACTCCTACTCTGCATTTAGACAAGCAATATAGATTAAAGGAATCTTTGT
TTTGGAAATAAATGCCAGCAAATGAAAACCTTCACATTGAAGATAATCAG
CCAAAAAGTATCCGTCAGAACCCTACTACATATGAAGAAATATAGTGTAG
TCACAGTATTTATCGCATACTTTGATGGCCTTAGAGTTATTTAATCCTGG
TTTCAAGTAAAAGAAGGATAATCGCATCTATCTCATGTAGCTGCTCACAA
GATTGAATGAAGTAATACATGCAATGTTATGGGATAGTAACTTGCATGGA
ATAGCACCCCAAATTTGACTTATTCTGTGCAAAGCACCTGGAAAAAAAAG
ACCTGCAAATAAGTAA

>Sequence 186

TCGCCCTTAGCGTGATCGCGGCCGAGGTACTTTNTTTTTTTTTTTTTTTT
TGGNGGTACTCTAAATAATGACCTTCCTTGAGCTGCAAAAAAAAATTTTT
CCTTCTGAAATTTTTTTACCATTTTTTATTAAAAATTTTTAAAAGTTTTT
AAAATTACCAAGGCTTAAACCTTTTT

>Sequence 187

ACAAGGACACTAAGACAGTGTAGCCTGCTGACTTGAGAATGTTCTGTAAG
GACTGGAAACACTAGAATCTTGAAGAAACGCCTGGCTAGAGGTGAGGGTA
AGCTGTTAATTACACTGATTACAGTTTGTGCCTCTCAGACTGAGAACTCT
TTTCTTCTTGCTGGGGGCATTGCTATCTCTAGGATGTTTGCCCTGAAGTC
CTGATAGTCTCTTTGGGGTTTTAATAAATGGCTGAAAAAATTGTTGTGGG
GTTTCAACAGGCGTTCATAGGCACCCTTGCTTGGCAATATAACATGGCTT
TT

>Sequence 188

Table 4



ACCTATCTCACTTAGATTTGTGGACTAGGAAAGCAAGATTCAGAGATCAT
GTGACTTGCATGTGGCCTAGAGATAAAATTCAAATCTGGTTCCGTAGACT
CCAGGGACATATTCACCATGCCATGGGTGGTGGCTATTAAACCTTGATAA
ATTTGTGTTTATGGTTAACAAATGTGAAAGCTATTAAACATTGCTGGTTT
GAATTTTTTACAGTGCAGAAATGTAAAATGAAAAAGGATATTTTTCTTTG
ACAGGGTTACCGAGAAGTCATGATAATTTTCGTTTGTTCTTACAGATTTA
GGCCTTTTCTTATTTAATCAATAATGTCTTAACAGCTTACGCCTGTGGTT
GCTGAGACCTGCTCTATTTAAAG
>Sequence 189
GAATTGGTTATTACGAACTTNCNACTTNTTNNNAGGGGNNCCGGGNNAAT
TTGGGGGCCCTTCNAGNNATGCATNGNCTNCGNAGNNCGGGCNNCGCNCN
AGNTNGGGTTGGTATGGGGATTATTCTTGGCCAAGNNAAAATATTTTTTT
CCCGGGNCCCCCCTTTTTTTTNNCCCCNNNAAAGCCCGGGGCNCCGCCCC
CCGGGNCCCAAGGGTNACCCTTTGGGGGNTATCTTTACTCAAGGTGCCAC
AAACTCCNNGTTCTCTTCTCNCTCTTNCTNNNAATAATAATTTTCNCNNT
TTTATTTTTAAAACAAACCCCCTTCAATTTTTAATATTGGGAATTTGGGG
GGAAGACCCTTTAACCCGCCAGAGGGTGTTTTTTTCCAAACAACCCTCAG
TATTTTTCTTCCCAAAAAGAAAATGGGGCCCCTTTTTTATATAAAGGGCG
GGGGGGCGGGGTGTTTTTTTTAGAAAAACCCCCCCCCCAAAAAATCTTTG
TTGTTGGGGGTTTCTTTTCGCCCAA
>Sequence 190
ACATGAAAAGATCCTCAACATCATTAGTCACCAAAAAAATGCAGATCAAA
TACCACAATGACATATCACTTCACACCCACTAGAATAGCTATAATAAAAA
AATAAGTAACAAGTATGGAAGAGGATGTGGAAAAACTGGAACCCTCATGC
ACTACTGGTAAGGAATGGTAAAAATTCTGCAAGCCATTTTTCAAAAAAAC
AAGTTTGGATAGTTTCCCTCAAAAAGGTTTAAAACCATAGAAGTTTACCA
ATACCGGGCCCCTGCTTATTTCCAACTTTCTAGGATATTATAACCCCAAG
AAGGAACCTGTTTAACCATTAAAAAAAAGGAAAAAACCCCTTGGCACCAT
GAAAATGGTTTCCAATAAGGCAAGTGGTTTAATTTCCAATAGACCAGGGC
CCAAAAAAAGTTGGGAAAACCCAAACCCCAAAATGGTTCCATTTAAAC
>Sequence 191
ACGCGGGGAGAAAAAGGGTGGGGAGTGCCCTTTCTTGAAGGAATCCCTTA
AGTGCACGTCTCCCGTTTTCTTTTCACATCAATGCAGAGTCCCTCTGTGA
ATTTACAACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATTGA
GCAAGTATTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAGGC
TAACTCTAGAAATTTTATTCTCAAACTTAGTTTGGCCTCTTTTTCTTCTG
TCAGAAGGACCATTTCTTAGTTGGCACTGGGGGAAATTCTTTGGCACCCC
AAGAAGGAATTTAAACTTGCGCCTCACTTGCAAAAAAATACAAATG
>Sequence 192
ACATACGCTCTCAGTTGGGATAGCAGTTCATTTCCATTAGGCAGACGTAT
AAACTAAGGAATGTTAGTCTGCAGTATTCATTTTAAAAATATTGACATGC
CTTTCCCCTCCCCTCCATGAAGTCAGTGCCAGAGTGAGCCAGATTGGGAG
GTTGGGGTTTTGTTTGGTTGGCTTGGTTTTCATTAAGGGAAAAAACTTGC
ATTGGACAATCAAATTCCCCTGAGTTTCATAATCTCATCAATATTTTAAG
ATAGGCGAGCAC
>Sequence 193
ACCTCTCTTTCTTGTTGGAAATGTTGAAGTATTGAAATACTTCTTTTCTG
TAGAAGGTGGTTCTCCCTTCTACCCAGGAATAATTTTGTGGCAAGTCATT
GAGTCAGCAGTTATTTTGACCCTAACTGAAAGAGATAAAGTTCCTAAGAA
TTTATTATATATGTTTCTTGCCACTGAGTGAGCAAGAAAAATACATACCC
ATCAGTGCTGACTGGTTGGTAATTTCTGAAACACAATGCCACAGCTCTTC
ATGAATAACACAGTAACAGAATTACAGAGAATTTGGAAGAGATCAATCTC
TAGATGGATGAGTTAGTCTATAAACAAATAGCTACTCA
>Sequence 194
ACACTCTAGCATTGTAACTTTTTCCCCCTGAGAAGTAATTTTAAGATCTA
TCAGTCTCAATTTAAATGATCTGTTAATCAGCCAGAGTTTTAGTTTCATA

Table 4



ATATCGTTCCATTGCCTGACAGAGATATACACACTGAAGTGCCTTTAGCA
GACCTGGGACCGTCAAGAATCTTGTTACCCTGATTATTGCAAGATGACAT
ATTTCTTAAGCCATTTATAATCTCATATTCGGGTTGAATCTGAATTTACA
AATAAAAGGGTTAAATTGAGGCAGTTTCAAGCAGCATTTAGGAAAATGAA
GTGGCTTCAAATTTTAGTGTTTCTGGTTACATTATTTG
>Sequence 195
ACCCGGGGCCCTTAGGCAGAAAAAGGGTGGGGAGTGCCCTTTCTTGAAGG
AATCCCTTAAGTGCACGTCTCCCGTTTTCTTTTCACATCAATGCAGAGTC
CCTCTGTGAATTTACAACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAG
GAAAATTGGGCAAGTATTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCA
TATCCAGGCTAACTCTAGAAATTTTATTCTCAAACTTAGTTGGCCTCTTT
TTCTTCTGTCAGAGGACCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACC
CAGAAGAATTCAACTGCGCTCACTGCAAAAATACATTGGCA
>Sequence 196
GGTACTCTACGGTGTCAATAATTATTTCAGTCTCTGCTGCAATTAGTGCT
AATTACAATACCTGAGCTATAAAAATAAAAGATTTCATTATAGCAAAGTT
CACAAATATCGTTTTAGTTCAGTTATCCACATTGTTCATCTAAAATAATA
CATTTTCTTTACATATAACTGTCTTAGACTTGTAATTGAGGATATTTGAT
GAAACAGATCTGTATCTGAAACAGCACTATGATGCTAAACATTTGCATAA
GGAATGAAAAAAGTTAGCAACCTAGTTTTTTCAAT
>Sequence 197
GGTACCAGGACTCTCACACATAAGAATGTTCAGGGAATATTATTTGTAAA
AACTCCAAATAAATATAACCCTAATATCCAATTAGTAGAATTAATAGCAG
TATATTCAAAGAATGGACTGTCATATAGCCATCAAATGGACAAAATATAG
TAAAATGCAACAATGTGCACAAAAATACACAGATATATATGCATAAAGTT
TGACAGCATACAAAACTAATTTACATTATTTAGTGATGCATGCATAAGTG
GCAGTTATTTTTAAAAGCAAGGAAGTAATTACAAAAC
>Sequence 198
ACCCTCATTGTAGCCATGGGAAAATTGATGTTCAGTGGGGATCAGTGAAT
TAAATGGGGTCATACAAGTATAAAAATTAAAAAAAAAAGACTTCATGCCCA
ATCTCATATGATGTGGAAGAACTGTTAGAGAGACCAACAGGGTAGTGGGT
TAGAGATTTCCAGAGTCTTACATTTTCTAGAGGAGGTATTTAATTTCTTC
TCACTCATCCAGTGTTGTATTTAGGAATTTCCTGGCAACAGAACTCATGG
CTTTAATCCCACTAGCTATTGCTTATTGTCCTGGTCCAATTGCCAATTAC
CTGTGTCTTGGAAGAAGTGATTTCTAGGTTCACCATTATGGAAGATTCTT
ATTCAGAAAGTCTGCATAGG
>Sequence 199
GGTACTTTTTTTTTTTCTTTTTTCTTTTTTTTTTTTTTTTGAGATGAGTC
TCGCTCTGTTGCCCAAATTGGAGTGCAGTGCACAATCTCGGCTCACTGCA
ACATCCGCCTCCCGAGTTCAAGCAATTCTCCTGCCTCAGCCTCCTAAGTA
GCTAGGATTACAGGTGCCCGCCACTATGCCTAGCTAGTATTTCTAGTTTT
AGTAGAGATGGGGGTTTCACCATGTTGTGCCAGGCCTGTAATCTCGAACT
CCTTAACCTTCAAAGTGATTCCCACCCACCTTCAGCCCTCCCAAAAGTGC
CTGGGTATTTAAAAAGTTATTGAGGCCACTTGTGTTCCCAGCCAGCCAGT
TTTTTTTTTTTT
>Sequence 200
CGAACTTCACCTATTAAGGGNCNGAAATTTGGNGCCCNNTTTAGNATGCT
TTCNTCCTANNCGGGCCGCACTGGTGATGNATATTCTTTCAGAATTCTCC
CCTTTTACCNTGGGGCNCGGGCGGAGGGTCTACAAACCAAATNCAACACA
AACTTTTCATTATCAACTGAAACAAATTTGTGTTAAAGTTCTTACCACAT
ATATCTGGCTGATGTTTAGGCTGTTCATCTCTAATTTTATTTTCACTGAG
AAGCTTTTGATACTTTTCTTCTTCGG
>Sequence 201
NGATATGTAATACGAACTNCACTNTNNAGGGNCCGNAATTGGGGGNCCNC
CCCTTNNCTTTAGAATGCAATGGCTCGAGGCGGGCNNCGCCCAGTGGTGG
AATGGGNATAATNCTTGGCNAGAAATTTTCGGCCCCTTTTAGCCGGTGGG

Table 4



TTCGGCGGGCCGGAGGGTAACATTAGAACATGAGGGAAAGGGGGGGGGGG
CCTTTCCCCAAAAGAAGAGGGGNCCCCCCCCCCCCCCAAAAAAGAGAGGGG
GGGGGGGAAGGGNTCNAAGAAGAGAGGGGGGAAACGCAAGAATGGCCTAA
AAAAAAACAGGGGGGGGGGTTTTTTTTATAACCCAGAGTTTTGGGGGGGG
GGAGAAAAAGTTTTTTAAAAATTTGGGCAAAAAAGAACAAAAGGGGGGGG
GTATATTTCGGGGAATTAATAGGAGGGGGAANA
>Sequence 202
GGTACTCCAGCCTGGGCAACAAGGGTGAAACTCTGTCTCAAAAAAAAAAA
AAACAGTGTAAATAAAGGCACCTATCCTTACGGGGCTTGTGGGAGGGTTG
AGGGAAGGACTACAGTCTCCTTTTATCTTGTGTTTATCTTTAGTTTTAGC
AAACATTCTATAAGGTATGATTTGTATCATATTCAGCCGCATGAAAAACA
CAAATTTGCATTTCGATTTTGTTCACAAAATTTGGGACACAAGTCGTTTA
TCACTTTTAACATCCTGAAGTTGAACTGGTGCAGCAGTAGTATCCGTTAT
GCTTGTCAGCCCTTATAATCCTTCCTAAGCAATAAAATACCCATGGTGGT
CCAAATCCCAAGACACGTTTGAATGAACAGGCTTC
>Sequence 203
GGTACACACAGTCCTTTATTTATAAATTCCTTAACAGAGAAAAACACCTT
TGTAAGGCTCAACTTACCTATTCCAGCAAGCACACTTTTTCTGTCATTTT
TTCTTTCTTTTCAAATTTGATATTGTCATTATTTTAAAATAGTAAGTTTT
CTTTAATAGTCTTTTGGGACCTAACATACCCTTTCTCATACAATTCCTAA
TGCTCTGTTTATGGCAGATAATCTGTAATGTTATGAAGACCTATCAAAAA
GTTTTAAAAGTATTTCTGTCTTCAAAGGTAGTAAGACAGGATTAAATTTT
TATTAGAATAGACAAATCAGTGAATGGTATGCATGTATCTAGTGGTTACT
AGAACTCAGGATCACACAATATAATAGCATCACGATCTGTGTATATTTTT
GATCAAGATGATAATAATGGCCTTACTTGGGTTTTTATCCGTTATCAAAT
CTTACATACAAAAGAGTGGAAAGAATTCCTTTACAAAATTTTTAAGGAAA
ATATGTTTTTCCAATCTATCACATTCATGGAATGGATATATGGTTCTGAA
AAGTTTTTTGAAACAATGCAAAACGGTATAAAACTAAAATTGAGCTGGTA
TTTAATATTCCCGTTGAGAAATAAAAAAAGATGTGTATAAAGAAAAGGGA
GGATGCGTTTATTACCCGGCCCGGGCGGACGTTTCAAAAGGGCGAATACA
AAAAAAATGG
>Sequence 204
ACTTACTTTGTTATAGTTGGTGCTATTACTGAATCAATCAAGTAGATGAA
AAATTAGAAGCATACGGTGTTCAGGGAGGGATAATTCTTTTTTTTTGAGT
AGGAATTTTGCTCTTGTTGCCCAGGCTGGAGTGCAATGGCGCTATCTCAG
CTTACTGCAACCTCTGCCTCCTGGGTTCAAGCGATTCACCTGCCTCAGCC
TCCCGAGTAGCTGGGATTACAGGCATGTGCCACTACGCCTGGCTAATTTT
GTATTTTTAGTAAAGACAAGGTTTCTCCATGTTGGTCAGGCCGGTCTTGA
ACTCCCAACCTCAGGTGATTCACCTGCCTCGGCCTCCCAAAATGCTGGGA
TTACAGGCGTGAGCCACTGCGCCTGGCCTGAATTTTTATTCTATAATTCT
GTTATAGAATAAAAAAGGGGGGAGGTATAGTGTGTTGCAAAGTTTTATGA
CAATTTTTGTAGCTAGAAGTATTCGAAATTAAAGGAAAAAGAAAAACACA
GAAGTAAATACCTACCAACATATGTCCAGTAATACTATNTCCATCTATGG
GTATCCAGACATAAAAGTCTATATTGAAAGATAAGAAGTAGTGGGTCCAA
ATACATCACTTGAGTTGGGTCAATTTATTCTGGATTTAATNTTTTCTATT
TAAATAAACAAAGGCAACTGCATAACCATNTTGTCTTAATAAGAAGATAC
TGGGATGACTGATGACACTGGTACTTAAACCTAATTTTTCAGAGTCCTGA
CTACTTTAAGTACTTAGTAGCTT
>Sequence 205
CCCTTTCGAGCGGCCGCCCGGGCGGGTACATGGGACTACAGGCACGCCCC
ACCATGCCCAGCTCATTTTTGTATTTTTAGTAGAGACAGGGTTTCACCAT
GTTGGCCAGGATGATCTTGATCTCTTGACCTCATGATCCGCCCCTCTTGG
CCTCCCAAAGTGCTGGGATCACAGGCGTGAGCCACCACACCTGGCCCTGT
ATTTATTCTCTTTAAAGAGAGAGAAAACTATGAGAGGCCAAAATTATTTA
ATTAAANTCTTTACGCTTAGCACAAGGGGAAAACAATGGGAATTTTGCCC
TAATCATGGGGTTGATGAAGGCATTACACCAATGTAACAGGAAAACAAGT

Table 4



CACATTTTTTAAGTAAAAAGGGCCAAAAAAG
>Sequence 206
ACTTTNTTTTTTTTATTTTTTTTTTTTTTATTTTCTTTTTTTTTATTTTT
ATATTTATTTTTTTTTTATTTTTTATATTAAAATNTTTTTTTTTTTTATTT
TAATAAAAAAAAAAAAAGGGGGGGGGTATTTACCCTTTAAAAAAAAAAGGG
GGGGGTTAAAGGGGAAGAAAAAGGTGGGGGGGCTTAAAGGCAAAAGAAAA
AAAAGGGGGGGAAAAGGGGGGGGTTTTTTTTTCGGGGGGAAAGGGAGGGG
GGGTTTACATGGGGGAAAAGGGGGGAAAAAAAGGGGGAAATTCACGGGAA
AAAACCCCTAAAAAGGGGTTAAAAAAAAAAATTTATTTTTTATATAGGGG
GGGCTTTCTGGGCTTTTATAAAAAAACGGCCGGGGGGGGTCAAAAAACAG
GTGGAAGAGGGGAAAATTTAAAAGGGGGAGAGACAAAAAGAGGGCGCATT
TGGGGGGATATAGGGAAAAATGGTGGGAAGGGGGAAAAAGAAAAAGGGAC
GGGGGGGAGAAACCGGGGGATAAAAGGGGGAAAAAAGTGCAAAAAACAAA
AAGGGGGTTTTGGGGGGGGACACAGGTGGGGGGGGAAAATAAACAAAGGG
GGGGGGGAAAGGGGGGAGCGAGACGGGGACAAAAGAGGGGGAAAAGAGGG
AAAAAGGTGTTCGGGGGGGAAAGAGTTACCGGTAAAAAATTCAAAAAAAA
AAGGCGGGGAGAAAAAGGAGGAAAGGGGGGGGGCTAAGGGGGGGTAAAAA
AAATAAGG
>Sequence 207
GGTACTATGATCTGTTGCTAAGAAATCTTATAAATAAAAGTTATTTAATG
TTTGATCATTATCTCTGGTGTGACTAAAACAAGTATGATAAATCAGGAAC
AAGAATCCCCAAAGGTCAAGCTAAATAAACATTAAAATATTCTATAGTTA
TTTGCAAATGATGGCATTATATTATATTTGATTTTTGATATGGAAGTATC
CTCTGACCAGGTGTGGCAGTTCACGCCGCCTGTAATCCCAGCACTTTGGG
AGGCCGAAGCGGGAGGATTGCTCAAGCCCAGGGGGTCAAGGCTGC
>Sequence 208
GGTACAAGATTTCTTAGGGCGAATCCAATTCCATCAATACCTGGGGAAAC
ACAAAAACCTGGTGCAGCTGGAAGGCTGCTGCACTGAAAAGCTGCCACTC
TATATGGTGTTGGAGGATGTGGCCCAGGGGGACCTGCTCGGCTTTCTCTG
GACCTGTCGGCGGGATGTGATGACTATGGATGGTCTTCTCTATAATCTCA
CAGAAAAACAAGTATATCACATCGGAAAGCAGGTCCTTTTGGCGCTGGAA
TTCCTGCAGGAGAAGCATTTGTTCCATGGGGATGTGGCA
>Sequence 209
ACAGAGGCCCTGAGGCAGATTTGAGAAAGGGCAAAGAAGTCACTGTAGCT
GTGGTTGAGGTGGAAAGAAGGAGAGTGGTAGAAAATGGAGTTAGAGAGGT
AATGGGGGTGGGAAGAATGTGAGGGGCCTCACAGGCCTTATGGACTTTGG
ATATTTCTCTGAGAGAAATGGGGAACCTCTGAAGTGTTTTGATCGCAGGA
GATGTATTAGTCATCTGTTACAGGGTAATAAATACAGCCAACCAAAATGT
AGTGGGTTAAAAGAACACTAAGTACC
>Sequence 210
ACAACCAGAACCAACAATTGTATTTCTCTATAGTTATTTTAAAATAGTAA
TCAATGCTATGTATTTGATGTATATGTTTCTAAATTAGAAATTTCTTTTG
GCTTTGTGTTTTTTTTATGTGCGTTAAATATGTAAACTGAACCTGTTCCT
AAAATGCATTAAACTTGAATGCTGTGTCTATCCAATGCCAGAATGCTCAG
AAGAAAAGTGAATAATTCAGTCATTCATCTGGATGTAGTTTTCTGTGTAA
TCTCAAATATCTGAATATTGAAAAAACTAGGTTGCTAACTTTTTTCATTC
CTTATGCAAATGTTTAGCATCATAGTGCTGTTTCAGATACTGGATCTGTT
TCATTCAAAATATCAT
>Sequence 211
CCCTTAGTTAGGTCGCGGCCGAGGTACAACATTGGGGAGCATTTTCAAGC
TACAGCTTCGTGGCCAACAAAGATTATCTATCTGTATATCTCTCTTTTGG
CTGCCAGACCCAAATACTATTTTGCATGGACGCTAGCTGATGCCATTAAT
AATGCTGCAGGCTTTGGTTTCAGAGGGTATGACGAAAATGGAGCAGCTCG
CTGGGACTTAATTTCCAATTTGAGAATTCAACAAATAGAGATGTCAACAA
GTTTCAAGATGTTTCTTGATAATTGGAATATTCAGACAGCTCTTTGGCTC
AAAAGGGTGTGTTATGAACGAACCTCCTTTAGTCCAACTTTCCAGACGTT

Table 4



CATTCTCTCTGCCATTTGGCACGGGGTG
>Sequence 212
GGTACAAATAATAGTTGAATTATGTTAACGGGTTAGAAGTAGATGGATTT
CTTGCCTGTAATTTCCAAGGAGTTACTTTTTTATAATGTAGGCATTCCAT
TTAGTTTTGTTAAATAAAAAATAATGAGACTAACAAAGTTAATGAGAATA
TTTAGAAGGGAAAAAAAAGGTACTATGTATTAAGACACCCATGAATACTG
TTTTATATTTACATTCTAAGCCTTCGATAGGCCTGAAGTTAAATTAAGAT
TCCCCAAATCTGCCTATCAGCAATTCATTTTCTGTGTATGTTGACTCCTC
ACCTAAATTTCACCTGCTCACTAACTGCTATCAAGCCTTTTCTTTCATAG
AAGTGGCTGATATCACATATTTTACCTTACAATTAAACAT
>Sequence 213
ACTTTGTGTTTGAAAGTGATGCATAAATGGCCTCTTTTCCTATTTTAGCG
ATCAAGTGCTAGACAGAGATCAAAGAAGCCATCCAATTGTCTGTGCCCCA
GTGTGAAGTAGATGATGCAGTGATTCAAGGAGGTGATGGGTGGAGCTTTT
GAGGAGCCCCTACTGTGTCCACCAGGATTGAAGCCAAGAGAGAAAGTGAA
CTGGGCCCAGGCTGCAGTAGAAGCTTTTTATCCATCTTCTATTCCATCCT
GAGGTCCACAGCTAGCGAGCAGGGAGCTGGTGGTGCTCTTTCCCATGCTC
CAGTGGCTTCAATGAAGATGCTCTTTCCTGTATTTCAGTGGCTTCC
>Sequence 214
GGTACGCGGGGAAAAAAGAAGGGCACATGAGCAAACATGATGGCCCCTTT
ATGAGAGGTAATTTACTGAAATGCACAGCGATTACCTGCTCACCCAGCCC
TGATGTAATTAAAAATGGCAGGCTAGGGGCTCTGTTTCCCCCGGCTCTGG
CAGAGAAACCTGGGTTTCGACTTGTGAAGCTTGAGGTTGGATGTGGGAAT
TGGCTTGGAGTCATAGGCGATGAGAGGGACATTAGGATATTATGAAGCCC
GTGAACTCAACTCCTGAGAAGGACACAGCAGAGCGAGAGAAAAGATGGAA
TAAAAAGGCCTACCTCATTGGGCTCGTGTGGGTGAGGAGAACTGAAGAGT
CTGAGA
>Sequence 215
GGTACCCGAGAGACCCGGCGGTGGGGAAGTCACTTCCTCCCGAAGACGCT
GTTTCCTAGCAACCGCCCTCCGCCTCTGTTATTAGCCCCTCCTCCTCGCT
CGGTCCAGGACCGGCTCTGCGGGCGCCGCCAGGCCCAGACCAAGCTACTA
TCAGAAGTTGAATTCTAATAATTAGCTATTTTATAAAGGTAACGAGAAAA
AATACACTATGTCTGATGAAGTTTTTAGCACCACTTTGGCATATACAAAG
AGTCCAAAAGTTACCAAAAGAACTACTTTCCAAGATGAGCTAATAAGAGC
AATTACAGCTCGCTCAGCCAGACAAAGGAGTTCTGAATACTCAGATGACT
TTGACAGTGATGAGATTGTTTCTTTAGGTG
>Sequence 216
CCCTTTCGAGCGGCCGCCCCGGCCAGGACAGTAATGGATGGCCCCAACTT
GGGGGGGTGTCCTGGTGCACCCCCAGTGGGTGCTCACAGCTGCCCATTGC
CTAAAGAAGAATACCCAGGTCTGGCTGGTTCGGCACAACCTGTTTGAGCC
TGAAGACACAATGCCAGAGGGTTCCCTGTCAGCCCACAATTTTTCCACAC
CCCGCTCTACAAATATGAAGCCTTCTGAAACAATCAAAAGCCTTAGTACC
AGAATGAAAGAACTCCAAGCCCATGAACCTTCATGCCTGGCTCCCGCCTG
GTAAGAAACCCTTGCCAAGGAATCACAAGAATGTTTGTTGAAAGGATCCT
GGGGCCCTTGCCCCACCCCAAGGAACCCCGCCACTTGGGGGACCAACCTT
GCTAACGCCCTAAAGCCTGGGGGCAAGCATTCGTAACCCAG
>Sequence 217
GGTACATGTGGCCCTGGACAACCTGCAAGCAGCTCAGGTGGCCCTGGGCG
ACCCATCAGTGGTTCAGTTAGTTCTGCAAGACCCTTGGGCAGCTCTCGTG
GCCCTGGCCGGCCTGTGAGCAGTCCACATGAACTTCGACGACCAGTGAGT
GGCTTGGGCCCCCCGGGGCGGTCTGTCAGTGGCCCTGGGAGATCCATAAG
TGGCTCAATTCCAGCCGGACGGGCTTTCATTAATTCAGTCCCAGGAAGAC
CAGTGAGCAACTTGGGACCTGGGCAAACAGTTAGTAGCTCAGGGCCCCAC
TATTAAGTTCTACGGCCCCTGTTGAATTTCAAACAATTTCTTTCCAGAAA
TTATATTTACCCGAATCCAACTATG
>Sequence 218

Table 4



GGTACGCGGGGGAAAAAGGGTGGGGAGTGCCCTTTCTTGAAGGAATCCCT
TAAGTGCACGTCTCCCGTTTTCTTTTCACATCAATGCAGAGTCCCTCTGT
GAATTTACAACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAAATT
GAGCAAGTATTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATCCAG
GCTAACTCTAGAAATTTTATTCTCAAACTTAGTTAGCCTCCTTTTCTTCT
GTCAGAGGACCATTN
>Sequence 219
GGTACTTTTAAAATATTAAGTTTACAAAGAATCATTCTAATGAGTCATGT
ATTAGCACAAATATACAGGTTGAGTGAGTATCCCCTACTCAAAATGCTTA
CGACCAGAAATGTTTTGGATTGCTGGGGTTTGGGGGGATATTTTAGAACA
TGTGCATTATATTTACTTGGTGAAGATCGCTAACCTAACAATGGAAAAAT
GCTCTGGGAGTTATTTTCTTTGAGCATTAATGTCTGAGCCTCAAAAAATT
TCAGATTTTGAAAGCTTTTCACAATTTGAAATTTTTTAATAAGGGTTCCT
AACCCTCCCCCATTCCTTGAAAATTTTTATAATTTCCAAACTATCTTTGA
CTTCCAGGATTTAAAAAGGG
>Sequence 220
GGTACTTATATATGTAAATGCTATCTCTGAGTTGTTATAAGATAAATTTT
AATTTTAAAAAACTTGATTATTCTATTTCATTATTAGAACAATTCTTGAT
TTGTTAAGTTATCCAGATGTGTTACTTACTCTTGATATAAGAATATTTAA
AAGGCTCATTTAAAACAATTTTTTAAATAACCTGAGTTTTCTCTACAGTT
TTCATCAAGCACATGAGTGCAGAGTTTGCAGACTGAGCAAGTTTGTAGGA
ATGAAGATTGTAGTTTCTCACCTGTTAATTTCATTCTGTAGTATGCACCA
CAAGCAGGAACAAGTTAAAGCAGAATTCCTATGAATTCAAAATTAGGATA
CATT
>Sequence 221
CCCTTTTTAGCGGCCGCCCGGGCCAGGACCATGCCTTGCAAAATTGCTGG
AGCCCAAAAGGATGACTGGATTACGCCCTAAGGGGTGGGAGGGGACCACT
CCTGGGGCCTTTCGTGAATTGTAAGAGCAAAGACCTGAGAAGCTTCCCTG
CCTTTCAATGGGGCTGTTGAATTCTTCCCCTTTCTAAATGAAAAATCCCA
TAGAAATTTTGCTTACCATTTGGAAGAAATTTTCAAATTTAGGGAAACTT
CACAATGGTTTGAAATCCTGCCCCCTATTCAAAATTTTTTTTAAAACTTT
GGCTGAAAAAATTAAAAGTTTTTTTTCAAAAAATCCTGGTTCCTTTGGAA
AAAATTAAACTTTTTTTCTTAACCAGAGGTGCCTTTGGGGAATTAACTTA
ATTATTCAAACCTTATGGAATTACCTTTTGCTTTACAAAAACTTTTTTCT
TTAACCTCCTTTTTTAATTCAACCCAAAAAGGTGGGCCTTTTTTAATTTC
GATCTTCTAATTA
>Sequence 222
GGTACGCGGGGAGACAGAGATGGAGACGGAAAGACAAGGACAAGAAGATG
GAATCTGAGCTAATGGCGGAGACATGGAACCAGTAGAGAAGAGACCCACT
GTCTTCAGAGAGTGCTGACCAGGAAGAGGAGAAGCCTTGGGGACTGGATC
AGGTGTCTGTCCCTAGGTCCCCATTCCTGACTCTTCTCCTGCCACCCTGA
TCTGGGTGTAGCATCATATTACATGCTGTGATTGCCATTCCAGCCCCATA
CTGTGGGAGGCTGGGGAGTGTGAGAAGCTTTCCCAACCCTGGCAGGTACA
TACACAATCACTCAACTGGAAACATCAAAACCATG
>Sequence 223
CCCTTTCGAGCGCCGCCCGGGCAGGTACTCCTCATGATCGTCTACACAAC
ATTCTGTGACACGTTCTCTAACCCAAATATTGACCTGGATAAATTCAGCC
TTGTTCTCATACTGTTCATAATATTTTCTATCCAGCTGAGTTTTATGCTT
TTAACTTTCATCTTTTCAACAAGGAATAATTCGGGTTTCACACCAGCAGA
CACAGTGGCTATCATTTTCTGTTCTACACACAAATCCCTTACATTGGGAA
TTCCGATGCTGAAGATCGTGTTTGCAGGCCATGAGCATCTCTCTTTAATA
TCTGTACGCGGGCTGATTAATATATTTAATATATTGAATGAAAAATAGAC
ATGTAGTTGGAAAAAA
>Sequence 224
ACCTTTCCAACTCAACAGACATCATCGAGAGCTGGATGACGGTGCAAAAC
CTGTGGATTTATTTAGAAGCTGTCTTTGTGGGAGGAGACATTGCCAAGCA

Table 4



GCTTGCCCAAGGGAAGCCAAGCGGTTTTTCTAACATAGATAAATCTTGGG
TGAAGATCATGACTCGGGCACATGAAGTGCCCAGTGTAGTCCAGTGCTGT
GTTGGAGATGAGACCCTGGGGCAGCTGTTACCACACTTGCTGGACCAGTT
GGAAATATGCCAGAAATCCCTTACTGGTTTAGTTCACTGGCTCTTTGATA
GCTCTCGGTATCCTTGAGACAAAAGGATACAGGGGAGACTAGATAGCATT
AG
>Sequence 225
ACTGAAGAGTAAATGGTGCAATTTGGATGTGCAAGTCAGTAAATTGATAA
TTGGCACTCTTGAATGCAAAATAGAAACTAGATTCTCAACTATACTGAAG
CTTCCATTATCCAGAATGTCACTGCATATACTTGGTGAATTATAAAGTCA
AACAAGAAATTCTTCTAACTTTGTCCTTTCTTGTCAAAAATCCTCTCATT
AATATGCTTTCAATGTGCAAAGTAAACAAACGTTGCATTGATTGCGTTTT
TCAAGGGTCTAAATATTCAGTATTAACTTAGTCCTGAATATTTTAGAGAT
TTAATTGGAATGTATATAAGAAATAACTGAAGGTTCTTTT
>Sequence 226
ACTCTTAGTTAAGTAACCTTTAAACTACAGTTATTTATCACAACCATGGT
GACATCACCAAGGGACATTCTAATGGAACTTTAAAAAATCCATCTCAAAA
TATTACAGGGATTGTGAAATTTGATGAACTAGTGAAATGAGATCCGAGGC
TAAAAACAACTTTGAATCAGGTAGCTCACATTCCTGATAACCTTCCTCTT
CTGTTATAAGCAAGCGTCTGGCCAGGTTTGGACATATCATGCCAAATAGA
ATCTT
>Sequence 227
ACACCAAGGTGGTGCATTACCGGAAGTGGATCAAGGACACCTTCGTGGCC
CACCCCTGAGCACCCCTATCAACTCCCTATTGGAGGTAAACTTGGGAAAC
CCTTGGAAAATGACCCAGGCCCAAGAACTTCAAGCCCTCCCCCAATTTTC
TACTTGACGCTTTTGTCCCTTAAGGTGGTGGAGGGTCCCAAGGGGTTGCC
TAGGGAAAACAGAAAAATCAAGCAGAACACAAGGTTGTTTAGACCCAGAA
GTTGGTTTTCTTTAAAATGGGGTGTGAAATTTGCGGTCCCTCTTCTGGTG
GTTCCCTGGGGGAAATTACTTGGGCCCATTGCCCTTGGGAGAACAATATT
CAACTTCAAATTTTTCTTCTGAGGGAACACAAGAATAGGGAATGGGGGTG
GTCCTGGGGTTAATTTTGTGGGGGGGTACCCTACGGGCCCGGCGAACCAC
CTCTTTAGGGGGCGGAATTTCCCAGCAACACCTG
>Sequence 228
ACCTTACAATGTTAGTAACTGTCTTTTATTAAGGAAGAAAAAGTTAAAAT
GGCATGTAACTTAAGAAGGTGGGAGAATAATAAAGGAAAAAATTAAGAAC
AAAACGAAAAGAATCATGAAATAGTAAAACAGTAAAATTAAGATATAAAT
CTCAGAGTTGGTTATTTGAAAAGATCAATGAAACAGAGTAATTCTGGAAA
AACCAATGAGAACAAAAAGGGAAAGCACACGCAACATGGGAATGAGGAAG
CAGAATACTACAACTCC
>Sequence 229
CCCTTTCGAGCGGGCGCCCGGGCAGGGACTTTCTTCATTAAGAACAACCC
TGGTATTTAAGGGGGCAGGCCCTTCACACTCTTTACCTGGGGGATTTTGG
AGGCCTTCTAAATCCAAAGTGCTCTCTGACTCATTATTACGTGTGCTGCC
ACAGACAACATGCTCTACACGTTTTCTGATCAACAGTCAACAGATGCTTG
GCCCTTCCTTCCAACTTTTCTCTTTTCTCGTTTTTCCTTTCCCGTTTTCT
GGGATGGTAATAACTTTAATCACCCCTTGTAAATCATTCAGAGTTTAACC
ATCTTGCTTTGGATTACCAGTTCTGAAGTTTTTCAAGGGGTGGGACCACT
TGAATGTTGTTTCAATTTTCCCCCATTTTCTTTCTTTTTGGGTGGGGCTT
TCCAAAAACTTTTCAAGCAGGTCCTCTTTTAAGGAGGTAAGG
>Sequence 230
GGTACCTGGGGTCTCAGGGTTGCTCTGGGCCTGATCATCCACTCAGATCT
GTAAGGAGGATTTGCAGGATCCATTTAAAAAGATCCTCCCTTACTTCCAC
AAGCATGGCCTTTGGCTCTTAAATACCTGTGCTGGGGTTTTGTAATTATA
GAAACAACAGGAGCCAAAACTCATTAATGTTGAGCTACAAACCAGACGGA
AGCTTATTTCTCAAAACAGGGCTCACGCCTAGAAAAATCTAGTTTTCTGA
AATCGCTAGCCAGCAACAGCACTGAGATGGCCATCCCAGAAACAAGGCCA

Table 4



ACACAGAAGCACCCATAAAGGCTGCTGGAGGTTGGGACAAAGAGATCCTT
GCTGACCTTACAGACCCCCTGACTTCCAAG
>Sequence 231
ACTTTTTAGTGATGTGGCAGAAATCCCTGTTGATTCTAAGTTTTAGAGTG
TCTTTTCCCCTATTTCTGACCTACAACTATAAACTACTCTCTATTAGGAG
AACTAGACCACTTTCTTCATTCTTTTCTAAACTGCTGCAGATTGCCGTGA
ACTCTATCAATAGTCTCTTTTCCGCAGGCAAAGTGGCATTTTCTAAACAT
GTTTGCTTACTGCCAGGCTGGTTTGAAATCTATGATTTACTGCAGTAGGT
ATGGTGCTTAAAACAACTGTCCGAGGGTCTTTTAAGCGGGAAAAGTTCAA
AGGGAAGTGGTCCTGATAATGGTACCTTGG
>Sequence 232
GGTACCTATCGTGGGAAGTTGACAGCTGATATCAACTGGGCAGTGAATGG
AATCTCAAAAGGAATCATTAAGCAGTTTCTTGGCTATGTTCCCATCGTGG
TGAAATCCAAGCTTTGCAACTTACGTAACCTTCCCCCACAAGCCCTCATT
GAGCACCATGAGGAGGCAGAGGAAATGGGGGGCTAGTTTATAATCAATGG
CATTGAAAAAGTCATCCGAATGTTGATTATGCCTCGGAGAAATTTTCCCA
TTGCAATGATAAGACCAAAATGGAAAACCAGAGGGCCTGGTTATACTCAG
TACGGAGTTTCAATGCACTGTGTGAGGGAAGAACATTCCGCTG
>Sequence 233
ACAGTGAAAAGAGCCAAGGCTGTGTGACCCCCTCATCACTTAGCCAGGCG
TATGGTCCTGGTTTCTGAGGCTGCCAGAAAGCATCTTAGCAATTTGTGTT
TGGATGGTCCATGCCTGACTATTCTAGGCTGGAGGTTCCTAAAGAGTAAC
AAGAGGAAGAGAAACAAGAATCTCTGACACTTGTTGAGAATAGAGCACAG
TCCCATTTGTTTGAAAAGAGACACCAGGCAGCCATGTTTATGTGCCAGAA
ATGCATTCCACCTCAAGGAGGACTTAATTTATGGACCCGTGTGTGCCAGG
CTGAGCTGGGCAAGATCTTTCTCAGGACAAAN
>Sequence 234
GGTACTTTTAAGTTATATAAAGATTTTTAGCTTCATAACACCTTTTGTGG
GACAATTTAATGTGGGACAGCTTTTGTGGGACAATTAATTTAATAAAATT
TAATTCCTTATCCAACTTTTAAATGTATGACATTTCAAATTTCAAATTTA
GTAAGGCCTACGACATGCCACACTTGCTTTTCCTTCAGGTTATTTACTTG
GCATTATTTCCCTTGCAACTTGGCTATACGAGCAAATCCATACTAAAGTT
GCTAATATGCTTTCTTAAAAGCTTAGTCAACTCTAAAACATGCATTGGCG
ACACACATAATTCCCTTGATGAGTTATAGACTACAAACACTGAGTGCACT
TCTGTGCACAACACTGTAGGTTAAAGGAAAAAAG
>Sequence 235
TCCCCGCTCTCTGCTTCAAGTAATTTTCAATTGATCTCAAGGGGGTTCCT
GGTCCATAGGATTCAACAAAGTTTGAACCTGCCGGGGGAGCCAAGGGGGC
TTTCACTTAGGGATCATGGGTTTCCCCGGTAAATCCAATGGTCTTGGCCC
AATGTAACCGGGTAATGGTGGTGTTTCAAGCCCTTCCCCAACGACTCACC
CCAAGTTTTTCGCTTGCCCGGGATTAAACTTTGAAACCCCACTTTTTGGC
CCCTTGCTTTTTCCCGGGCAATTCCTTGTGCCTTTCTTAAGGGATTCTTC
CCACCCGTTGTTCCCCCCACCAAGAAACAAGTATTACCCCAGTTCCTTTT
CAATCAAAGAAGAATGGGGGTTTTTCCAACCAAACCCAACTTGGGTGCGG
CCCCGGCCTCTGAATTCCCCATGGGGGGGGGGGTTTTCTTTTCCCTTCTT
TTGGTTCTTGGCCAACCAAGAAAGCCCTTGGGGGGGGGGG
>Sequence 236
ACAAATATTTTTGTTTATTAAAAAATTAGATTGTTTTGTTTTATTATTGA
ATAGTAAGAATTGTTTATATATTCTGGATACACTCTTTTTCAGATATGTG
TGTTGTGACTATTCTTAGTCTTTAGCTTGCCTTTTCATTTTCTTAATTAT
GTCTTTCAAAGAACAAGTTTTTCATTTTGACGAAGCCTAGTTTATCAATT
TTTTTTATGGTTGGTGCTTTTTGTGTGTTCCAAGAAATCTTTGCCTACTC
ATTTAATTACCTGTGTGCCCTTGTCAAAATCATTTAATTTTGACTACTCA
CTTAATTACCTTGCCTACTCATTTAATTACCTGTGTGCCCTTGTCAAAAT
TTACTGTTTATCTGTGAATCTG
>Sequence 237

Table 4



ACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAGAGTGGACATG
CAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAATTCCAACATG
CAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGGGCCAGCAAAGGAAACAGAAACAGAGC
TTCCAGCAGGTGGGGGGCATTTGGAAGAAAACGATGCCATAGAAGCCAAG
ATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTTGAATGCTAT
GAAGAAAGATAAGAATAGGTAAATAGTCCTTATATTTGATAACAGAGGTC
ACTAGTGATCTTGATGAGGGGTTTCAATAGAATGGTGGGATTATATACC
>Sequence 238
GGTACGCGGGGAGACAGAGATGGAGACGGAAAGACAAGGACAAGAAGATG
GAATCTGAGCTAATGGCGGAGACATGGAACCAGTAGAGAAGAGACCCACT
GTCTTCAGAGAGTGCTGACCAGGAAGAGGAGAAGCCTTGGGGACTGGATC
AGGTGTCTGTCCCTAGGTCCCCATTCCTGACTCTTCTCCTGCCACCCTGA
TCTGGGTGTAGCATCATATTAGATGCTGTGATTGCCATCCAGTCCCAGAC
TGTGGGAGGCTTGGGAGTGTGAGGAAGCTTTTCCCAACCCTGGCAGGTAC
ATACACAATCACTTAACTGGAACAATCAAAACCATCTATGAGT
>Sequence 239
GGTACAACCAGAACCAACAATTGTATTTCTCTATAGTTATTTTAAAATAG
TAATCAATGCTATGTATTTGATGTATATGTTTCTAAATTAGAAATTTCTT
TTGGGCTTTGGGTTTTTTTTATGTGCGTTAAATATGTAAACTGAACCTGT
TCCTAAAACGCATTAAACTTGAATGCTGTGTCTATCCAATGCCAAAATGC
TCAGAAGAAAAGTGAATAATTCAGTCATTCATCTGGATGTAGTTTTCTGT
GTAATCTCAAAATATCTGAATATTGAAAAAACTAGGTTGCTAACTTTTTT
CATTCCTTATGCAAATGTTTAGCATCATAGTGGCTGTTTCAAATACAAGA
TCTGTTTTCTTAAAAATG
>Sequence 240
ACCTGAAATAAACTTGAAACTAAAACGATCATTTGTGGAGGAAAATACAG
GATTTTCCAAAACAGTTTCAGAGCTACCTTTGCAGATGGGTAGGCTTTTC
ACCCACCCACAGAAAGAAGAGTCAACGGGGCTGAGACAGGACAGGGATGG
GTTTCAGGAGCACAATTAAAAGTTTTTCGTATCTTAAAGAAAATATCTAT
GTTCAGAGAGAAAATTGAGAAGATAAGTTACTGCCCAGTTCCTCTGGTCT
TTGACACTTAGACCACATAAGAATGTTCCATGGTAGAAGGGTTGGGACAG
AGAATCTTAGGAATCCTAAGAGAGAATCAATACTGCTCCCCTACCCCAGG
TTTTTCTTGTTTTCTTTACAATAGTATCCTTATT
>Sequence 241
CCCTTAGCGTGGGCGCGGCCGACGTACTAAACATATCCATTCACCCCTAG
TTTATGTGCCAACCTTATTTTATATTACATTCCCAAATTATATATAGCTC
TGTTTCTAAGCTCTATTCTGCTCTATTGGACTATTGTCTGGTCTTATGCT
AATCCTACCTTATTTTAATGTCTGTGACTTTAGTCATAGGACATACCTTG
AAGAATAGGAACTCCCTTACTGTTTAAACAGTTCATTTGGCTATATGTGG
AATTTTATTCTTTCTATATAAACTTTAAGGTTTGTTTATAGAGTTCCTTA
AAAATTTGATTGGAATTGTATGAATTAATAGGGAGAAAGTTGATATCTTT
ATGATATTTGTTCCATCCAAGAGCATGGAATGTCTGTATTTTAAATTATC
ATCTATATTGTTTATTAGG
>Sequence 242
ACGTTGTTCTTTAACCAGAAAGGTTCACTGCTGACTCCCCCACCTCTCAA
AAAACAAACAAACAAACAAACACCACCAAAGCTTTCCGCCATTCATGCAC
ATGCTTATTCTGACCCCAACCCCATCCCTACAAAGGGGCAGCAGACAGCA
CAATAGTCAAGGACAAGGTTTTTATTTATTTATTTATTTATTATTTATTT
ATTTATTTTTTAAGGAGACAGGCCTCGCTATGTTGCCCAGGCTGGCCTCC
AACTTTGGGCTCAAGTGATCCTTCTGCCTCAGCCCCCCGAGTCGCTGTGC
CTAGGAGCACGCACCACCACACCTGGCTTAAGTAGAAGGTTCTGAAATCT
GCCAGAGGCTGAGCAACAGAAAGCTT
>Sequence 243
GGTACAGTGAAAAGAGCCAAGGCTGTGTGACCCCCTCATCACTTAGCCAG
GCGTATGGTCCTGGTTTCTGAGGCTGCCAGAAAGCATCTTAGCAATTTGT
GTTTGGGTGGTCCATGCCTGACTATTCTAGGCTGGAGGTTCCTAAAGAGT

Table 4



AACAAGAGGAAGAGAAACAAGAATCTCTGACACTTGTTGAGAATAGAGCA
CAGTCCCATTTGTTTGAAAAGAGACACCAGGCAGCCATGTTTATGTGCCA
GAAATGCATTCCACCTCAAGGAGGACTTAATTTATGGACCCGTGTGTGCC
AGGCTGAGCTGGGCAAGATCTTTCTCAGGACAAACTCTGCCATGCAGCTA
AAAGCCTGAAAAC
>Sequence 244
ACAACAAACCAATAATGATAAAAAATACTTCTCTTTTTCTCCCTGTTTCC
CTTTTTCCCTTGGCCACAGCCAAATGCTAATTGCTGCTTTAATTACAGAG
ATGTGTAAATGTATTCAGATTACAAACTCTACAGGAATACATCAACATTT
TAACTCTTTTGCGTTTTTACTGTTTAACTGTTTTAAATGCAAGTTATTTT
AGGGTGACACTCCTTCCAGTTCTGGCCAGATCATGAGTTTCAAGATCAAG
AGTAAAAAGTTATTAGAAATAAACAGTTTTATAAAGGGAGGCAGCCCTTT
TCCCTCAAGAACAACTTTGTTGAGAGTTACTACTTGACAGCAAGCACAGA
AATGACAT
>Sequence 245
CCCTTTCTATCGGCCGCCCGGGCAGGTACCATTCTTATCTCAGAATGCTG
TAAACCATCAGTAGAAGCAGTTTAGATTTGGACTGCATGGTAAAATGAAA
AGTAATAACCCTCCAACCACAACCTAGTCAGGGTATTAATAATTATATGT
AGCAAGAAAACAAAGAAGAAAATAATATTGAAAAAATGGAGATTCCCCAA
CCAGTTTCATATTTGAAGGATCTGAGTTGTATTTTTATTAAGGAAATTTT
TTTTCTGAATACTGTCTTCCAAAATGTTAACATTAAAATCTGAATCAGAG
GACTCTGAATGGAAAAGAAGTTTGATCACTGACACCTAGGGCTCTGAAGC
GTGTGTGGCCACATGGAAAAAGTCAAAGGATGCGCTTGCAAAATTTCCTT
GG
>Sequence 246
GGTACCAACAACGCACTTACCCACTGTTTTAATCTAGGTTATTCTTGAAA
GCAGAGCCTGAGACAAAGGTAGACACATTCTATTTATGAGTCTAACACCC
AGGAGCAGGAATGAGAGATAGGGGAGTGAACTGGGGAAAGGGGAAACTAA
GTCCGAGCAAAACCAGATACTGCTCTTATCAAGTGGTCCACCCCTATTAA
TGGCTACATAATGCAGAACTTTCTCAGGATTCTTCTTAAACTTTATCCCA
GAACTGTCTGCCTCAGGGAGAAAGGAGAAGTATTTCTCCATCAGCAGCCA
CCTCCTGCGTGTGAGGGCTGCTCCTTTGGGGCATTAGCCCACTGCCTACA
CCACCCCAACCCTTTGGGCTGCAAAG
>Sequence 247
GGTACTATAGGATACAACCAGCGAAACAGAATTGATACTCTCATGTATCT
ACTAGCATATCCACAAAAACCCATGGTTAAGACAAAAACCATTGAATTGA
TAGAATTTGAGAAACTTGCCAGCTGAACAGAATGCAACAGTTGCTGTGAT
GAGCTATAGTGGCTATGATATTGAAGATGCTCTTGTTTTAAACAAGGCCT
CTTTAGACAGAGGCTTTGGGCGTTGCCTTGTATATAAAAATGCTAAATGT
>Sequence 248
ACCAGGAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAAACTGAAAACCCATCACCTCC
TTCCCACTGCTATAGCAGCGTTAGCCCTGGGGTTCATTATCTAGCCAGTT
CACACCTTCTAAAGTGGGGCTCTGAAAATGTCCTACTTCCCTCACAGACA
AAGCAATTCTCAAGCCTCCTGAGATCACCCACCAACCAGAGCAACTGCTG
TCACTTGGAGGTGCAGCTGAATTCTTCTAATTGTGACACAAACTCTTGAA
ACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAACACTTAGAAGGATTTA
CAAGTTAAAGTAAGTCAAATCAATAGGTCTTTATTTCATATCCTGAATGG
TTTAACTCTGCGGGAAAGTGTTAGCAACTATATGAAATAGGAAGAAATC
>Sequence 249
GGTACTCTACGGTGTCAATAATTATTTCAGTCTCTGCTGCAATTAGTGCT
AATTACAATACCTGGGCTATAAAAATAAAAGATTTCATTATAGCAAAGTT
CACATATATCGTTTTAGTTCACTTTATCCACATTTGTTCATTTAAAATTA
TACAATTGTCTTTACATATAACTGTTCTTAGACTTGAAATTTGAGGATAT
TATGATGAAACAAAATCTGTATTCTGAAACAAGCTCTATGTATGCTAAAA
CATATTGCATTAATGAAATGATAAAAAGTTTAGCAACTCTATGTTTTTTT
CAATATTTCAAAATATTTTGAGAATTACATCAGTAAAACTTACATTTCAA

Table 4



AATGAAATGACTTGAATTTATGTCAACTTTTACTTTCTGAAACATTTTTT
GGCTATTTGTGATTAGTACACAGTCATTTCAAGATTTTAAT
>Sequence 250
ACTCTACGGTGTCAATAATTATTTCAGTCTCTGCTGCAATTAGTGCTAAT
TACAATACCTGAGCTATAAAAATAAAAGATTTCATTATAGCAAAGTTCAC
AAATATCGTTTTAGTTCAGTTATCCACATTGTTCATCTAAAATAATACAT
TTTCTTTACATATAACTGTCTTAGACTTGTAATTGAGGATATTTGATGAA
ACAGATCTGTATCTGAAACAGCACTATGATGCTAAACATTTGCATAAGGA
ATGAAAAAAGTTAGCAACCTAGTTTTTTCAATATTCAGATATTTGAGATT
ACACAGAAAACTACATCCAGATGAATGACTGAATTATTCACTTTTCTTCT
GAGCATTTTGGCATTGGATAGACACAGCATTG
>Sequence 251
GGTACTGGGAATTCCCTTTGGGGGGTATTTTGCTAAGGGAAACTGGTTAA
ATTTTTGGTAAACTAAATTTTTTTCTTAAAATAAAGACTTTTTCACATTG
ACTGGCACAGATTACTTAGCAAAAGATAGCAAAACCGGTGGTTGAAGAAT
AATTCATTTTAAATCGAATGTATTTTAGTGTGAATTTAAAAATTTCAATA
CATCAAATCTATAAATCTCCCTTATATTCCTTATGATGAGGCTAAAATAA
AAAGTCTTAATAAAAATGGTTAAAATAATAAAATAAATTTACTGTTTCTT
TGTCTGGGGTGTTCCTTTTAAAATAGGTCAAATTTCTAATATCAATTCGC
CGACTTATTCTAAATATGATTCTGTTTTTTGCTACCGGAAGGTT
>Sequence 252
GGTACTTGATACCATGCCTAGTGCATAGTTGGTGCCCAATTAATACATGA
TTGGATTATAGCATAATCACTGATCACTACATTTAAAGCAGTCCAATAGT
GGAACAGGCTGCCTCACAAATAGTGAGCTCTTGTTTCCTCTACACAGATT
CTACTATGGGCCAGGATCTCAGCCAAGCAGTGGAGCCATAGGCTGGACAG
ACACAAGCCGAGATTTTGGAAAAAGACTGAGTCCCTCTCAGCACTTGAAA
GATCCCTTTCAACACCCAAACATCAAAAGCCATGGTATATTGCCAAGCAA
GGGTGCCTATGAACGCCTGTTGAAACCCCACAACAATTTTTTCAGCCATT
TATTAAAACCCCAAAGAGACTATCAGGACTTTAG
>Sequence 253
CCCTTTCTTGCGGCCTGTCCGGGCAGGTACTTCATATCAGGACGAACCCA
ACAATTTGTCTGCCCAAACATGGTCTCAGGTCTGAGAGTAGCAGCCACCA
AGAAAATATTTTTACCTTTCAGGCCACTTAATTTAGATGGGTATGGCTCA
AGCACCTTCAATTTGAGTAAAGTATATTCCTGAGGTCCAACACCCTCTCC
AGTTTGTCTATCATGATCCATGCAAGGCTGTCCATCTTTCGGAGAGTAAA
TTGTGTACCGCTTCCCAAATTTAATTTTGTTTCTTTCTCTTAATGTTAAA
AATTGCCATCTGACAAATGAATCATAGTAAGGATTAACATCAGTGGTGAT
GAAGGAACGACGCCAGTCTACCTTCAAACCCATTCTTTT
>Sequence 254
GGTACCTGGGGTCTCAGGGTTGCTCTGGGCCTGATCATCCACTCAGATCT
GTAAGGAGGATTTGCAGGATCCATTTAGAAAGATCCTCCCTTACTTCCAC
AAGCATGGCCTTTGGCTCTTAAATACCTGTGCTGGGGTTTTGTAATTATA
GAAACAACAGGAACCAAAACTCATTAATGTTGAGCTACAAACCAGAGGGA
AGGCTTCTTTCTCAAAACAGGGGCTCAGGGCCTAGAAAAAAATCTAGGTT
TTCCTGAAAATCGCTTAGCCCAGCATACAAGCACTTGAAAATTGGCCATT
CCCCAGAAAACTAAGGCCCAACCACCAGAAAGCACCCCCATAAAAGGGCT
TGCTGGGAGGGTTTGGGTACAAAAGTAGAATCCT
>Sequence 255
GGTACCAGGAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAAACTGAAAACCCATCACC
TCCTTCCCACTGCTATAGCAGCGTTAGCCCTGGGGTTCATTATCTAGCCA
GTTCACACCTTCTAAAGTGGGGCTCTGAAAATGTCTTACTTCCCTCACAG
ACAAAGCAATTCTCAAGCCTCCTGAGATCACCCACCAACCAGAGCAACTG
CTGCCACTTGGAGGTGCAGCTGAATTCTTCTAATTGTGACACAAACTCTT
GAAACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAACACTCAGAAGGTT
TTACAAGTAAAAGTAAGTCAAATCAATAAGTCTTTATTTAATATCGAAAT
GGTTA

Table 4



>Sequence 256
GGTACCTTGGCCCAGATCAAAAATTGGCAGTGATCAGGACTTGGGTATAG
AATTGCTGAATGTTCTACATCGAGTAATTTTAACCAGAGAATCACCTTCC
ATTCAGTTGGCTTCACTTGAAAGTGGTAAGGCAGATTATCTGTGCTGCTC
AAGAACATGTGAAGGAAAAAAGACGAAGTGCAGAAGTTGATGATGGGGCT
GCTGAAAAGGAAACTCTGCCAGAGTTTGGAGAGGGAAAGGACACCGGAGG
ACTTGTGCCTGGAAAGTCTTTGGTCTTTGCAACACTGGAATTGTGTGTAT
GCATTCTAGTTAGACAACTCCCAGAATTAAACCCTAAATTGACAGGTAGC
CCAGGAGTAAAAGCTACGAAGCCACAGATACTAT
>Sequence 257
CCCTTTCGAGCGGTTCGCCCGGGCAGGTACACTGAGTCTGCAGACCATCC
AGAAGGATCCTGCTGCCCCCATGTGCCTTTGTTCTTGGTATGTCAGTGCC
ATTATACTCCAAATTCTCCATTTGATGGAGAGAATCTGTCCCTTGGAATA
CGAGATTTATATGCACAGTTTGCAAATAAAGCATCATAGCCTTTATTTTC
TGTATCAAAATCACCCTGATCCATAATATGAGTCTTTGCTTTGGGATACA
TGTTGTCATTTTGATGAACATTCCTGTCCCCTTCATGGTATTTGATAAAT
TCCTTATCTTCATTGACACCATTCGAATCTGAAAAGCTCACAGGCTGACC
ATCAGGATAACTTCCAAGAACATGATATAAATTGCT
>Sequence 258
AGGTACGCGGGGAAAGAGGGTCCATCTCTTTGCCAGCGATGTTCATTTTG
CAGCATAGTTTGAGAGCAATCTTTTTCAAGTAAATTGAATATGAATGCCT
GGCCCCATCATACATTAATGAATTAGGGGTTGTTTTACCATCCCCACCTT
TTACTCTTTTACTTATTGTTTTAAAATTATCTTTTCCATAATTTAGCTTT
ATAATTTCTGCATAGTGATGCTATTTGGTTATCAAAACATTTTATGTTTA
GCATTAAACTTTAACTTGAATAAGTATATTTTCGAATAGTGGAAATATTG
TTATTCTACCATTAATAATATTTATTTCTTATTATTTAATATAATAGAAG
AATGATTATAGCGTAGTAGATTGTTAGGTTGATATACTCCTTAGTCTTAT
ATTTACTTTAATGAGACTATTGCCTTTTTTCTTTTCCAATGGAATTTCTT
ATCCTTACCTAGTTATTGTCAACCCTTGCTTTCTCTCTTTATCTAACTCC
CTTTTTTTGGCCAAGGGCTTTGGTTGTCTCATGGTAATGGTGTTTTA
>Sequence 259
ACAGTGCCAGGTTCTTTTCTGATGTAAAACAAAATAGGAGAAAATAAAAA
CCCAGCCTGGCAAAATAGCTTATCTCCACCAATCAGCAGAAAATGGTAAA
ATAGAGACGCACGTGGCACTAACTAGACAGGAAATCAGAGGTGGGAAGCA
AAATGCCAGCCTTTATTCTGCTCTCTAAGATGGCTCTGGAAGGTCATGTT
CATTGTCACTGAAAATGCCTGCAGGGAGCGATATGAAAAGTCATTGTCTC
TTCTTTTTTTTCCTCCTGCTATTTTTAGCTCTTGCTAGGAAGATCAATTT
TAGTTAACTGCAGAGAAGGGTTTTTAAAATGGTGCTTGAGTTTCAAGTTG
CATGTGTC
>Sequence 260
CCCTTTTCAAGGCCGCCCGCCCGGCCAAGGTACTTTNNNNTTTNNNNTNT
NNTTTTNGGTTAATGTGGTGGGCGAATGAGCCCCATTGTGTTGTGGTAAA
TTTTTAGAGGGAGTTTAGGGCTGTGACTAGTATGTTGAATTCTGTAAGTA
GGAAAGTGATATTTAATCAGGGAGAACCTGGGTTACTTTCACAAGAAAGG
TTCTTTCCAGTAGGTTTAAATATTGGGGGGGTAAAGGTCGAGGTTTAGCC
AAGGCTTTGTCTTTGAAATTTATTTAAAAAAAGCTTTTTATTTTGGGAGT
TAAGAGTTTTTGAAAGTTTCCTTTGTAAAAAAAGGATTTTATTTATTCCG
AACTTTTTAAATTGTCGTTTTCGTTAGTTTTTGAAGTTTTTGCTTTGGGC
CAAGAAATTATTTAATTTTAGGGGATTTTTAAGTTCCCTGTTGTGGCCGA
TTTTTTTTAATAAAATTAACTTTGTGT
>Sequence 261
ACCATCAAATCAAGTTTCTCTAAAAATTATGAAATTGGCATATTTTATAT
TTTGCTAGAGAATGGTGTGAACAAGGCTGATAATCAATTAGTTCTTTTTC
CTTTTTGATTAGTATATATTTTTCACATGATATTAAAGCTACCATTAGCT
GATTTTATTCTCAATGTGCCTCAATTCTAAGAACCACTGCATTATTTATG
AACAAGAATGTGCAATACCAAGAACCAGCCAATAATTTGAATCTTATATA

Table 4



AACTAAAGATTCAGAAATTCCAAGAGATTATTTAACAAATATCATTTGAA
CATATGAGCTAATTAACAGAGAAAATTCTTTAAAATGTGAATTTATCACA
TTCATAATTTAACTTTCAAGATT
>Sequence 262
GGTACCCGAAAAGAAAGGAAGCTTTAGTAATGAAAGGATTGCTGCCAAAA
TCCTGTTTCCCCCTTGCAGATCTTACAGAAAACAGCCACAGAATCCCAAG
GCATCAGCACCAAGAGAGCCTGTAGAAACTATCTGGTCTAAGCTCCTGAA
GCCCAGAGATAAGAATGACTTAACCCAAGCTGCACAGCCTCTTAACAGTC
CACTGTTAACCCCAGAAACAGATGCATTTGAATCTGAAAGGAGACAGGAA
TCCTAATCCTACTGCTCAGGGACTTGCTGATTTACTTTGCTGTCTATTAG
CCTTTCTGTGACATGATTTTCTACCAAGCAAAGTCTTTTATTCAAGTCTC
CCAGAGATTTCCTATTTAAGCGTTTGCTATTTGGCCACTTAAAAAAGACA
GAAGAGAAGTAAACAGAAGCATATACCACACAACTCAGTCCAGTCAGTAG
TTGACTCTCAAAATGGCGGATGTCACTGAGATGGCTGAGAAATANGAACG
GATGTGGAAAAAGGAGTGGCAGTGGAAGTAGCTGTTTTGTCTACCTGCTG
GATACCTGNGAAGCCAGACTCTGTGTGGACAGTGGTCCCTAGTCATAGGA
AACTTTGGCTGTGCTGTCATCAGTGTTCATGGAGAACTGCTTCNTACCTT
GAGAAAACCCTTTCTTCGGTCCTCAAGTACTTGCCCGGGCGCCGGTCGAA
GGGGCAAATCACACACTTGGCGCCGCTACTAATGAATCCAGCTCGTACCA
AACTTGGCGAATCATGGCATAGCTGTT
>Sequence 263
ACTCTCCAGATAACATATGCAGGGTTTTATATATGTTTATTAGATTAATC
TTACTGACTGTATTACACAAATTTATATACTTATAACATTTTGTCTGCTT
AATCTACCAAATACTGAGAAATGTAAACTAAATTTCCTACTTTGGCAGTG
GATCTGTTAAGTTTGTATTTTTTGTTTGTTTGTTTTGGGGCTTTTTTTAT
AGTTCTGTCAATTTTACTTTATAAATTCATAGTTTAGGTAACTAGAAGCA
AATAAGTTTCGAATTGTTATCTCTTCTCACTGAGCTAAGCTTTTATCAGC
ATGTAATGATGATCTCTTTTTTTAACGAATAGTGTCTATGTTAAGGTATN
>Sequence 264
ACTCCTCATGATCATCTACACAACATTCTGTGACACGTTCTCTAACCCAA
ATATTGACCTGGATAAATTCAGCCTTGTTCTCATACTGTTCATAATATTT
TCTATCCAGCTGAGTTTTATGCTTTTAACTTTCATCTTTTCAACAAGGAA
TAATTCGGGTTTCACACCAGCAGACACAGTGGCTATCATTTTCTGTTCTA
CACACAAATCCCTTACATTGGGAATTCCGATGCTGAGGATCGTGTTTGCA
GGCCATGAGCATCTCTCTTTAATATCTGTACC
>Sequence 265
ACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTATTTTTTTTTTTTTTTTT
TTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTAAAGGGT
AACCCCCAAGCCCTTTTTAAACCCCGGGCGGGCCCCCCCGAAGGGGGGCC
CTTTGGGGAGGGGAATACCGGGGAACCCCCCCACACTTTTCCAAAGGGGG
GGGGCGAAAAAAAAGAGTTCCCCCTAGGGGGCGCGCCCCCCCCAAATAAAA
CACCGTGGGGCCCCGCTTTTTTAACGGGCGGGCCCCCCCATAAGAAAACA
CCCCCCTCTTGTTTTCCCACAAAAGGGCCCCCCGTGTGCCCCGTGGGGCC
CCCGACCCCCCCCCCCTGAGGGGGCGAATATCCCCCGCCCCCCCCGGGGGC
GGCCGCGGTCCTTGGGGGGGCCCCCGCGGCCCCGGGGCCCCACACGCGGG
GGCGAAAAAAC
>Sequence 266
GGTACCAGAATCTCTAACAGTGTGGTCCTGTGTAGCCACATTGCTACACT
TACAGAGATGCTTTGGGGCCTTTTTGGATTAAGACAGTTCTAAAAGACCA
GGCCTCACCTATGATCTGTGTATAAAGAATTAGCATCGCACTGTAGATCT
GCAAGAGAAGGCCGCCTCCTGCAGTGCTCTCTCTTGGTGAATGCTAACTC
TGCTCGAGGGCCTTTTGGGGAAAGGACAGTGTAAAACCCTTAGAGAGGTA
AGTTTCCCACCCTTCCAACCTCTCTCCACCTGCAGCTTGCTTGGTGCTGT
CAGGATCTGGATTTGGGGGGAGTCTCTCTGTAGTGGAACTAGTGACAGAA
GCTGTTCTTTAGAATTTTCAGGATGGCTGTA
>Sequence 267

Table 4



TGCCCTCAGCGTGGTTTGCGGACCAGGTACAGTGAAAAGAGCCAAGGCTG
TGTGACCCCCTCATCACTTAGCCAGGCGTATGGTCCTGGTTTCTGAGGCT
GCCAGAAAGCATCTTAGCAATTTGTGTTTGGATGGGCCATGCCTGACTAT
TCTAGGCTGGAGGTTCCTAAAGAGTAACAAGAGGAAGAGAAACAAGAATC
TCTGACACTTGTTGAGAATAGAGCACAGTCCCATTTGTTTGAAAAGAGAC
ACCAGGCAGCCATGTTTATGTGCCAGAAATGCATTCCACCTCAAGGAGGA
CTTAATTTATGGACCCGTGTGTGCCAGGCTGAGCTGGGCAAGATCTTTCT
CAGGACAAACTCTGCCATGCAGCTAAAAGCCTGGAAA
>Sequence 268
ACAACCAGAACCAACAATTGTATTTCTCTATAGTTATTTTAAAATAGTAA
TCAATGCTATGTATTTGATGTATATGTTTCTAAATTAGAAATTTCTTTTG
GCTTTGTGTTTTTTTAATGTGCGTTAAATATGTAAACTGAACCTGTTCCT
AAAATGCATTAAACTTGAATGCTGTGTCTATCCAATGCCAAAATGCTCAG
AAGAAAAGTGAATAATTCAGTCATTCATCTGGATGTAGTTTTCTGTGTAA
TCTCAAATATCTGAATATTGAAAAAACTAGGTTGCTAACTTTTTTCATTC
CTTATGCAAATGTTTAGCATCATAGTGCTGTTTCAGATACAGATCTGTTT
CATCAAATN
>Sequence 269
TATTATTTTTATATATAATATTTAATTATTATTTAATTATATCTTTATCT
ATTTAATTTCTTAATAACTTACTTTTATAATATAATTAAACATCTACGAT
ACTATTAATATATTATTAAATAGTAATTCTTATATTANTAGAACTAGTCA
TCTATATCA
>Sequence 270
CCCTTAACCGTGGTCCGCGGCCGAGGTCCAAAAAGTACCTGCCCCTTCTT
AGGGCAGATGATGCTTTGAGAACATACTTTGGCCATTACCCCCAACTTTG
AGGAAAAAGGGCTTTGGAATGATTATTTTATGTTTTAAGGGACCCCCCAA
CCTCAAGGCAATTTCCCTAACCCTTTAACCTTGACCCTTGCCCCCCACTT
GGCCATAAAAACTTAAGCTTAAGTTTTTGGTTTTGTTTTTTCAACCGGTT
AATGTAAAAGGGGGCAGGCAATGGCCCAAAATTATTAATCAGGAGATTAA
AGGCCTTAGGGTCAAAAGGTTTCATAAGAAGTTTCCCCATGGAAACTATA
TTGACTGGGCCCAACACAAGGAATCTTTTTTGTAATTTTAAAGGGAATTT
CTGAGAATTTTTGGCTTTGAAGGCAGTGATTTAGGATTAAGGGCTGGTTT
CTTTTAAAATG
>Sequence 271
GGTACTGGGATTATAGGCATGAGCCACCATGCCCGGCCTTTGCTCTTAAC
TACTGATGTTGTCTTCCTGATCTTTTCTACAAGAAGCTTTTAAACTTTTT
GGACTTTAACCTACAATAAGAAATCCATTTTACATGTTCACATGTATCTA
TAACAACATTTATATTTCTAAAACAAACTTTTCATGAAACAAGATATACC
TACATATGTCAGGCACTCTGATATTTTCTATTCTAGTCCACCTTTTCCAT
TTCATTCTATTTATGGGAAATATATGTTGGTTGGGAGTCACTGAGTTAAT
TTAATGACCCACTAATAGGCTGTGAGTGGCATTGGAAAAATACCTGCTTG
TAAGAATTGCGAACACACGTTTTAAGGTTGGT
>Sequence 272
GGTACTCGTGATAAAGAATCAATAGCAATTCAAAGGTTCCTTTTGTTAGG
CTGTATCCCAAAGAGTAGGGAAAGATCTTTACTTCATGTCAGTGGGTGAT
ACCACTATTAAAGGTAACTTGTGTTTTTAAAACAAAATACTTTTATCACC
CAGAATTACAATTTCTTAAAAATATTGTTATGCTGAATCCCTCAAACAAA
AATGGTTTATCAATTTCTTTGGACATAGGTAGCAGGGAAGAAAAACCACT
TTAGGTAAAAAAATTTAAATATACTTATGGAGATAAATAACCCAAGATGA
GGATTTCTTGAAATATAGGAAATTTATTAATTGAATTAATCTTGAAAGTT
AAATTATGAATGTGATAAATTCACATTTTAAAGAATTTTCTCTGTTAATT
AGCTCATATGTTCAAATGATATTTGTTAAATAATCTCTTGGAATTTCTGA
ATCTTTAGTTTATATAAGATTCANATTATTGGCTGGTTCTTGGTATTGCA
CATTCTTTGTTCATAAATAATGCAGGGGTTCTTAGAATTGAAGCACATTG
AGAAATAAATCAGCTTATGGTAGCTTTAATATCATGTGAAAAATTATACT
AATCAAAAAGGAAAAAGACTAATGGTTATCACCTTGTTCCACCATTCTTT

Table 4



ACAAAAATAAAATACCCCATTTTTAATTTTAAAAGAACTGAATGATGGAC
CTTGCCGGGCGGCGTTCAAAGGCGAATCCACACACTTGCGGCCGTCCTAA
TGATACAACTGGTCCCA
>Sequence 273
ACTGTAACACGGGAGAGCTGTCAAGGAAGTTCCATTTCAGGGCAAGCACA
GGAAAACACTCCTCTCCGTGGATCAAAGAAGTCAGCCCAAGGAACAAATC
TCTCCACACTTTGGCTGGGTGGGCTGATTTACCTGCGAAAGTAATTTCTG
TGTGTCCCTGCTTAGAATCCAGGGTTTTGTGAATGAGAACTATCATTCAA
TCTCACCAGGCAGAAACTATTCCTCAAGGGCTGTATGACGTCTGTAAGAA
GGCAGTTCAAAACACCGCAAGGCAGTGAGAAAGGGAAAATTATAAAAAAC
AGGAAAGGTTCCTTGGCCGCGACCACGCTTAGGGCGAATTCCAGCACACT
GGG
>Sequence 274
GGTACCCGAAAAGAAAGGAAGCTTTAGTAATGAAAGGATTGCTGCCAAAA
TCCTGTTTCCCCCTTGCAGATCTTACAGAAAACAGCCACAGAATCCCAAG
GCATCAGCACCAAGAGAGCCTGTAGAAACTATCTGGTCTAAGCTCCTGAA
GCCCAGAGATAAGAATGACTTAACCCAAGCTGCACAGCCTCTTAACAGTC
CACTGTTAACCCCAGAAACAGATGCATTTGAATCTGAAAGGAGACAGGAA
TCCTAATCCTACTGCTCAGGGACTTGCTGATTTACTTTGCTGTCTATTAG
CCTTTCTGTGACATGATTTTCTACCAAGCAAAGTCTTTTATTCAAGTCTC
CCAGAGATTTCCTATTTAAGCGTTT
>Sequence 275
AGGTACCTCAGTTGGAAATGCAGAAATCACCCGTTTTCTGTGTTGCTCAC
GCTGGGAGCTGTAGACTGGAGCTGTTCCTATTCGGCCATCTTGGAACCGG
CACACACCAATTTTTTAGAACAGAAACAGGATCACAATCTACATATTGTC
TTAACACATATTTTAATCATAGATAACAGTATATCTATTCAACACAAAAA
GTTAATTCTGAAAATCTGCATCTTCATCTTACATAAAACATTTAAACTTC
CCAGAACAATTGGGAATATTAATGTTTCATTTATTCATTTATTATTAATA
TTAATCAGGGTCCTATTAGGAGACAGAAACCAGATAATTTGAAAGTTTAA
TATGAACAAATTATTAACTATAACAAGAGATAGGCTAGAAAGAAAGAGAA
TTTTAAGGAATGTAGGAAAAGCAGATATTC
>Sequence 276
ACATCTTGAGGCCTCTCAGCAGGAGACAAAGGATTCCAAAAAGAGATGTG
GAGGTGCTGAGGGCACCTCTATCTCTTTGTTGTTTAGTCTGTCATTGAAT
CAATCTACTTATCATCTTGGGTCTTTGAGTATTGTATGAAAGATCCTTCG
TGCACACCACACACAGTCATGATTTTGTTAAAGTAGCCTTCTTCAAATGC
TTTTCTAAGGGCTAGTCACCAACTTTATTTCTGTGTTTCTGTACAAGAAA
CATTTTCAGTTCTTCATTGAGTTTGATTATGGAAATCCATTAAAAGACTC
TATGAAAATTTTACTCATGTCTTTTGGAAATGCAACATTTTCCTATCAT
>Sequence 277
CCGGGCAGGTACAAGCCAATGCCAGCGTCAGAGCTGCTTTTGTGCATGCC
CTTGGAGATCTATTTCAGAGTATCAGTGTGCTAATTAGTGCACTTATTAT
CTACTTTAAGCCAGAGTATAAAATAGCCGACCCAATCTGCACATTCATCT
TTTCCATCCTGGTCTTGGCCAGCACCATCACTATCTTAAAGGA
>Sequence 278
CCCTTAGCGTGGTCCGCGCCCGAGGACTTTTTCACAAACCGGTGACCAGG
TAACTTGGAAGTTGGATTGGATTAAACCAAAAGCTTTTTGACCAAACCCA
TCCCCTGAATAAAACTTGGTTCTAAATCCATCCTCGTGGGACCAATTTAA
ATGGTCAAATTTGGGATGGGGGGATTGGTCAAGCTTGCCACTTATAATCA
TGGTTTTGGGCTTGAACATAATTTCCTTGGCTTGAGTTTAATGGTGGGCT
TTTTGTGTGGGACCAGGCTTGAAAGTTTAATGGGGGGGGAAGGGCCAAGA
AGAATTGAATTTTTGTGGGGCCCAAGAGAAGGGGTTTTGCTTTGGGGTGG
GCTTGGATTTCTTGAATTTAGGGACCACCCCTTGATTGGAATGAAAAAAT
TCAAGTGGGCTGGGCACAGGTAGCTTTTATTAGAACTGGGTTAACCTTTG
CCCCGGGGCCGGTCCCTCT
>Sequence 279

Table 4



TGTACTTCATTTAAGAGTCCTGGCTTCCAGAAATCCTTTTTTTCATGTCT
TATCTTCTAATTATGCTTTGTAGTCCAGCTAAATTACATCTNCTTGACAT
TTTGGAATGTTCCCATCTTTACACCTGTCTTCAAATTGTTTATTCCACAT
GGAATATTCTTTTCCCCTTATCTCCAATTAGAGTATATGGAGTTTGGGGA
AGAATCATGTCGTTCACTGTGGCACGAGGGACAGAGTGAGAAGGTGGACA
GGAGCCAGATAATTGGAGAGACTTTTTACATAATGCTAATTNTAGGAGTT
TGCAATTAACACTGTGGATTTGATGAAAACAGTGGAGGTTTTAATCAGGG
GGATGAATGATAGGATTAGAATTCTATTTTATATAATATAATCCAGATAC
ATCATGATAAATTAAAAGATCAAAGCTGAAAGCAGAGTGTTCAGTCAGGA
GTTTATTATAATGATTTAGACATAAATGTTTGTAATAGAATCAATGGATC
CCCCCATGCCTTACATTCCTGGCCTTAATGGGCACCATTTCCAAATTAAA
CCCTCCCCCACTGGGAATGGGGGCCATATTCTCATCCCTGCATTGAAAGG
CTTTTTTCTCCTTTCCCCAAAAAAACCCTTTCCCAATTAATCCCAAAACC
TTTTAAAGCCCCTTTTTGGAACCCTATTTATCCTGAGGCCTCTTTTATAT
CCTTAAGCCCCGGGTACTTTGCCGGGGGGCCTTTAAGGGCAAATTAACAC
ATTGGGGGCGTTATATAGGATCCCCCTCG

>Sequence 280

GGTACTCTTAAAAATCTGTTAAGAGAGTGGATCTCATTTTAAGGGTTCTT
ACCACAATAAAATTAAATTTTTGAAATAAATCAGTCATATTTGAGTGAAA
TGAAACCTTTCCGAGTAGTTTCAGACAATTGATAATACCTAGTTTACAGT
TCCTGTAGTCATTTTGGAGGGTGAGGACTTGATGTGTTTAGTAAAGTTGA
GAAATAAATACATGAAAGAATGTGTGGGGAAGAGAAAGTGTGGGGAAGAG
AAATTGTCTCAGAGGACCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCACC
CAGAAGAATTCAACTGCGCTCACTGCAAAAATACAATGGCCTACATTGGA

>Sequence 281

GGTACTTTTCGCTCAGCTGTTTTCATCACTGTGTTCAGAGGTTTGTCTTT
TTTTTTTCCCCTAAAAGGTGCTGAGATGTTATGAGTGCTTTATGTGTGGT
TACTGGATAAAGTTTTGAAATGTCACTGTGTTATAAACTGCATGATTTAT
CGATTTTGGAAATTTTGTTTTTTTTAAATGATTAATTTAAATAAAATGGA
GAATTTTGATCCATAAGAAAAGCAGGACTGAAATCTCCAGGGATGGGAGC
CTTTGGGTTCACCTTGTTCAGTGATGTTTTTTTGTAGACTTCCTACTTTC
TTGTAAAAATGTTTTTGGACTAAATATTTCACAAGAATTGAATTTTTT

>Sequence 282

CCGGGCAGGTACTTAACTAGGGTTAGCCGAGGTCAGGAGGGTGGATGCCT
TATTATGGGATTAGTGCCCTTCTAAGAGGGACAGTAGAGGGCTTGTTCAT
GCTCTCTCTCTCCATGCACAAGAAAGAGCACACAGTGAGAAGGAAAGAGG
CCCTCACCCAGAACCTGACCATGCTGGCACCGTTGATTGCAGACTTCCAG
TCCTCCAGTGATTGTGAGTAAGATAAATACTCTGTGGTTTAAGTCACCAA
GTTCTGTGGTGTGTTTTATGGCATGCACAAGGGTAACTCCAGGATGATGC
TTTTTTCACCAACTGGGTTGGTTCCAGGCCTTTTCATGGGAAAGCTGTTC
AGCCTTCCTCAAGCCTTTGCAAAAAAATGCTTTGGCTGGGTCACTTCTCT
TTTTGGTCCTTTTCAGTATGCCTTTTCTTAAATGTGTGGCCTTTTACCAG
GGCCCTTTGACTTCATTCCTTTTTCTGTTCAGAGGG

>Sequence 283

TGCCCTTTCGAGCGGGCGGCCCGGCCAGGTCCACAGTTTTTTGGGGAAAT
ATGATGCTGTTTGTGGTCGAGATTTTTTTTCACCTCTATTGTGAATTCTT
TTTTACTGCAAGAATTACAGGATTTGTAGCNCTTGTGCTTCTTGCTAAGA
GAAGGAAAAACAAAATTAGAGGGCATTAAATGTTTTGTATGGTGACAATG
ATTTAGAAAAAGGTGAATGCATTCCTCCTCACATAAAGCATTTCATATGG
GCTTTTGTCAAGGGAGGTTGAAACATTGTTGGCTGAGTTTAAATTTCCAG
GGGTCTTAGGATGGGTTAGGGAAAAAATTGGGATGGGATGCCCGGGAAAG
GTTTAAACCCTGGATCCTTTATGAATCCAATTGAAGTGGAAGAATTGGGG
AACTTTCCAAAAACCCCAAGGGTTGGCTTATT

>Sequence 284

CCCTTTCGAGCTTTCGCCCGGGCAGGTACTTTGCATTCTGATTCTTTGAT
ATTTGAACTTGGCCATCTGTGGGTGCTACTCTCGTAAGACTAAAAGGCAC

Table 4



CTACTAAATACGAACAAGGATAACCAGTTCTACCAAAAACATTACCAACC
AAACCTCCCCTGTTCTTTTTTCAGACTTTCCTTTTGCTTTCAACCTCTTA
AACTGTAAAGGAGAGATTTAATGTTTCCCTATTATTCTGCTTTGACTCAC
ATACTAAAATGACCACATGGCACTCCATTGAATCTTTTCAGTTGTTCACG
AATTAAAATAATGCCCATGTTTTACAGTTTTTCGAGTAGTCTCAGCAATG
GATCTGTAGTTTCAGGACCTGTTTTTAAAAGATCAAGATACTTTTATGTG
TTTCAGAAGTAGCTGTTTTTTCATTTTTTGTGGGTTTGTTTTTTTGTGTT
TGTTTGGTTGGTTGGTTTTTGGGTTTTTTGCTTTTTAAAGGTCACAATGT
TGTGAGCCTGGTGTAAATGCCAGGAATATTATATGGACTTAGTATCTGCA
TCTCGTTAATTGAACC
>Sequence 285
CCCTTTCGAGCGCCGCCCGGGCAGGTACTGCGGTCTTTAGAGATCATTTA
GAGCTTGCACACATCTGTGTCTTCTTGTGGGAAACCTCTAGGTATTCTGT
CTGATCAGCACTGTGAGGAAGTTGGTGGGAAAAGGGCCCCTGTTAAGAAC
AAACAATGGGCAGAAGGAAGCACATTGCAATAAATTTCCCCAGAGAGAGT
TCCTTTACATTCCATTCACCAAAAACCTCTCTGGAACTGTCAGGTTCAGA
ATATCAACCAAGACCATATCATTTAGAATTCATTGGCATGTAGAGGTGAC
TCGATTCCTAAAAGAAGCCTCTCTCCCATGAACCACGATGTACAGGGAGG
AATTTGAAGTAGATAGAAAC
>Sequence 286
AGGTGCGCGGGGAGAATCAAGTGAGAAGTGCTTTTAGAAACATCCATGCA
GGTATGAAGGAGCTCTAACATGCCAGGCGAGTGGACAAGGCTTGGGGAAG
GTTGACGATACCTAGAGACATGTCATCCTTTGGGTCAGAGCCTGCCTAAT
CTCATGGGGAACTGATGGGTGGAATAGGCACTCTAGGCTCCCCCTGGCAT
GGGCAGGGTCGCAGAGAATTCACAAATTTGTGTGTGTTCACGGAGGGGAG
GCCAAGCTTCTGACTGCTGAAGTTAGGGTCAGAATGGAGAGGCAAGCATG
TGTGTGAGGGACTCTGAGATGGGAGGCTGACAATTAGGACAATGGGCTTT
GCCCATGGAGCCAGAATGTTCCCCTGGAGGGGGTAAATTGCACTTGGCCC
ACTTTTTTTAATTGGTAAAATCTCAGATCTAAGAAACCCTCTTTTTT
>Sequence 287
TGCCCTTTCAGCCGGCCCCCCGGCCAGGTCCAAAACCCGGCCTTGTTGAG
CTGTTCACTGAGGGTTACAGCAGCGATGAAGACTTGGCAGAACAGCTGCT
GGTCTAATTCTGTGAAGCTTGGGGTGGGAAGCAACTGTCTGGGAACCTGC
GGTGGGATGCCCCAGACCAGCATTTTAATTGCCCCAACCTGGGGGTTCCA
GAATTTTTCTTTTCTAAGCAATGGGTATGGGAGGAGAATTTCCCGAAGAC
ACCCCAAGTAACTGGGAAAGATTTATTCCTGTGGTCTGGTTTTATTATTA
CCCCCTTGGGTGGGGCTTGGTGGCCTTTTGTATTCATTTTAAGGAGGGAA
AACCTTGTTCGGACCAAGCCACCAAAGAAAGGCTTGCTTTCGGGGTACCC
CTTGGGCCGGTGGACCCACGGCTTATAGGGGCCGAAATTTCCAGCCACAC
TTTGGCGGGCT
>Sequence 288
TACCAAGGATTTTCTATTGCAGCAGAACCATGCTACGAGTGAAAGGATCC
TAAAAAAGTCACTGGGATTTTTTATACTAAAAGTTCTTTGGAATGACGGC
TTAATCCCAAAAATGTGATTTTTCCCCATTAATGAAAGTTTTTCACTTCT
ACTTTCTTGGGCTTATTGAGGATAAAAAAATGACATTCCCTAAAAGAAAA
AAGATGGAAAAAAAATAGCCCCTGGGCCGCTTCTTCCAAAAAAAAGCCTA
CCACTTTGAAGCTGGACAACAACAAATTTGGGGGCCACTTGAAAGATTGA
TTGAGGAACCCAAGAAGTTTACCCACCAAATGGCCAAATTTCAAGACCCC
CTTCGAAGGGTTTTCGGGTCCAATAATTTGGGAAATTTGCCCCGGTTTCC
CTGAATGGTAATAACAAATGGCTTTTGTAAAAAAAGGTTTTGAAANAAAA
CCTGGGGGAAGTTCAAAAATTTTTTTTGAAAGAAAAACCCTGGGATGAAA
TGGGTAAAAAAATTAAAAAGAGGCCTTGGGCATTT
>Sequence 289
CCCTTAGCGTGGTCGCGGCCCGGGTACTCGGGAATCTTTCGTTGACTTGT
CCTCAATGACCACACTCGAGAGTCCCTTCACCCTAGAGAAAAGCATCCAC
GTTGGGCACCAGATGGAGTGGCCTGCGCCTTCACAGCTGTGGGCATTTCT

Table 4



CCTCAGGTGGAACGAGAGACTTGAGAAAAGAAAGACAACAGAGACAAAGT
ATAGAGAAAGAAAAGTGGGCCCAGGGGACCGGCGCTCAGCATATGGAGGA
CCCGCGCCGCCCCGCGT
>Sequence 290
CCTTTCAAAGCGGCCGGCCCGGGCAGGTACCCGAAACTTCTCCCCAAAGG
GAACTCATTTTACCTATAGAAAGAATCCATTTTATTTTCACAATATCACA
TGCTTTGTGCAGGCATCAATGGCTAGGAAACCCTTAAGAAAACAAACGCA
ATTCCACAGAATGAAAAGGTCTCTTCTTGCACCAATTAATAATCTTTCAT
AGGATTAAAATATTCCTTAATTTTCTAAATATGGAATTGGGAAATGGTGG
AATGGCCAGAAAATTAAAAAATGGCAAGTTTTTTGCCTTCTTTTAAAGAA
ATTTTTAATCCAATTGTTAAAGGACCAATTGTGTATTTAAAAATTTTGGT
ATTTAAAAAATTAACACCCACCAATTCCCCCCTTTTTTACCTTAAAAGTT
TTTCAATTGGAATCCACCAGGTGGCCCCCAGAAGAGTGGAAAAAAAAAAA
ACTTCTTGGGCTTTGGAAGTTTTGGAAGGGGACCCCAAGGTTTAAGGTTT
AAGGGGAAT
>Sequence 291
CCCTTAGCGTGGTTGCGGCCGAGGTACACTCTAGCATTGTAACTTTTTCC
CCCTGAGAAGTAATTTTAAGATCTATCAGTCTCAATTTAAATGATCTGTT
AATCAGCCAGAGTTTTAGTTTCATAATATCGTTCCATTGCCTGACAAAGA
TATACACACTGAAGTGCCTTTAGCAGACCTGGGACCGTCAAGAATCTTGT
TACCCTGATTATTGCAAGATGACATATTTCTTAAGCCATTTATAATCTCA
TATTCGGGTTGAATCTGAATTTACAAATAAAAGGGTTAAATTGAGGCAGT
TTCAAGCAGCATTTAGGAAAATGAAGTGGCTTCAAATTTTAGTGTTTCTG
GTTACATTATTTTGTTTGAATTATACAATTACATN
>Sequence 292
GGTACCTGAAGGAACGAAGAAGAGGGATTTCTCAAGGTGAGAAGCAGTTC
TCCATGGACACTGATGACAGCACAGGCAAAGTTTCCTATGACTAGGGATC
ACTGTCCACACAGAGTCTGGCTTCCCAGGTATCCAGCAGGTAGACAAAAC
AGCTAACTCCACTGCCACTCCTTTCTCCACATCCGTTCCTATTTCTCAGC
CATCTCAGTGACATCCGCCATCTTGAGAGTCAACTACTGACTGGACTGAG
TTGTGTGGTATATGCTTCTGTTTACTTCTCTTCTGTCTTTTTTAAGTGGC
CAAATAGCAAACGCTTAAATAGGAAATCTCTGGGAGACTTGAATAAAAGA
CTTTGCTTGGTAGAAAATCATGTCACA
>Sequence 293
ACAATATTTACAGCCTGGAGGATTCTTGAAGTAATGACAGACTCGTCTGC
TGCAAGTGACTGGTTGGCTTCAGTAGAGTCATTGCTTCCTATTACTGCTG
TGATCCCTGCGCCTGCCTTTCTTCTGCTGGCTCACCTCCTTGTTGAAGAC
AAAGGACAAAATCTTCACCAAATACTCAAGGTCACTACAGAATTAGCCCA
AGCAGATTCCTCCCAGGTGCCAAATCTGATTCCAGTTTTGATGTTCAAAT
TGGGAAGACCACTGGAACCTATATTATATAATGATATATTGTATACTTTA
CCTAAGCTTGGTGTTCACAAGGTGTGTATAGGACAAATTCTACGAATAAT
ACAACTACTTGGAACCACACCACGACTAAGAGCTGTCACTTTGCGCTTGC
TGACATCTTTGTGGGAAAAGCAAGACCGAGTCTATCCTGAACTGCAGCGT
TTCATGGCTGTGTCTGATGTACCTCGGCCGCGACCACCC
>Sequence 294
ACAGATGCATTCAGTTGTCATTCATTCGTGTTAAGCCAAGATCCTGGATC
TTCTATCATTAATGTTAAGAGGAAACATGAATTACAACTATATTGTATGA
CTGCCATATTTTATTGAAACTAAGGTCAATGTTGAACCATATCTTGATTT
CAGAATTTAAAATGTGTTACCTTAGAAATAATGAAATATAGTGTAACAGT
TGGTTTCTAAATGTGGTTTTATTTCAGGGGCCATTATTTAACCTGTGTGT
ATGCTATGATGGAGTTCTTTTGTGATTTCTTTACTTCTAAATTTAAATAG
TAATTATGTTTAAAAACAAATGTTTTTGTCTTTAGTTGCAAAGCAGCATA
TATCTCATTTCCTTCAACCTTGCCTCCTCATACACAAATATATT
>Sequence 295
ACAGTGAAAAGAGCCAAGGCTGTGTGACCCCCTCATCACTTAGCCAGGCG
TATGGTCCTGGTTTCTGAGGCTGCCAGAAAGCATTTAGCAATTTGTGTTT

Table 4



GGATGGTCCATGCCTGACTATTTTAGGCTGGAGGTTCCTAAAGAGTAACA
AGAGGAAGAGAAACAAGAATCTCTGACACTTGTTGAGAATAGAGCACAGT
CCCATTTGTTTGAAAAGAGACACCAGGCAGCCATGTTTATGTGCCAGAAA
TGCATTCCACCTCAAGGAGGGCTTAATTTATGGACCCGTGTGTGCCAGGC
TGAGCTGGGCAAGATCTTTCTCAGGACAAACTCTGCCATGCAGCTAAAAG
CCTGGAAACTAAAGGATTTCATGTAGTAAACTATCTTCCAACCCCTGTAG
GCATCAGACCACAGGATGAGGTTTCAGAAGGTCATAAGGCAGAATAGTTA
AGCCTACAGGGCTTACAGTCTGACAGACCTGGGTTCAGTTCTTGGGTCTT
CATCACTAGTTTTGTGACTTTCGGAAGATGACTCCCGGAGCCTCAGTGAG
CCTCAGGTACTTCATATGTAAATGAAGGAATACTATCTACTTCACAAGGC
TGTGAAAGGATTAAATGGAGAATTGGTGTAAAACCCTTAGTGCAGTGCCC
TGCACAACACCGATATTGCCCAACCTTTGATGTTGGCCCTACACCATGTG
TAAATCCAAGCCGGCAGAGCTAGGCAGGCCAATCTAATCAGGATCTTTGT
AAGGGACTGGAACCCAAAACTGGATAAAGCCAGTTAAAACCATTGCCAAG
GAACAGAGAGAGGCCTTG

>Sequence 296

GGTACGAAAAAATCAGGCCACTAAGCCCACTGTTAATATAGACGCAGACC
AATTGTTAGGAACAGGTCCAAATTGGAGCACCATTAACCAACAATCAAGT
GATGCATAAATGAGGTCTATTGAAACAATGTAAGGGCTTATTTTGCCTTC
AGGGGCCTGTGGGAAAAAAATTCAGGGACCCCAGGAAACAAGCTTTTTCC
CTTATATAAATTTCAATTTAGGACAAAGGGCTTCTTAAAGAAGACCAATA
TTCCCTTGAACTTTTGGTTGGTCAAGGATTTACAAAGAAATGCCTGCCTT
CAAAAAGGTTCTTATTTACAAGTATTGTTCTAATTGGCCCCGGAAAAAAG
GTTAATTTGTAAGAAATTTAAAATGGGCCCTTATTGAAAAAAATGGCCAA
AATTCCCAGGAATTGGTTTAGTACCCGGCTCCATTAAAAGGCTCATTTAA
AAAAGGGAAAAA

>Sequence 297

CCCTTTGCGGCCGCCCGGGCAGGTACGCGGGGCCTTACCTCCTGTTCATG
CAACTTTGCTTGTTTTGCTTCTACTAAAATGGTTCTAGGTGCTGTGTGGA
CAGGTGATACAAAAGCCTGACTCACACGGGTGACATTAATTCATTCCATT
TTCATTTCTCTTTGAGTGATCCTGACAAGCAGAGGGTCTCAGGTGGATAT
TACTGTGTCTTTGAGACCTCTCTAATCCTTATCTATCTCTCATTTTAATA
CAGAGAGTTTCATACGCAGACCTTAAGTAGACATAGTATCCAGCTAAAAG
GGTCTCACTCTGTCACCCAGGCTGGAGTGCAGTGGCGCAGTCATGGCTCC
CTGTAACCTCAACCTCTCAGACTCCAGCAATCCTCCT

>Sequence 298

CCCTTTCGAGCGGCCGCCCCGGCAGGGACGTGGCCCTAATGGGGAAATCC
CAAAAACTTGACCAGGTGAAAGGTGGCCCCCCGAGGCCCAGCCCGTCTTT
ATGTTGTTCACTTTCTTTGTGAGCTGTTGAGAAGAAAAAAAGTCTTCACC
TTTTCATCCAGTTTCCAACTCTAGCAAGCACAGCTCTTGGGCAGAAAATA
TTGGCAAAGAATATCCACATGGGCAAACCAAGGCAAAACGGACAGAAGCC
AGTCTTTGCAGGCTTCCCACTACTCTGTAACAATTTCCTTCCGGCCATGG
CCCATTGGCCATTGCCCCTACACCCACCATTCTCATATCTGAACTGAATG
CTTCTGGCCCAGGTTGTGGCCCATCAGGCCTTCTAGAGAGATAGTTTAGA
CAGACAGTATTCT

>Sequence 299

ACAGTGAAAAGAGCCAAGGCTGTGTGACCCCCTCATCACTTAGCCAGGCG
TATGGTCCTGGTTTCTGAGGCTGCCAGAAAGCATCTTAGCAATTTGTGTT
TGGATGGTCCATGCCTGACTATTCTAGGCTGGAGGTTCCTAAAGAGTAAC
AAGAGGAAGAGAAACAAGAATCTCTGACACTTGTTGAGAATAGAGCACAG
TCCCATTTGTTTGAAAAGAGACACCAGGCAGCCATGTTTTATGTGCCCCA
AAAGCCCTTCCCCTCCAGGGGGGGGTTTATTTTTTTGGCCCCTTGTTCCA
CCCCTTATCTTGGGCGAAAATTTTTTTTTTGGAAAAAAATTTTTCTTGCC
CTTAAAA

>Sequence 300

GGTACCCCACTGCAGCCAGGACCAGAATGCTATCACTCTCATGAATGAAA

Table 4



TCATTCAGAGCATAGCTGCATCGGGGGCATGACCAGCACTTATCCCTCTC
CCTGACCGCATTCCCTGGACCTGTCCTGCTCAACCCACTTGATCGAGGTT
AATGCAAGGCCATCTTTTCTCCTGAAGACAGTCACTCTCCTTTGGGCACA
TTTAAAATTAAAGCACCTATCACGAATGCAAGTTCCAGAGGCCCCTTGGC
CCATTCCGTCACAGTTGTAATAGTAACGGGTCTTCTTTTCTTACAGAGTA
CTTGAGTGACCCCTTATCCTGGTTGCCTTTTAAAATCTTAAATAACTTAT
TTCAGTATCCTTTTGGGTGGTGCAATTCTTTCCTGGGAAGCACCTGTGAC
AACTTTCCCTCTTCATGGGGTGGAACCATTTGGGCTTAT
>Sequence 301
GGTACATGGGACTACAGGCACGCCCCACCATGCCCAGCTCATTTTTGTAT
TTTTAGTAGAGACAGGGTTTCACCATGTTGGCCAGGATGATCTTGATCTC
TTGACCTCATGATCCGCCCCTCTTGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATCACAA
GCGTGAGCCACCACACCTGGCCCTCTATTTATTCTCTTTAAAGAGAGAGA
AAACTATGAAAGGGCCAAATTATTTAATTAAATCTTTACCTTAACACAAG
GGAAAAAATGGAATTTGCCTAATATAGGTTGATGAAGCATACACAATTGA
ACAGAAAACAATTCACATTTTTATAAAAGGCAAAAATTTGGGGATTTATA
AGCTTTT
>Sequence 302
GGTACTCTACTGTGTCAATAATTATTTCAGTCTCTGCTGCAATTAGTGCT
TAATTACAATACCTGAGCTATAAAAATAAAAGATTTCATTATAGCAAAGT
CACAAATATCGTTTTAGTTCAGTTATCCACATTGTTCATCTAAAATAATA
CATTTTCTTTACATATAACTGTCTTAGACTTGTAATTGAGGATATTTGAT
GAAACAGATCTGTATCTGAAACAGCACTATGATGCTAAACATTTGCATAA
GGAATGAANAANGTTAGCAACCTAGTTTTTTCAATATTCAGATATTTGAG
AATACACAGAAAAACTACATCCAGATGAATGACTGAATTATTCACTTTTC
TTCTGAGCATTTTGGCATGGGATAGACACAGCATTCAAGTTTAATGCATT
TTAGGAACAGGTTCAGTCTACATATTTAACGCACATTAAAAAACCACAAA
GCCCAAAGAAATTTCTAATTTGGAAACATATTCATCAAATACATAGCATT
GATTACTATTTTAAAATAACTTTGGAGACATACAATTGGTGGTTCTGGTT
TGACCTGNCCGGGCGGACCGTCGAAAGGGCC
>Sequence 303
GGTACCCCACTGCAGCCAGGACCAGAATGCTATCACTCTCAGGAATGAAA
TCATTCAGAGCATAGCTGCATCGGGGGCATGACCAGCACTATCCTCTCCC
TGACCGCATTCCCTGACCTGGCTGCACAACCCACTTGATCGAGGTTAATG
CAAGCCATCTTTCTCCTGAAGACAGTCACTCCCTTTGGGCACATTTAAAT
TAAAGCACCTATCAGAATACAAGTCCAGAGGCCCTGGCCCATCCGTCACA
GTGTATAGAACGGTCTCTTTCTACAGAGTAAGAGTGACCCTATCCTGGTG
CCTTTAAATCTAAAAACTATTCAGTTCCTTTGGTGGGCAATCTTN
>Sequence 304
ACAAAGCCAGTGAGGGAAAAACTCTATGAGCAACTCTTAAAGTGAAAAAT
CTCATCAATACACAACTGAGTATACTGCCATTGATCAACTGCTCTTAAAA
TACTTAGATAAAAATCACCGCTGTAGGAAAAAGCAAAACAAAATAATGAT
TGAAGCGTGTTTTGCTCTGGGATGCTTACATTTGACGATTCCTGTCATAC
GCTGTGTAAGTTCATACCTAGTGCTCAATCGTATTTCATTACCAGACTGC
TGTATAATTAGAGGGAAAAAGAAAATTCATTTGAACAAACCACTTTCACA
GATAAACCACAGGATTCCACACTTGGCTCTGTTTAACTCACACTTCACTG
AACACTCATA
>Sequence 305
ACAGTGAAAAGAGCCAAGGCTGTGTGACCCCCTCATCACTTAGCCAGGCG
TATGGTCCTGGTTTCTGAGGCTGCCAGAAAGCATCTTACCAATTTGTGTT
TGGATGGTCCATGCCTGACTATTCTAGGCTGGAGGTTCCTAAAGAGTAAC
AAGAGGAAGAGAAACAAGAATCTCTGACACTTGTTGAGAATAGAGCACAG
TCCCATTTGTTTGAAAAGAGACACCAGGCAGCCATGTTTATGTGCCAGAA
ATGCATTCCACCTCAAGGAGGACTTAATTTATGGACCCGTGTGTGCTAGG
CTGAGCTGGGCAAGATCTTTCTCAGGACAAACTCTGCCATGCAGCTAA
>Sequence 306

Table 4



CCCTTAGCGGGGTCGCGGCCGAGGTACCCCAGTGGACTCTATCAACAGGC
ATTGAGCAATAGGCACACGGTAAACGGCAGCTGTTGTTATTGGTTTGCAA
GGCCTTTTATTAATTTTACCATAAACCACAAGATGGAAAAGACAACTAAT
ACAGACACAGTTAAGTTCCAGAAGACTTCTGGACTTCAAATGATGGACTA
AAACCAGCATAAATTTACATAAAAAGAAACGAAATACCTACATATTTTCA
TAACTCAATGAGCCTAATGCATGATAGAAGGGACTTGTTTTTATGGCAAT
TAATATGAGGAAGAGCAGGGAGTTTTTTGCTGAGAACAAGATCAGTGTGA
GTCAGTGGGATGGCCTTGTTACTTAAAGAAAACATAGGCTGCATTATN
>Sequence 307
GGTACCTAAACAGGCCAAATGTTGCCTTTGGGGTTCCTGTTTCAACAGCA
TGGTGTGAAGCGCTGCATCAACCTTCTCTGCCTCATCCTGCAAGGTGGCA
AATTCCTCAAGAATATGACCAAGCTTATCTCTCTGTCGAGCCCTGTTATG
TCCATGGATCTGAATAAGACTACAGAATGGCCGAACACAGTGAGTAACAA
AGGAGTCGATACAGTCCTTAGCCTGGTGATTATTATATAGGTAGCACTTG
GGGGAAAGCACCGGAGGACTGACAAAAGACCGAAGTGCATCTTTCACCAT
GTCTTGCATGAGATGAGTTCCAAAGACCTTTTTGTTATCCACCGGAAAGT
GGTTTG
>Sequence 308
CCCTTAGCGTGGTTTCGGCCGAGGTACCAGCTGGAGACTGGCCTTACCCG
CCACCCCGAGGAGAAGCCTGTGAGGAAGGACAAGCGGGATGAGTTGGTGG
AAGCCATTGAATCAGCCTTGGAGACCCTGAACAATCCTGCAGAGAACAGC
CCCAATCACCGTCCTTACACGGCCTCTGATTTCATAGAAGGGATCTACCG
AACAGAAAGGGACAAAGGGACATTGTATGAGCTCACCTTCAAGGGGACCA
CAAACACGAATTCAAACGGCTCATCTTATTTCGACCATTCGGCCCCATCA
TGAAAGTGAAAAATGAAAAGCTCAACATGGCCAACACGCTTATCAATGTT
ATCGTGCCTCTAACAAAAAGGGT
>Sequence 309
GGTACAGTGAAAAGAGCCAAGGCTGTGTGACCCCCTCATCACTTAGCCAG
GCGTATGGTCCTGGTTTCTGAGGCTGCCAGAAAGCATCTTAGCAATTTGT
GTTTGGATGGTCCATGCCTGACTATTCTAGGCTGGAGGTTCCTAAAGAGT
AACAAGAGGAAGAGAAACAAGAATCTCTGACACTTGTTGAGAATAGAGCA
CAGTCCCATTTGTTTGAAAAGAGACACCAGGTAGCCATGTTTATGTGCCA
GAAATGCATTCCACCTCAAGGAGGACTTAATTTATGGACCCGTGTGTGCC
AGGCTGAGCTGGGCAAGATCTTTCTCAGGACAAACTCTGCCATGCGGCTA
AAAGCCTGGAAACTAAAGGATTTCATGTAGTAAACTATCTTCCAACCCCT
GTAAGCATCAGACCACAGGATGAGGTTTCAGAAGGTCATAAGGCAAAATA
GGTAAGCCTACAGGGCTTACAGTCTGACAGACCTGGGTTCAATTTTTGGG
TCTTTATCACTAGTTTCGTTACTTCAGGAAGATGACTCCACGAACCATAG
TGAGCCTCAGTATCTTCTATGTAAATGAAGTAATACTATTTACTTCACCA
GGCTGGGAAAGGATAT
>Sequence 310
GGTACTTTAATTAGTTAATAGAAACCACTGTAAATGAGTTATCTATCTCC
AGAACATTCTCAGAGAATTTACACGAACTAAAACAGGAATGAAGTGCTCT
CAGAGACTTTTTTTTCAGGGAAATGTATTTAGTAGTTTGAGTAGTTGATC
TGCAAAAACTTTAACTTTAATTAACTACATAGATGAATATTTTTTATTTT
GAAATTTGAGAATGTCCTAAGAGGATGTCTACAGGATATGAAACTACTGG
GTGCAGGAAAATTTTTTAAATGTTAGCAAATTGTGGCAAGAGGAAAACAA
ACAGTGGAGAAAACTGTGGTAGAGAAAGTAAAGAAAGGGCAGGAGAAAGC
TGTAATTA
>Sequence 311
ACCCTAGTCCTATCTTAGTGGTGTCAGGTGCAAAGTCACTCATTCTGAGA
AATTTTACTTCTGTAGCCATTCAGATTAAATTTTTTAAAATAGGGAGTTG
AACTCAGCTTGAAATTGAAGGCTTCCTATAATCTGATCCTAATGCATCTT
CTCTGAGCTTTGCTTCTGGCAATTCACATTATATTATCTATATGAGTAAG
CCAAACTTGTCTATTCATTATTCCAGGAATAAGTGATATACTCGTGTACC
TCAATTAATTTTAATGCAAACCTCTCTCCCTTCTACTTACGGAAATTATA

Table 4



ATGGGTTTTTAGGGTTCATAATTCTATTTCCATTAGGCTTCAGAGTCTGA
TAATGCTTCACAGAGATACACCTTTACCC
>Sequence 312
GGTACTTGTAGTCTTTTAATAACCATAGAAAGCACTAAAAGTAATTTTAA
AAGCCTGGAAAGTTAAATGAAAACTGATATTATATACAATTAATTTAAAA
TTATAGTTTTACTCTGTTTATTTACAAATTTGCTAGATAAAACATAATCT
CAGAAAAAAAAGTGTTTCTTTTTGTTGCTTCTGCACTATAGTAAATATCTA
GATATCTATAACAGGCATATAATATAGTTTATATATAGGGAATTCTAGTG
AAGAATATAGCAGTTATAGAAATATATATGGAGAGAAATCTTATAAAATG
GTTATGTTCTAAGTATTCATAATGAATTCCTATAAATTTTATTGCAGGAA
AAAAACATTGAAAAGTGGTAGTGGTGTG
>Sequence 313
GGTACTGGAAGAGTTTTTGAAGATTGAATATTGATACTTAAATTATTTCT
GAAGCTCTTCAATAAAGTTTTCTAATTATAAAAACTCCACATAATTTGGT
TCAAGCCAAGAAACAAAGTCATTTTACTCTAAGATTTATTCTCTAAATAT
AGTAATGAGATCTGTAAAGTCTGTGTTTTGCTAATTAAAAGAGTAAATCT
GCGTATTTTCTGCAGACTGCTTTCTTTGAATCTGTTTCTAAACCACAACT
TGATAAGTTTTTATGGGTAACTGGGAATATGGTCAACACTGAGTTTTCCA
AGGGTTCCATCCAGGAGTATTTCATTTTAGGATGCTGTTTGGACACAGGG
TTTG
>Sequence 314
CCCTTACCGTGGTCACGGCCGAGGTACATGGGACTACAGGCACGCCCCAC
CATGCCCAGCTCATTTTTGTATTTTTAGTAGAGACAGGGTTTCACCATGT
TGGCCAGGATGATCTTGATCTCTTGACCCCATGATCCGCCCGTCTTGGCC
TCCTAAAGTGTTGGGATCACAGGCGTGAGCCACCACTCCTTGGCCCTGTA
TTTATTCTCTTTTAAAGAGAGGAGAAATCTATGAGAGGCCCAAAATTATT
TAATTTTAATTTTTTACCTTAAGCACCATGGGGGAAAAAAAATGGGAATT
TTGGCCTAATTATAGGTTGATGGAAGCCTTTCCACAATGAAATTTGAAAC
AATTCTACATTTTTTTGTAAAAAGGCTAAAAAATTTGAAGACTTTATTAA
GCCTATTATTGGTCGCTTTATTTTTTTGGGTTGGGGGAAGGAAATTTGAC
AGAAAGAAATTTTT
>Sequence 315
ATGCTCCTTAGCGTGTTCGCGGCCGAGGTACAAGGACACTAAGACAGTGT
AGCCTGCTGACTTGAGAATGTTCTGTAAGGACTGGAAACACTAGAATCTT
GAAGAAACGCCTGGCTAGAGGTGAGGGTAAGCTGTTAATTACACTGATTA
CAGTTTGTGCCTCTCAGACTGAGAACTCTTTTCTTCTTGCTGGGGGCATT
GCTATCTCTAGGATGTTAGCCCTGAAGTCCTGATAGTCTCTTTGGGGTTG
TAATAAATGGCCAAAAAATTTGTTGGGGGGTTACAAAAGGCGTTAATAAG
CCCCTTTTGTTTGGGAAAAAAACATTGTTTAAAAAGGGGGGGGAAAGGAA
ATTTTTTTTTGCTTGGGGGAAAAAAACCTTTTTAAAAAAAATTTTTTTGG
TGGTGGAAATTGGGCAAAAAAG
>Sequence 316
GGTACCCGAAAAGAAAGGAAGCTTTAGTAATGAAAGGATTGCTGCCAAAA
TCCTGTTTCCCCCTTGCAGATCTTACAGAAAGCAGCCACAGAATCCCAAG
GCATCAGCACCAAGAGAGCCTGTAGAAACTATCTGGTCTAAGCTCCTGAA
GCCCAGAGATAAGAATGACTTAACCCAAGCTGCACAGCCTCTTAACAGTC
CACTGTTAACCCCAGAAACAGATGCATTTGAATCTGAAAGGAGACAGGAT
TCCTAATCCTACTGCTCAGGGACTTGG
>Sequence 317
ACCCGAAAAGAAAGGAAGCTTTAGTAATGAAAGGATTGCTGCCAAAATCC
TGTTTCCCCCTTGCAGATCTTACAGAAAACAGCACAGNAATCCCAAGGCA
TCAGCACCAAGAGAGCCTGTAGAAACTATCTGGTCTAAGCTCCTGAAGCC
CAGAGATAAGAATGACTTAGCCCAAGCTGCACAGCCTCTTAACAGTCCAC
TGTTAACCCCAGAAACAGATGCATTTGAATCTGAAAGGAGACAGGAATCC
TAATCCTACTGCTCAGGGACTTGCTGATTTACTTTGCTGTCTATTGGCCT
TTCTGTGACATGATTTTCTACCAAGCAAAGTCTTTTATTCAAGTCTCCCA

Table 4



GAGATTTCCTATTTAAGCGTTTGCTATTTGGCCACTTAAAAAAGACAGAA
GAGAAGTAAACAGAAGCATATACCACACAACCCAATCCAGTCAGTAGTTG
ACTCTCAAGATGGCCGATGTCACTGAGATGGCTGAGAAAAANGAACCGAT
GTGGAGAAAAGAGTGGCAGTGGAAGTAGCTTGTTTGTCTACCTGCTGGAT
ACCTGGGAAGCCAGACTTTGTGGTGACAGTGATCCCTATCTTAAGAAACT
TTCCTGTGCTGGCATCAGAGCCAAGGAGAACTGCTTTTCACCTTGAGAAA
TCCTCTTTTTGGTTCTTAAGGACCCCGGCCGCGAACACCTTAGGGGAAAT
TCACAAATGGCGGCCGTACTAGGGATCTCACTCGGGCCAAATTGCGGAAC
AAGGGCAAACTGGTTCTGGGGAAAAGTAATCCCCACAATCCCT
>Sequence 318
ACAGAGAGGGGCTCGCTGCGCTGGGTAGAGGAAGCAGAAAGTTTGCTGAA
CTCAGACGGAAGAAAAAGGATTCCTCTGGAGAATCCCAGCAAGGTTTCTG
ATTGGACAATGGGTCCATGTCCTTGTGAAGTACTCCTCCTCCTGAACCTG
CCCTGCTCTGTGACTTGCTTTTGACCACCAGCATGCTGCAGAAGTGATGC
CAGTGTGAACTTCTGAGCCGGGTCATAAGGAAGCCTTGCGGTGCGGCCTG
GGTTCTTCAGGAAATGCTTGTTTGAGGAAAACCACTGTTCATGTAAGAAG
TTATGGCTACCCTGAGACTGTCATGGTGTGAAGACTTCTAAATGAAGTCA
CATGTGGATGGCCACCATATTCAAGCTCTTAATTCTTC
>Sequence 319
ACACCACCATACCTGGCTAATTTTTATTTTTCATAGAAACAATCTCCTTA
TGTTGCCCAGGCTTAAAACTTTTTAAGAAGTTTCTCCTCTTTTTCTTTGC
ATGCCTGGCTGGCAACTGCTCTTCTAGGGAACCTGTTTACTGGCAATGGC
TTTCCCCTTTTTAATTTTGTAATCTTATTTTTGGAAATGAGCATTTCAAA
AATTTAGGTTAGATTTGAACTTTAGGTTAACAAATATAACATATAAGCTA
ACAACATAAGGTCTTAAGTACTTAAAGGGTATAAAAAAGAATGCTTCAAC
CCTTTTGGAAACAATCCCACTAAGGAGTTTTTTGTATTAAAAAGGGGTCA
ATTTCCTTGTTGTCCATGAAATTAAAGATGAAGAAGTAACACTTCGGTTC
GGCGAACCAACGTCTTAAAGGGCGTAATTTTCCAATCACCAACTGGGCGT
GCACGT
>Sequence 320
GGTACTGTTTTGATAGGCAGCTGGCTGGTGTAGAAAAACCAGTTAGCCAT
AGAACTGACATCACGCAGAGAGCCCCGACTCCCTGATTAGCCCACCCCAA
CTCAAAATCTGACTCCAGGGATGTTTTGTTGAAAATGTTATTTCTCTAAA
ACAGTATTTCTTTTCCTCTCCTGGGGGACTAGGAGGGCAGGAGACAATGA
GGAGCAGGCCTGGGCCCCTGGTTCCAACATCAAGAGTGACAGGGTGGTCT
CAGGGATGTCCTGTGAGGGCAGCCTGAGCCACTAAACAGGTCCAGTAGAG
ATGGTATTTTATCTTTAAAAAATCTGTATTG
>Sequence 321
ACTAAAAACGTGAAATTTCCTCATCACTGAAAACACGCTCATCTGAAATC
TCTGTAAAAAAGGATTTGGCTGTTGAAACTTGTTATCAATGCCTCTTCTC
GTAGCCACCATGACAATAAATTTGGCTAAACATTTAAATTTACCCTCAGT
TTTGGTTTTCCTTTAAAAAAATATGTAAACAAATGAACAGGAAATCTCTG
CTTGTAAGAAAAATCTGAATATAACAGGGGAAGGTCAGCAGACGGTCACC
GGGGAAAGCATCCAGGCATCTTGTCGCCTCGCTGGGCTGGCCGGGGCTCA
GTCACTATCTGACTCCTCCTTGTACC
>Sequence 322
GGTACTTTGAACGATAGCAACCCTTCTTTGTGTAACTCTGAAGCTGAAAA
TATTGAGCCTTCAGTTATGAAGATTTCTTCAAATAGCTTTATGAATGTGC
ATTTGGAATCAAAACCAGTTATATGTGATAGTAGAAATTTGACAGATCAC
TCAAAATTTGCATGTGAAGAATATAAGCAGAGCATCGGTAGCACTAGTTC
AGCTTCTGTTAATCATTTTGATGATTTATATCAACCTATTGNGAGTTCAG
GTATTGCTTCATCTCTTCAGAGTCTTCCACCAGGAATAAAGGTGGACAGT
CTAACTCTCTTGAAATGCGGAGAGAACACATCTCCAGTTCTGGATGCAGT
GCTAAAGAGTAAAAAAAGTTCAGAGTTTTTAAAGCATGCAGGGAAAGAAA
CAATAGTAGAAGTAGGTAGTGACCTTTCTGATTCCGGAAAAGGATTTGCT
TCCAGGAGGACAGGCCGTAATATGGGTTATTCTGGGAAATTTTTGCAAGA

Table 4



GGCTTAAGAAGAAGGGGATCCCTATGGCCTGAAAGAAGAAGAAGACCCGA
AATTTCTTATATTGAAAAAGAAGAAGGAGGCCTGGTCCTTACTTCTGATA
ACTACAAAGTGGATTTTCTTCTTGGAGTTGGAATTTAACCTTGAAAACCG
GGTTGGGGAACTTAACCTTAAAATGGGACGTGAGGGTATTGCCCCAAAAT
TGGGTTAAAGTAAGGAAATATTTTGGGTTTTTGAAAGTCAAATGATAAAG
GTGTCAAA
>Sequence 323
ACTACGAGATGCACTGGGACTCAACGTGACCTTATCAAGTGAGCAGGCTT
GGTGCATTTGACACTTCATGATATCAGCCAAAGTGGAACTAAAAACAGCT
CCTGGAAGAGGACTATGACATCATCAGGTTGGGAGTCTCCAGGGACAGCG
GACCCTTTGGAAAAGGACTAGAAAGTGTGAAATCTATTAGTCTTCGATAT
GAAATCCTCTGTCTCCGTAAAAGCATTTCATATTTACAAGACACAGGCCT
ACTCCTAGGGCAGCAAAAAGTGGCAACAGGCAAGCAGAGGGAAAAGAGAT
CATGAGGCATTTCAGAGTGCACTGGCTTTTCATATATTTCTCAATGCCGT
ATGTTTGGTTTTATTTTGGCCAAAGCATAACAATCTGCTC
>Sequence 324
ACGTTCCCTTCCCATATGTCATAAACCAATGTATTTTAAAGAAAGCAAAA
GCTAAGTATTTGAAAACGTTATCTTTCTTCTAACACTTGCTGTGAAAAGG
GAGTAAATTCAGGCAAGCTAGTTGAAAACATTCTTTAAAATGGCCAGTAA
AAGCAAAACTCTTTGTGCTATACGGAACACTCGGGAGTATTACAAAACCA
GGGAGGGAGTAAAAGAATGGCCATTTCTCTATAACCAAATTGAAGACAGT
AAAGTAGAAAATGTAATTTCCATTGTGCACCAAATACTCAGAACACAAAT
TAAAGCAAAAACAAAATGGATGTGCACACCAAAACAAAGGTTTTTCTGTA
GCATTTATATGAAGAGCATGTGTAAAACATTCTCAATCTGCCCCTCTGAA
TGGATTATGAAAGATCAGTATGTACC
>Sequence 325
ACACATACCCCATCTTTGGGCAAGCCCTAAACTATTACAGGTTCCCATAC
AACTCCTTCCCCAGTAGGTAAATTTAGAACTTATGAATAAGGAAAATAAG
TCTCTAGCTTCTGCTTTTACTGAAGGAAGCCAAACATAGCCGCTAATACT
ATTCACTCCTTATTTCAAAGAGTGAATTGAAAAAGAAAATAAGTTATTTA
CTCCATTGCTATACTCTGAACTTCTATAAATGGGTGCTAGAAAATCTTAA
TACATTAGTATTTAGCCATACTTTGTATTTATTTAATATGAACTGAACAC
ATCTTGCAAGCATTCTCCCTCTCTAGCTCACTTTGGCATTTGGAGTGTAA
TAAT
>Sequence 326
GGTACCCACAGCATTGGCTGTTCTTCATAGGAGACTCAGAGAAGACTTCA
TAGGAGACTCATTATTGTTTACTGGACATCAGGTGCTATATTGTATAGCA
TTCACATTCCACAGGTGAGGAAACAGGCTCAGAGGAATAAGTGGCATGCC
AAGATCACTGAGTATATCAGTAGCAGAATTAGGATTCAGACTTTGTTAGG
CCTAACTCCAAAGCCCTGGCTTTTTTTTTTTTTTTTGAGATGGAATCTTA
CTCTGTCACCGGGCTGGAGTGCAGTGGCATGATCTCAACTCACTGCAATC
TCTGCCTCCTGGGTTCAAGAGATTCCCCTGCCTTAGCCTCCTGAGTAGCT
GGGACTACCGGCATGCACCACCACGCCCAGG
>Sequence 327
GGTACCCTCTATCTCTACTTCACCTCAATGTCTTTCACCCTCCAATTTTA
AGGTGAAAATATCTAGGCTTCTGCCCTCTGCAACTGATTTCTATTGAGGG
CCTATGGAGGTAAAATGACAATAATCATTGAATCTAGAAAGAAAAAGCAT
CAAGCACAATTTACACGAACAATAGTTTCAGTTGACATTTAACTGAATGC
TTCTAACTTATTTAATCTTATTAGATAGGCAGTGTTTTAATCAATTTACA
GATGGAGAAACCAGGGATGGTGCAACTTGCAAGTGGCAGAGCCCTGTTTA
TCTCCAAAGTTCCTGTTCCTCTGAGATGAAGTTATAGATTAACCTAAGTT
TGTCCTTTCTTGATGTAACCAACTAATATCTTTGAG
>Sequence 328
GGTACAAGGACACTAAGACAGTGTAGCCTGCTGACTTGAGAATGTTCTGT
AAGGACTGGAAACACTAGAATCTTGAAGAAACGCCTGGCTAGAGGTGAGG
GTAAGCTGTTAATTACACTGATTACAGTTTGTGCCTCTCAGACTGAGAAC

Table 4



TCTTTTCTTCTTGCTGGGGGCATTGCTATCTCTAGGATGTTTGCCCTGAA
GTCCTGATAGTCTCTTTGGGGTTTTAATAAATGGCCGAAAAAATTGTTGT
GGGGTTTCAACAGGCGTTCATAGGCACCCTTGCTTGGCAATATAACATGG
CTTTTGATGTTTGGGTGTTGGAAGGGATCTTTGGAGTGCTGAGAGGGACT
CAGTCTTTTTCC
>Sequence 329
ACCCTAATAAAGTAATCAATAGAAGCCTGGATTGTTGTTGGAAAAAGTAA
GGTAGGACCAAGAAACGGAAACCACCAAATTGCCAAGCAAAGCAGTATGA
TAACACTAAAGGATATAACACAAGTCTGCCCTTCTGCATTCATTTAGTGT
CAGTTATAATTTCTTCCAAAGGAGACCTTGAATTTTTTAATTATGTTCTC
AAATTACAACATTTGAAATGGTAACTCTAGTTGAATACTCCTTCTTCTAG
GGCGTTGTATCTTCTAAGAAATGTCCCCCATTCCAGCTCTGTACGCGGGG
GAACAAAATGAAAATGGTCCCATCTTCAGTGAAGATACATCTAAACTGTA
TGCTTTGAAAT
>Sequence 330
ACGCGGGGACAGCCATGAACAGCACACTGAGGAGGACACAAAAGAAGTAG
ACAGAATCTCTGCCTCTGCTTAGGAGTATGCAATTTTAATTGGGGGGCGA
ACAAAACTTAAAATGCTTAGAACCAATAAAAAGGAAGATTTACAAAGGCA
ACTTCGCAAAATTTCTGGAACAAATCAGGGAAGTTCCCAAGCCCCCCAAT
GAATCCTGGCCAAGAAATTCCTTCCAGGGTTAACCTTTGAAGGAATAGTT
TTTTGTAAAAATTCTTGGAGGTTCTTCAAATGTTATTCAGAAACTTTGTT
AAAGAGTTATCCCAGAAACGGCCCATTAACCCCCAGGGGAAACTGGGAGT
TCAACCTTTCCCCAATTTGGGAGAAAATTCCCAAAGCCAAACCATTACTA
TTCATGGACATGGAAACTCGGGGG
>Sequence 331
ACGATCTTGGCTCACTGCAACCTCTCCCTCCCGGGTTCAAGTGATTCTCG
TGCCTCAGCCTCTTGAGTAGCTGGGATTACAGGCGCGTGCCACTGCGTCC
GGCTAATTTTTGTATTTTTAGTAGAGATGGGGTTTCACCATGTTGGCCAG
GCTGATCTCAAACTTCCTGACCTCATGTGGTTCCACCCCACCTTGTGCCT
TCCCAAAAGTGCTGGGGATTACAGGCGTTGAGCCCAACCGGCGCTCAAGC
CTAACAAGCCAATTTTTTTTAAAAAAAACTGAACACCCTAATTACTGGAT
AAAAATTTCTTTTGGTTTAAAAAATCCTTTTTTAACTTATTTTTTAAAAG
AATAAGTATTTAAGTTTTTTTTTTTTAAATTCCCAATAAGTTTCGGGTTT
ATTGGGATAAAAATTTTAAAGGCCTTTTTTCAATT
>Sequence 332
ACGTCTACTGTAAAACCCCATCCGAGGCACAAGCAGAGACAGATGTAAAC
CCTTTTCCTCCAGAGTCACGCACATACTCGTCATCGCATTACTTGGNAAG
AATGGTTGTATCTTAATGGAAAGGAATTTATCACAATCAAGGGAGGTCAT
GGGAAAAGTTAACTTGGAAAGCAAAACGCCCCCTAAAAGTTTCCCCATTC
ACGTTTTCAAGTGTAAAATGGATTAACTTATTAGAAGAACATTTGGCGTA
ATTCTTAATTTTCCCAAAAACGGTTTCCAACTTAAAAAAAACATTTTTTC
CCTAATTAAAAATAAGAACCCTTTCCAAATATAAATAAAATTTTAATTAT
TGAAACGGTTACCCATAAAATTGTAACCTTTTTTTTTTAAAAAAGGGCCC
AAATTCCCACAAGGGGAAATTAGGGAACAACAGAACCCCTATTCAGTCT
>Sequence 333
TTTTTGAAAAATTCGCCTTTTCAAGCGGCCGCCCGGCCAGGTACTNNNNA
TTTTTTTTATTTTTATTTAGGGGTCTTTGTAAATTCTTTATTGCCAGGAA
TGGAACCCTAAAGTGGCTCAAAAAAAGTGCCCTATTTTTTTTTAATTTAA
CTACAAAGGACAAAACACATTTTTAAAAGTTGAGATAAGTTGACCCTTTA
TTGATTTTGCCAAAAATTTCTAAAAGCGCACTTCACCCATGAAAATGGGA
TATAAGGTTTACCTTTTGGGGGAATTTTGCACTTGCAATGAAATTTCTTG
TGAAAAAGCCTTTGTTGGGATTATTGGTTGATTAGAATATTAGAAGAAAA
TGAAAGTCATATTTATATTAAAGAATTACTATGGAGGGTTTCCCCCTTGC
CTTTTGCTTTTCACAATTCCACAAGGCTTTACAAAAACGTTGCTCNCCAA
TAAAACAATTTCCCTTTTTGTGGGCTTTTTTTGCATTTTTAATTATTT
>Sequence 334

Table 4



GGTACCACTCCCCTCACTTTCCAAAGAGAAGTAATTCCCAGCTAGGACCT
TCCCTTGCTGGGAGGGGNGCCCAGGTGTGGCCTCTCTGTGACCTTGGACC
CTGGCTTCGGCATATGCCAGCCTGGCCTTTCCCCAGGGTAGGGAGCTGGC
ACCCTGGGCATTCCCCGGCCAGCATCCAGCCTTCTTGGGCAGGGCCTTTC
CACACCATTCCTCCCAAATCCTCACTGGCCCACCCTGGAACAAATGCAGG
CGGAAGCTCGCATCCCCACCTCTGCTGTTTCTGCTGGGTCCCCAAAGAGC
TTTCTTTAGGGAAAAAGAAAGCAGGCCAGTGCCTGCTTCTTTTAGACCCC
CCAGTGGGGCATGGGGTGGGCCTTGGTTGGCCTTAATTTTCCAT
>Sequence 335
GGTACACTGACTTATGTGAAATACAATATAATATTTTACCAGTTTAATGA
ATGATCAGTTGGAAGTGGGAGCCCCTTTGCAAATCACTTAAATTAGAAGT
GATTTGCAACGCTTAGGTTAAGGAGAAGAGCGGGCTGTGTCATTAATGCA
GGAACTTAGGGTATCCAGCGGGGTCCAGTCAGGAGACAGAAACCACACAT
GATTCAATCAGAGAAAGTCTGATGTGAAGAATTCTTAGTTGGGGATTGGG
TTATAAGAAGTAATGATATGTGAATTATATCTCAATAAAGCTGTTATCTT
TAAAAAAATAAATAAAAAAGAAATAAAGAGGACCCTGAAGAATATAGGAG
CCAGGAACAGTGGCTCACGCCCATAATCCCAGCACTTTGGGAGGCTGAGA
CAGGAGGATTGTTTGAGACCAGGAATTCCAGACCAGCCTGTGCAACACAT
AGAAACCCCATCTCGCAAANNANNAAATNNTNNANAAAAAAAGGTTATCT
GCGTTGTTACCACTGCTTACCCGGGGAGAGACCGGTGCGGCGCGGGTCCT
TCATATGCTGAGCGCCGGTCCCCTGGGCCCACTTTTCTTTCTCTATACTT
TGGCTCTGGGGCCTTTCTTTTCTCAAGCCTTTCGTCCAACTGAGGAGAAA
TGCCCACAGCTGTGGAGGCGCAAGCCACTTCAATTTGTGCCCAAAGGGGT
TGCTTTCTCTAGGGTGAA
>Sequence 336
GGTACCACAGTTTGCTTAACCATTCACTTTTTGAAGGACATCTGGATTGT
TTCCAGTTACTGACTACTATAATTAAAACTACTACACATATTTTTGGGTA
ACCTTTTGGGTGGGCATAAGTTCCGTTTCTGTGGGATAAATGCCCAGGTC
TCCAGGTTCCTTATTTGGCCTCTGTTGACTCTCAAGTTGTAGCAGGGAGT
CTGTCTCCAACTGCTAGGGTTGGGACTTCCAACTCCACACGAGGTGTCTG
CTGGTAACTCACTGACTGCGATGGATATGAGTGCCTTGTCATGGCTCCCT
AAATGGCCTCTACTAATAATACCACCACAACTACCAACACTACTAAAGTC
ATGTGGACTCTGCTAACAGTAAGGTGGACTCCTTACCACCCAGTGAGAAT
GAAACTACCAATTCCTTACTCAGCTTTCCCAGACGTTACCCTGGAAGGAA
GGGTGAGTGCCTTGCCACAGTCAGGCATGAGTGGAAAGCTTGGCTTCCCC
ACTTGGCTTTTGCCATGGGTGGGGTAGAGCCACAGTTTTTTTGTTATTGT
TGTTGTGGCTGGCTGGAGTAAAGCTGTTATTGTCTAAAAGTTTTCTGTCT
TACTAGTCTTCTCAAGACTGTCTTGGATTTTTGGCTAGAGAGAACAGGCT
TTTGTTGGAGATTGTTTATTGTTTTTCAGTGTCCATTGGACCTGCCCGGC
GGGCGCTCGAAAGGCGAATCTCA
>Sequence 337
ACTGCCCTCCTTATTTCAGCGCTGTCATTCTGATCACTCTAGGACCGGTT
GAGACTTTTTCGTGAACAGTTTCCTACCTTTTTAGGCAACCATCTGTAAG
ACAAGGTAGAATGCTACCATAACCATGATTAACATTTGCAAACACTCTGC
CACAGTGCAGCCGCTTTCTTTGTCTCCAGCTGAAGAAATTGAGGTGCACA
GAGGTTAAATTTGATGCTCAAAGCAATACAACTAGAAAATATAGGAGGCT
GGGCTGCCTGATTGATTCCCAGCTTAGAGATTGAAAGTCACATGCGAAGC
GCTTTAGCAGATAGAGAAGGGGGAGTCATACTCCAGCGTGCATTTTAGTT
TGTGCCTTTTCTGTCCTTGAATAG
>Sequence 338
ACCTTCCAGGATACTACTCCCTTATCTACAAGCAATCCAAATGACTAAGG
GATAATTTCCAAACACTTCTGCTTGTTAACCCCTCCTCTCCAGTGCTGAA
AAACTCAAGACAAGTAAAAGACACATTTTTAATTAACATTTGGAAGATGG
CTTTTGTTAGTTAATAGCAATTGTTAACTCTCAAAATAAACAGGAAATAG
TGCCACTTAGCAAGTTGGATGTTCCAAACCCAAAAGTAATGGGCCTTAAG
AAATCCAAGTACTCAGTGCAGCAAAGAAAGACTACAGACATCTTAATGGC

Table 4



AGGGGGTGAAGAATAAGAAAGGCTGCTGACTTTACT
>Sequence 339
GGTACTTGATACCATGCCTAGTGCATAGTTGGTGCCCAATTAATACATGA
TTGGATTATAGCATAATCACTGATCACTACATTTAAAGCAGTCCAATAGT
GGAACAGGCTGCCTCACAAATAGTGAGCTCTCGTTTCCTCTACACAGATT
CTACTATGGGCCAGGATCTCAGCCAAGCAGTGGAGCCAGAGGCTGGACAG
ACACAAGCAGAGATTTTGGAAAAAGACTGAGTCCCTCTCAGCACTTCAAA
GATCCCTTCCAACACCCAAACATCAAAAGCCATGTTATATTGCCAAGCAA
GGGTGCCTATGAACGCCTGTTGAAACCCCACAACAATTTTTTCAGCCATT
TATTAAACCCCCAAGAAG
>Sequence 340
GGTACCAGGAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAAACTGAAAACCCATCACC
TCCTTCCCACTGCTATAGCAGCGTTGGCCCTGGGGTTCATTATCTAGCCA
GTTCACACCTTCTTAAAGGGGGGCTCTGAAAATGTCTTACTTCCCTCACA
GACAAAGCAATTCTCAAGCCTCCTGAGATCACCCACCAACCAGAGCAACT
GCTGTCACTTGGAGGTGCAGCTGAATTCTTCTAATTGTGACACAAACTCT
TGAAACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAACACTCAGAAGGT
TTTACAAGTAAAAGTAAGTCAAATCAATAGGTCTTTATTTCATATCTGTA
ATGGTTTAACTCTGC
>Sequence 341
ACGCGGGATTATTGAAGTGACAGAAATGTTGCATAATGCCAGTTTACTCA
TCGGATGATATTTGAAGAACAACTAAAAAATCTCCGAACGTGGTTTTTTC
CAAGTGGCCCCATAGCCATTCTAATGGAAATTCCCCATCTTGTTCAATCA
AATTTCTGGCCAAATTAACCTTGTTATATTTCCTTTGTGCTTTGGGAGAA
AAAAGTCCTTTAAACCCCCTTGGATTCAACCCCCAGAATGGCAATTGGAA
AAACTATTTTTTACTCTCTCCCAGGCTTTTTTTGTGAAACTTTTCAATTC
AATGGGACCAAAGGGTCCCTAAGTATAATTTTTATCTTGGGAAGGGGAAT
GGAATTTGCAACCTTTTGTTCCCCAACCTTGAAGGAAAAGAAATTTATTA
AAAGGCTTAATTGGGTTGGCCTGGCTAAAAAAAAAACCAGGGTTGCGAACT
TGGTTTTGGGGAATTTAATCAAGATAAGGGTTACTTAAATGGCAAGTATT
GTTTCCTTCTGGAATTTTACCAAAAGTAAAATAATTTTAAT
>Sequence 342
CCCTTAGCGTGGTCGCGGCTGAGGTACTATGTTTTCAATAATGTGCAAAT
ATTTAAACAACTTAAATATAAAATATTCACTTATATTTTTAATGGATGTG
GTATCTCAATCCATTTGTGTCACTCCAGATCACAACATAATTTCTTAAGT
AAGATGCATATTGAGTCATGTAAGTAACACATAAAAAGTTATAAAATAAA
TTGTGATCACACTTGGGCTAAATATAGAATACACTAAATATCTGATGGGC
ATCCACACATTATAGAAATTAGACATTCAACCCTATATAGTAATTTAAAA
ACTACCGN
>Sequence 343
GGTACATGTAAATATACATCATCCCAAGTTAAATTTGATAGGCCTTCCTG
ACAGTAGCCATATAGATAAATAGAAGTTTTCGTTGGTTTAGTGGCAAAAC
TGAATTCTTAATGTAGGTATACAAGTTAAATATGATGGTTAGAAATGAAG
TTTTCTGAAAGTAGTTCGTTGTATGCTCCCTAAAAGAATTAGCTTTATAT
TTATCTTAAGAATATCTCTAAACCTATGCAAAAATATGGCAAATAGTCTT
CTTTCCATTAGTCTAGTTCAACAAAATCTGACTCAGAGACAGTAAAGAAA
GGGCAAGTAGAAGATCTAATGCCAACTAAGAAGATAATTATTTCTGAAAT
ATTTAGTTGAAGATAACTTTCTTTCTTAAGACATTACTGTGGTTATGATG
CACAAGTCAAAGAACATGTGGCATTTCCAAAGAGTA
>Sequence 344
GGTACTTGCAAAGTAATACAGAAACGTGACTTTCGGCAGCCACCCAAGAT
GATGCCTATTTTCAGTGTTGATGTATTCAGGCAGGGAAAAGGTTTACTTG
GTGGAAACTCCTGTTAGAATTTCATTCGGGGTGGAAAGAATCTTCTCGAG
CTCTCTGTAAGTGAGGATCTAAGAATAAAAGGCTCAGCCTAGTCATTTTT
TTCTGTGCCCTACTGTATGAGTTGGGCAGAATTGAGTGCCACCTAAGCCG
GGCTTCTGTGTGCCAAAATGCTGGTGGGTGAAATTAGTGAAATTCTTTCT

Table 4



ATTCATTCCTTTGCCCTTCTCCCAAGAAAACCCATGGGGAAACAAATTAC
AGGGGATGAATTCCTTTAGAACTTTCCCTACTT
>Sequence 345
CCCTTATTTTGGTCGCGGCCGAGGTACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTA
AACCATCAGTAGAAGCAGTTTAGATTTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAG
TAATAACCCTCCAACCACAACCTAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTAG
CAAGAAAACAAAGAAGAAAATAATATTGAAAAAATGGAGATTCCCCAACC
AGTTTCATATTTGAAGGATCTGAGTTGTATTTTTATTAAGGAAATTTTTT
TTCTGAATACTGTCTTCCAAAATGTTAACATTAAAATCTGAATCAGAGGA
CTCTGAATGGAAAAGAAGTTTGATCACTGACACCTAGGGCTCTGAAGCGT
GTGTGGCCACATGGAAAAAGTCAAGGA
>Sequence 346
CCCTTTCGAGCCGGCCGCCCGGCCAGGTACTGAGGCTGTATACAGCCACA
GCCTCTTCCCATCCCTCCAGCCTTATCTGTCATCACCATCAACCCCTCCC
ATGCACCTAAACAAAATCTAACTTGTAATTCCTTGAACATGTTAGGCATA
CATTATTCCTTCTGCCTGAGAAGCTCTTCCTTGTCTCTTAAATCTAGAAT
GGTGTAAAGTTTTGAATAAGTTGACTTATCTTACTTCATGCAAAGAAGGG
ACACATATGAGAATTCATTATCACATGAGACAGCCAAATACTAAAAGTGT
AAATTTGATTATAAGAGTTTTAGATGAATTTTATGAAATGCAAGTATCCC
ACAAGGGAAATGTTTTATGGGGGCCCGTTGGTAAAGCCTGGGATGTGAAG
CAAAGGCCGGGAACCCTTATAGTA
>Sequence 347
AGGTACATATCATTTCCATCTTCCAATGGGCTGCTGCCGATCCTACTAGC
TTATGACTTAGTGCTTCCCACAGGACCTAGTTAAGATGAGCAGTTCTGGA
TACAGCATCACTGGGTCTCAAAGTTCCGTGTCTACCAGGGCCCAGTAGCA
CAGCAGAGGCTGTTTTTCAAAAAGCATATGATCCTCTCCTGTGGTTAGAA
CCACCTTCCTTCAGGGCCCCAGGGACCTGCACTGGGATTCTTTCATTGGG
CCTTGTCATCTATTCCACACTGCATCTTCTTTCCCCCTACCTCCAATACA
TAAGATCTGCCACATCACATAATTCAAGCTGCTAATTTCTTTATATCTGG
CCCTTCTGGTTCTACTTATAATGATTACCCTTTTTTTGTG
>Sequence 348
TGAACATATTTTTTGGGTTGCTGGAGTTCATCTATAAGTCATTTTTGAGG
AATAAGATTTATGTTAAGACTATCAAACACAGTGTTGCCTACAATAGCAA
AAATGTGAAAATAACAACAACAACAAAACAGCAGAGGAATTGTTATGTAT
TTTGTAGTCTATCTATATGATGCCTATTTTTAGGCTTTAAAAAGTCTTCA
AAATCTTTAATGACTGATTTATCTAGTTAAATGCTTAATCCTTAGCAGGC
TCTTATTCTTTAATTAAACGTGCCTTTGAGTAGATGTGAATAAAATAAAA
ACAAGTTTCGAAAAAAAAAAAACTAAAAAAAATTAAATGTACCTTGTACGT
>Sequence 349
AGAAATTTGAAACATCTGGAATCCNCANAGGGTTCGGGGCAAAATCCGGT
GGCGGCCGAGGTACCATTGGTAATAGGAAAATGCAAACCTAGGTGTCTTT
TAACGGAAAAATGAGAATTAGAGTTTAGGAGATTTCAGATCACTGAAGTT
TTAAAAATAATGTGGAATAGTTGGTAAGAACAACTTATTTTATGAAAGCT
GACATCAAAGTCTCACTGGAACATTGTAGAGGAGAGGTTTTCTAGGCATG
TGGAAATGCAGTAAGAGGCATGGGTAAAAGCACCTTTTAGTTTTTAAGGA
ATTAGGTTAAAGAATTAGCTGCATGCTTGAGTGTTTATTTTGGTTATTTC
TGATATGCAGTTCTGAACCTCAGGAATAATTTGTTATCTAACTAAAATAG
TAAGTTTTAAAAATAAAGCTCATTTATATTTTCTTCTAGAATAATAACTG
CTTATTACAGGAAATTTGCAAAATGCAG
>Sequence 350
AGGTACATAGAATATGAACACAGCACACACATGAGAGACGCAAGTGCCAA
ATGCCTTGGCCTGGGCTTCACGTGTCAAGCCCAACACAGTCTTAAGAATA
AGCAGATATGAGAAGGAGATGAGAAGTGAGTCCAGGCCAATGGCGGAGAT
GATGACGATAAGGCCATAGACGACATTGACCCGGATATCATCACAGGCCA
GCTTCATGACATCTTGGTGTAGGCAGTAGGAATGGGAAAGGATATTGGAG
CGGCAGAAGGGCAGCTGCTTGATGAAGACAGGAAGGGGTGCCATCAGTGC

Table 4



AGCCCCCCGCACCACAGCAGCCACACCAATTTTGGTGACACGAGGCAACG
TAAGTACCTGCCCGGGCGGCCGCTCTAGAAC
>Sequence 351
GAGCTCACCGCGGTGGCGGCCGAGGTACCCTGAGGCCTGCCAGTTCCTGC
CTTAATGCATATGTAGTCGTAATTGAGTTCTGACACGGCCTTGGGTGTTT
CTGTCCTAAATAGCTGACATTGCATCTTCAAGACTGTGTGAGTAATCCTG
ATATTTTTTTTTTAAGCTCAGTAAATTAATTACATGCCCTGGGAGGGAGTG
ATTGTAAGTAGAAAATACTGAACTAGCAGATGATTCGTTTTTAAGGTGCT
ATACTATGTGTATCAAGTTCAAGACGATGAATCTTAAAGCTTCTAAGAAC
TGGCAGGGTTATTCCAGCTTTGTGCCCCCGCGTACCTGCCCG
>Sequence 352
GAAAAAATGTTCGACGCATCTACGTATATCGGGCGAATTGTAGCTGCACA
GCTGCGGCGGCCGAGGTACTTTCTTTATTTACTTGTATTTATTTCCTCTA
GTTCTTGAACCCGCGCATCACTTTTTTGGTTTTCCTCATTCCACCACAGC
ATTTAGGTGACCGTTACCATTTATGTTTCATTAAGCTTCACTAGGAATGT
AAGGATAATATTAGAGCATTTGCAGAAAATTGTTATCTCCTTTTGTAGGG
GATTCGAGACATATTTGTAGCTACTTCACGGCTGTAGAGTTAGTGGGTGA
TCGGGTATTCTGCATTGTTCCTTATCCCTTTGTCAGTGACAGACACATTG
ACATAAGAGATTCCTACAGGATTATAAGGAGAGATAAATTATTAACCATT
TTTTTACTTGATCCAACTACTCCATGTCCCATCAACTAGTGGTAACTGAT
GTTGATAGGATTTTTTTTAAGTCCAGTAACTATTCTTGCAGTATA
>Sequence 353
GAATGAGCAATCGTATACCGCGAATTGGATCTCCGGCGAGGTCGCGGCCG
AGGTACATAAAGGTTACCGAGGACAGTTTTGGTGGAATGATGTTGGCAGA
CGCTTCATTGGCATGGGTTCGAGAGAGAAATGAAAGAGGATTGAAGACAG
TGAGTATAGACAGCTCAGGAAGTTTAGCTGTGTAAGTGAACACAGAGATG
AGTGGTCACTAGAAGGAGAGGTGAGCCAAGAGGGAATGATGGGAGAAGTT
ATAATATGTTGATGGTCAAGATAGAATGACTGATTAAAGGGGAATTGCTG
GGGCTCTGTTCCTGAGTAGGCAAGAGCAGGTGAGATAGAAGACATAGGTG
GAGGGATTGGCCCTAAATACATGCGTGGACAGATCCTCCTTATGAAAAAA
AGAAGGCAAAGTGTATGAACTCACACAGTAGTAGGAGAGTATATAGGTGG
TACCTGCCCG
>Sequence 354
CCGGGCAGGTACCAGCTTTATATACCACTTATTAGAGGTTGCCAAGTGTG
ATATCTAGGCCTTAATCTAGAAATTAAGCTAATGAGGCCCTATTTACACA
ATAGACTCCTCTATCCCCCTTTGTCACTTCAGATTTAAGAATTGTCTTGT
TCTATAAATCAGATCTCTTGTGTGTTTTCTGTTCCCGTGACCCGAAGCAG
CTGTTTTCAGACTTTAGCAAGCATCAGAGTCACCTGGAGAGGTTGGTGTA
TCACAGATTGTGGGTCCCACCCTCAGAGTTTCGGAATCAGTAGGTCTGGG
GCGCACCCTGAGAAATCTGCATTTCTTAGAAGTTTTAGGTGATGCTGATA
CTGCTGATTGGGGTTCCACACTTTGAGAAGCACTAGTCTAAAGGACTGTA
TGGCTTGTTGTAGTGAAATGAAAGGAAGC
>Sequence 355
GAAGACGCCTTTACACTACTTAGGGCGACTTGGAGCTCCTTCGCGGTGGC
GGCCGCCCGGGCAGGTACAAGATTTCTTAGGGCGAATCCAATTCCATCAA
TACTTGGGGAAACACAAAAACCTGGTGCAGCTGGAAGGCTGCTGCACTGA
AAAGCTGCCACTCTATATGGTGTTGGAGGATGTGGCCCAGGGGGACCTGC
TCGGCTTTCTCTGGACCTGTCGGCGGGATGTGATGACTATGGATGGTCTT
CTCTATGATCTCACAGAAAAACAAGTATATCACATCGGAAAGCAGGTCCT
TTTGGCGCTGGAATTCCTGCAGGAGAAGCATTTGTTCCATGGNGGATGTG
GCAGCCAGGAATATTCTGATGCAAAGTGATCTCACTGCTAAGCTCTGTGG
ATTAGGCCTGGCTTATGAAGTTTACACCCGAGGGGCCA
>Sequence 356
GCGAGGTACCTACCTTGGCCTGGGGTAACCAAAATGGGGGTGGCTGCTGT
GGTGCGGGGGGCTGCACTGATGGCACCCCTTCCTGTCTTCATCAAGCAGC
TGCCCTTCTGCCGCTCCAATATCCTTTCCCATTCCTACTGCCTACACCAA

Table 4



GATGTCATGAAGCTGGCCTGTGATGATATCCGGGTCAATGTCGTCTATGG
CCTTATCGTCATCATCTCCGCCATTGGCCTGGACTCACTTCTCATCTCCT
TCTCATATCTGCTTATTCTTAAGACTGTGTTGGGCTTGACACGTGAAGCC
CAGGCCAAGGCATTTGGCACTTGCGTCTCTCATGTGTGTGCTGTGTTCAT
ATTCTATGTACCTGCCCG
>Sequence 357
CCGGGCAGGTACGCGGGGACTGGCGTCCGGTGTGCAGGTGGCCACATGGA
TCCTGGCAGCCGGTGGCGGAACCTGCCCAGCGGGCCTAGCCTAAAGCACT
TGACTGACCCCTCTTATGGAATCCCGCGGGAACAGCAAAAGGCAGCGTTG
CAGGAGCTGACGCGGGCGCACGTGGAGTCCTTCAACTACGCTGTGCACGA
GGGTCTCGGCCTCGCGGTGCAGGCTATACCTCCCTTTGAATTTGCTTTCA
AAGATGAGCGTATCTCTTTTACTATTCTGGATGCTGTTATCAGTCCACCT
ACAGTTCCAAAAGGGACCATCTGCAAAGAGGCCAATGTTTATCCAGCAGA
ATGCCGGGGCCGAAGGAGTACCCTGGCCGCTCTAGAACTAGGGGAAA
>Sequence 358
AGGTACATCGCATCAGCTCTGTCTTCATTAATCTTTGGCTCTTATTCCAT
TTCTTTGGTTAAATACTGGTATCATTGAGGCTGGGTGTTCTGACATTAAA
GCCATCAGTAACTGTAGCACATTTATGAAATATTTTTCATTCCTCAATGT
AATTGTAAAGGAAGGTTAAATTTAAATATACTTCTTGAATGGTTCATACT
TTCTCTTGTACACCTTTTGTATACTAATACACTGTTAAGGCTGTTATATG
TCCCACTTACTTGATCCAGGCAAGGGATTTAAATTATACCCCAAGGTCAG
TTAAATTATCTTATTAAAGGTTTGTAGGCCATATATTTCTTTTTAAATAA
ACCTGATTTCCCTTAATTTCTGGCTGTTATTGAGTTGGGTTGTTAGGAAT
GGGGTTAGCCAAGTTTTCACAAATAAAAAATTTTCAAGTCAAGAAACCAA
AAATTTTTGTCTTTTAATAAGGGGGGAAAAAGGTATTGAAAACCCTTTTT
TGCCAGGGTTGGTTAATGGTTATACCC
>Sequence 359
CCGGGCAGGTACTTAAAGCATTATTCCGTATTTCAGCACAGAATGACTTT
GGTGAAACTGTAGCTGTTAGCGAGTAATTGCGTTACAGGCAGACCCAGTC
TTAAATTAACAAATCTGGGTTCCCTTAACTATCAGGTTTATGTTGGTTTT
ATTTGCTTCTATCTGGATCCCTTCTCTTTGCCTGGGA
>Sequence 360
TCCTGGGCCTCGGACTAACAAGCGGCTTTAATTGCTGGGCAGGTCATGTG
GAAGGTGCTCCTCCCTTCAACCCAGTAAATTCAATCTC
>Sequence 361
CCGCCCGCCCGGCCAGGTCCTACCGTGGCCTCGGGTAACCAAAATTGGTG
TGGCTGCTGTGGTGCGGGGGGCTGCACTGATGGCACCCCTTCCTGTCTTC
ATCAAGCAGCTGCCCTTCTGCCGCTCCAATATCCTTTCCCATTCCTACTG
CCTACACCAAGATGTCATGAAGCTGGCCTGTGATGATATCCGGGTCAATG
TCGTCTATGGCCTTATCGTCATCATCTCCGCCATTGGCCTGGACTCACTT
CTCATCTCCTTCTCATATCTGCTTATTCTTAAGACTGTGTTGGGCTTGAC
ACGTGAAGCCCAGGCCAAGGCATTTGGCACTTGCGTCTCTCATGTGTGTG
CTGAGTTCATATTCTATGTACCT
>Sequence 362
AGGTACAAAATAAAACTCATTGCTATTGATAGTTTGACTGTAAAGGAAGA
CAAAATAACACAAGAAAGAGAGGTCAGATAGATTGGTAGTATGGATATTT
GTATTAAGAAAGATGCAGAGGGATAGAGGTGAGGAGAACCAAGCGGAAAT
GCTGAAATAATATAGGAAGTCGGAAATTAATAGAAGTAGCAGATAATCAA
TATTTGTAGTGAGTTAAAGTATATCCTTTCCTTCTTACATGTTAGCTAAC
AACGGCTTAAGAAAAATTGGTGCTTAGCATGAAATTGGAAATTTGGAATT
GCTAAATTCTTTCTTAAGGTCTGCTGTGCTTGATTTATTTAATGGTCTAC
GCTCTTTGCAGTGTGACATCACAGTTCATTAGCAAAGTGGTTATTTGGGT
>Sequence 363
GCCTCGATTCGATGCAATTACGTACTACAGGGCGAATATGAGCGCCAACG
CCGTGGCGGCCGAGGTACCATTCTTATCTCAGAATTCTAGCAACCATCTG
NAGAAGCAGTTTAGATTTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAGTAATAACCC

Table 4



TCCAACCACAACCTAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGAAAAC
AAAGAAGAAAATAATATTGAAAAAATGGAGATTCCCCAACCAGTTTCATA
TTTGAAGGATCTGAGTTGTATTTTTATTAAGGAAATTTTTTTTCTGAATA
CTGTCTTCCAAAATGTTAACATTAAAATCTGAATCAGAGGACTCTGAATG
GAAAAGAAGTTTGATCACTGACACCTAGGGCTCTGAAGCGTGTGTGGCCA
CATGGAAAAGTCGAAGGATGCGCTGTCGAATCTCCTTTTGTCTTCACTCC
ATAGACAATTG

>Sequence 364

TGCTTCTTTTGACCACACAATTAGAATTCATGGTTTAAAATCTGGGAAAA
CCCTGAAGGAATTTCGTGGCCATTCCTCCTTTGCTAACGAAGCAACATTT
ACACAAGATGGACATTACATTATTAGTGCATTCTTTGAAATGGCCCCGGT
AAAGAACTGGAATATGAAAGACCCCAGAAATGTTTCAAATACCCTTTAAA
ATCCCTGGGCAAGCACCGCCAGGGGACAGATTATTAACCGTTCAAACAGT
GTGAATTTCTAACTTTCCTTAAAAAAACCCCTGGAAGCACCTTTTGAGGG
ATGTTGCCAACCAGGAATCAAAAACCACCGGTGGGTTCAATCATTGAAAA
CATTGGCCAGGGGGGCCAGGAATTTGGTCCAGAAAAGCCTTTCCAGATTT
CCTGGG

>Sequence 365

AGGCGGGGCCTTTTTTAAAACCCCCCCCCGGGGGGTTTCATAAACTGGGG
GGGGGGGGGATTTGGTCAAAAAGTGGGGGGGGGGGGGAAAAAAAACCCCCT
TTTATAAACCCCCCGGGGGGGGGGTTATATTAGGAAGAAAATTTTTGGTG
AGGTTGACCCCCCTTGGAAGAAAAAGATATTTTTTTTGCTCCGGCGTCTC
CTCCTTTTTTGTATAATGAAAATATAGATGTGGTTGGG

>Sequence 366

AGGTACTCTTGGCTTTGCTGATTGCTTCCCTGATGCTGCTTTTGTCCTCC
TTCATCCTGTTTTCCACAGGCTTTTTCTGTTGATTCTCTACCTTGCTATC
CCAAACACATGTGTCACCAACCTTAGATTCAGGGATAGGATCCTCCACTT
TTGGCCACTTAGATGCTGCATTTCCAACATTTTCATATTCTTCAGTTGGT
TCCTCATCCTCAGTGCTCGTCTTCAAATGTGACATGGCTGTGGCGGCGCC
GCGGAAACC

>Sequence 367

CTGTTCCGCCCTTTTCTTCCCTTTTCGGGAAAAGCAGTTGGCGCCTTTTC
TTCATTTAGCTTCAACGCCTGTTAGGGTTATTCTTCAGGTTTCGTGTGGT
AGGGGGTCGATTCGCCTTCACAAGACTTTGGGCCTGTTGTTGCCACGGAA
ACCCTCCCCTGTTTCAGGCTCCCGAACACGTCTTGCCGCCCTTTTATCCC
GGGTTAAACCTAATCCGTGCTTTTGAAGGTCCAAACTCCCCGGTTAAGGA
CAACCGGAACTTTATTCTGCCCACT

>Sequence 368

AGGTACCTTTGGTTTGTGAGTTTGATAGGGAAAATTAAGACACCTCTGAG
GAAAATACAGAAAGTGGTTTTATTTAAAACCACTCCTGGTTGACAATTGA
ACAAAAAGATTGTATTTAAAA

>Sequence 369

CCGGGCAGGTACCACTTGGCACAATGCGAGCTACAGGAGACTTTGTGACT
GTGAAAGATGGAGAGATTTTTTTTTTGGGACGAAAAGACAGTCAGATCAA
ACGTCATGGCAAACGTCTTAACATTGAACTTGTGCAACAGGTTGCTGAAG
AGCTTCAGCAAGTGGAGTCTTGTGCAGTTACATGGTATAATCAGGAAAAA
TTAATTCTCTTCATGGTGTCTAAAGATGCTTCAGTAAAAGAATACATCTT
TAAAGAACTGCAGAAATATCTTCCAAGTCATGCAGTCCCGGATGAGCTTG
TATTGATCGATTCTCTACCATTTACATCCCACGGCAAAATTGATGTTTCT
GAGTTAAACAAGATATATTTAAACTACATAAACTTGAAGTCTGAGAATAA
GCTCAGTGGGAAAGAGGACCTTTGGGAAAAATTACAGTATTTGTGGAAGT
CTACTCTGAATCTCCCAGAAGATCTTTTGAGGGTTCCTGATGAGTCACTC

>Sequence 370

CCGGGCAGGTACCTGCAGAATCTCCTCATTCCCAGCAGCCTCTCCTCATG
GCTCCAGGTTTCAATCACTTCTCTTGCTGATCTGTTATTCACAACCGCAC
AGTTCCTTGACCTCCCCATTTCCACACCAAACCCCATCCTTCTGGAGAAC

Table 4



TCAAATCAGGGGAGCCTTCCAGGGACACAAAGTGAGAGGACTCCCCTTCT
TGCTGCTAGGGTTGCAGCAGAAGACAATGTGGTCTCGCTAACCCAGGTGG
AAATAATATGTTTTCCTAGTTTTAAAACAGCATCTGTACCT
>Sequence 371
TCTCTGTCGATAACTGCCGGGCTGTCCAATCTTTCCCCTGATAGAAAGGC
GCCTGGGGGTCAGCCTGAAGAAGCTCTGGAGGGAAGAGGCGGCTGTTTGA
TTCAGAGCCTCCTCGCTGGGCTGGAATTAACCTGGCTCTTTCTCTAATGA
AACTGACTCCAAGGGTCCCTGTGTGCTAGAGATTCAATGGCCCTTAGGAG
AAGCAATGATGAGAGGTAATATTAAAGCAGTGTACCT
>Sequence 372
GTCAGTAGGGTGTGCGAATACCCGTACAGGGACTTATAAAATGATAACCA
GCGCCGTTTTCCTCTCCTGTGAAGTCTTCCCTTCGTTGCCGCTTCTTCCA
TGTTTCCGAACACCTGGCCGCCTTACCCGTGATAACCTTGTTCCCGTCCT
TTTTCTACCCCTTTCTGGGGAAGACGTTGTGCCGCTTTTCCTCAATTAGC
TTCACCGCTTGGTAAGGTTAATCTTCAAGTTTCGGGTGTTAAGGTTCGGT
TTCGCTTTCCCAAAACTTGGGGCCTTGTGTTGCACCTAAAACCCCCCCCG
GTTTCAAGCCCCGAACCCGCTTGGCGCCCTTTATACCGGGGAAA
>Sequence 373
AGGTACTAAAGTCAAAAGAGGAAAGCCATGAACAGTCAGCAGAACAGGGC
AAGAGTTCTAGCCAAGAGCTGGGATTGAAGGATCAAGAGGACAGTGATGG
TCACTTAAGTGTGAATTTGGAGTATGCACCAACTTGAAGGTTCCTGCCCG
GGCG
>Sequence 374
AGGTACCAACTAATATATTTCTTTTTTTTTTCTTTTTCTTACCTATTAAC
CCACTAAAATTTCTAATCTAAAAGCAATATTCAAGTTACATTTTATTACA
GAAATTGGAAAGCAATTTGCCTGGGAAGCAAAATGTTGATATGATTCACG
TGATTTTAACATTAAATCTAACTTGTAACAAACAACGGATTATTTATAGA
TAAATAAATTGAGACTATTATTTGCATAGCACAGAAAGTCAAACATGACC
CACACATTTATGCACATATAATTAATTTCAATAAAATGTTTATATTTATT
TCGAATAAATAAAAAAACATAAGAAATCATTAAAGGTACCTGCCCGGGCG
GCCGGGTTTAAA
>Sequence 375
TCCGAACCCTTGCCGTCTTAACCGGTATACACTGTTCCAGCCTTTTCTTC
CACTTTCGGAGAAGCCGTTGGTCGTCTTTTTCTTCATAGACATCACCGCC
TGTTAGAGTTAATCTCAAGTATCGGGGTGTAATGGTTCGTTTTCGCCTTC
CCAAAGCCTGTGGGCTTGTTGTTGCAACGTAAACCCCACCCGGTTTCAGT
CTCTCGTACACGTCTGTCGGCCCTTTAATTCCGGTTTAAACTTATTCGAT
CATTGGAGATACCAAACCCCCGGGTAAAGAACAACGTACTTTAATCGC
>Sequence 376
CCGGGCAGGTACGCGGGACAGTCACAGTTAACATCCTCATTCTCAATCCT
ACCCATGATGCAGACAGATTACCTCATTTCAGCTCAATAAGACATCACCA
AATTCCCTTAGGCAGAAAAAGGGTGGGGAGTGCCCTTTCTTGAAGGAATC
CCTTAAGTGCACGTCTCCCGTTTTCTTTTCACATCAATGCAGAGTCCCTC
TGTGAATTTACAACACCCAACACCCATGAGTTCAGTCCTTAAGAAGGAAA
ATTGAGCAAGTATTTAATTGGTTGGACATTGCATAAAAGAGGTCCATATC
CAGGCTAACTCTAGAAATTTTATTCTCAAACTTAGTTGGCCTCTTTTTCT
TCTGTCAGAGGACCATTCTTAGTGGCACTGGGGAAATCTTGGCAC
>Sequence 377
CCGGGCAGGTACATAGAATATGAACACAGCACACACATGAGAGACGCAAG
TGCCAAATGCCTTGGCCTGGGCTTCACGTGTCAAGCCCAACACAGTCTTA
AGAATAAGCAGATATGAGAAGGAGATGAGAAGTGAGTCCAGGCCAATGGC
GGAGATGATGACGATAAGGCCATAGACGACATTGACCCGGATATCATCAC
AGGCCAGCTTCATGACATCTTGGTGTAGGCAGTAGGAATGGGAAAGGATA
TTGGAGCGGTAGAAGGGCAGCTGCTTGATGAAGACAGGAAGGGGTGCCAT
CAGTGCAGCCCCCCGCACCACAGCAGCCACACCAATTTTGGTGACACGAG
GCAACGTAAGTAC

Table 4



>Sequence 378
AGGTACTAAATGCTGTGTAAGTAGACGTTAATCTGGCTGGAACCATGGGA
AGCACTTTGCAGTGTTCAGAAGAGAGGCTCCATTTGTGGTTATTATGTAG
AACTGGGCCAGAGCCAGTCCATTGCCTGTTTTTTTAAATAAGGTTTTACT
GAGCACAGCCACACTCATTTGTTTATGCAGTACCTGCCCG
>Sequence 379
TGGGACGCTTCTTTCCGCATTCCTTCGTCTCAACTTGACTTCGACTGTCG
CCTCGTGTCGGTTCGTGCTGACGGACGAGTCGGTTATTCATGCTTCACTT
CAAAAGGGCCGGTTAAATTACGGGTGTATTCCCAACAGAATATTCAAGGT
GGAATTAACCGGCACGGAAAAGGACACAATGGTTGAGGCATAAAAGTGCG
CAAGCCAAAAAAGGTCGCATGGTAAACCCGTAAAAAAAAGGGCCCCGACG
TTTTGCTTGGGCCGTTTTTTTTTTCCAATAAGGGCCTTCCCGCACACCTC
CCTGGAACCGG
>Sequence 380
AGGTACAAATTGTTCCTTGAAATGACTCAGAGACATTTTCTGAATTGGCT
TCCATCAGCCAGGCA
>Sequence 381
AGGGTGCGGTAGACGCTGGCGGCCGAGCCCGTCGCCAGGCCGAACTGCGC
CACCAGCTGTTCGCCTG
>Sequence 382
GTTAGCCGCCCGTA
>Sequence 383
CCGGGCAGGTACATCTAGAGAACATTTGCCAAAGGCCTAAGCACGGCAAA
GGAAAATAAACACAGAATATAATAAAATGAGATAATCTAGCTTAAAACTA
TAACTTCCTCTTCAGAACTCCCAACCACATTGGATCTCAGAAAAATACTG
TCTTCAAAATGACTTCTACAGAGAAGAAATAATTTTTCCTCTGGACACTA
GCACTTAAGGGGAAGATTGGAAGTAAAGCCTTGAAAAGAGTACCT
>Sequence 384
CCGGGCAGGTACCTGAAGGAACGAAGAAGAGGGATTTCTCAAGGTGAGAA
GCAGTTCTCCATGGACACTGATGACAGCACAGGCAAAGTTTCCTATGACT
AGGGATCACTGTCCACACAGAGTCTGGCTTCCCAGGTATCCAGCAGGTAG
ACAAAACAGCTAACTCCACTGCCACTCCTTTCTCCACATCCGTTCCTATT
TCTCAGCCATCTCAGTGACATCCGCCATCTTGAGAGTCAACTACTGACTG
GACTGAGTTGTGTGGTATATGCTTCTGTTTACTTCTCTTCTGTCTTTTTT
AAGTGGCCAAATAGCAAACGCTTAAATAGGAAATCTCTGGGAGACTTGAA
TAAAAGACTTTGCTTGGTAGAAAATCATGTCACAGAAAGGCTAATAGACA
GCAAAGTAAATCAGCAAGTCCCTGAGCAGTAGGATTAGGATTCCTGTCTC
CTTTCAGATTCAAATGCATCTGTTTCTGGGGTTAACAGTGGACTGTTAAG
AGGCTGTGCAGCTTGGGTTAAGTCATTCTTATCTCTGGGCTTCAGGAGCT
TAGACCAGATAGTTTCTACAGGCTCTCTTGGTGCTGATGCCTTGGGATCT
TGGGCTTGTTTTTGTAGATCTGCAGGGGGAAACAAGATTTTTGGCAGCAA
TCTTTCATTCTAAAGCTTCCTTTAATTTCGGGTACTTGGCCGTTTAAAAC
TAGGGGAACCCCCGGCTGGACGGAATTGATTTAAGCTTATTGATCCCGCC
AACTCAAGGGGGGCCCGGACCAACTTTGGTTCCTTAAGGAGGGTAAATGG
CCCCGCGGAACAAG
>Sequence 385
GTGATTGCTTTCCAAGGCCACCGAGGGTATCTGAGACTCCCAGGCCCTGG
TTGGTCCTGCCTCTTCTCCTTCATAGTGTCCCAGTGTTGTCAGGAGGGCG
CTGGTGGTAGCTTGGACCTTGTGTGCCAACGCTTCCTCAGGTCTGGGCCT
AACAGCCTCCACTGCCTGGGCTCACTCAGGGAGCGCCTCATTATTTGGGC
AGCCATGGATTCTATCCCAGCCCCATCATCAGTTCGGGGACACAACCTGA
CTGAAGATGCCAGACATCCTGAGAGTTGGCAGAACACAGGAGGCTATTCT
GAAGGAGATGCAGTATCACAGCCACAGATGGCACTAGAGGAGGTGTCAGC
GTCAGATCCACTGGCAAGC
>Sequence 386
AAGATGTTCTTGGGAAAAAATGGACCGTGGGAGCCTGGGGCTTGGAACCC

Table 4



CGAAGTTTCCCCTTGCCG
>Sequence 387
CCGGGCAGGTACCAATCCCAGGGATGAAGAATGTGAAAGAATTGTGGCAG
GAATAAACCAGTTGATGACACTAGATATTGCCTCAGCATTTG
>Sequence 388
CCGGGCAGGTACTCCTCATGATCATCTACACAACATTCTGTGACACGTTC
TCTAACCCAAATATTGACCTGGATAAATTCAGCCTTGTTCTCATACTGTT
CATAATATTTTCTATCCAGCTGAGTTTTATGCTTTTAACTTTCATCTTTT
CAACAAGGAATAATTCGGGTTTCACACCAGCAGACACAGTGGCTATCACT
TTCTGTTCTACACACAAATCCCTTACATTGGGAATTCCGATGCTGAAGAT
TCGTGTTTGCAGGCCATGAGCATCTCTCTTTAATATCTGTACCT
>Sequence 389
TAAATGAAATTCGGGCCAAACGCCGCGGTGGGAGAAGGACGGTTTTGCGT
TATTTGGGGCGCCTTCTTTCCGCCTTCCCTCGCCTTCACCTGAACCTTCG
CTTGCGCCTCGGGTCCGTTTCGGTCTTGTCGGGCGAGCCGGGTAATCAAG
CTTAA
>Sequence 390
AGGTACATTTAGAGAACATTTGTCAAAGGCCTAAGTACGGCAAAGGAAAA
TAAACACAGAATATAATAAAATGAGATAATCTAGCTTAAAACTATAACTT
CCTCTTCAGAACTCCCAACCACATTGGATCTCAGAAAAATACTGTCTTCA
AAATGACTTCTACAGAGAAGAAATAATTTTTCCTCTGGACACTAGCACTT
AAGGGGAAGATTGGAAGTAAAGCCTTGAAAAGAGT
>Sequence 391
CCGGGCAGGTACATGGGACTACAGGCACGCCCCACCATGCCCAGCTCATT
TTTGTATTTTTAGTAGAGACAGGGTTTCACCATGTTGGCCAGGATGATCT
TGATCTCTTGACCTCATTGATCCGCCACCTCTTGGCCATCCCAAAGTGGC
CGGGTATCACAGGTCGTGAAGCCACCCACAACCTGGGCCCTTCTAATTTA
TTTCTTCTTTTAAAGGAGAAGAAGAAAAACCTATTGAGTAGGGCCCAAAA
TATATTTTAAATTAAAATNCTTTTACCCTTAAGCAACAATGGGGAAAATA
AAATGGAAATTTTGCCCTTAATTAATAAGGGTGAATGAAAAGCATTACAA
CATATGAAAACAGGAAAACAAATTCACCATTTTTAAGTAAAAAAGGTCAA
AAAAAATTTTGAGGAACTTTATTAAGGCCTATATTGGGTAAGCTTTATTT
TTTTGGGTTGGGGGGAAAAAAAAT
>Sequence 392
GCGGCCCGGCCAGGTCCATAGCACCTCCCCTTTTTCTCTCTTCCTCTATC
TCCAGTCATGTAAGACATGCCTGCTATGCCCTCTCTCACCACTCCTATTC
AACATAGTGTTGGAAGTTCTGGCCAGGGCAATTAGGCAGGAGAAGGAAAG
AAAGGGTATTCAATTAGGAAAAGAGGAAGTCAAATTGTCCCTGTTTGCAG
ATGACATGATTGTATATCTAGAAAACCCCATTGTCTCAGCCCAAAATCTC
CTTAAGCTGATAAGCAACTTCGGCAAAGTCTCAGGATACAAAATCAATGT
ACCT
>Sequence 393
AGGTACCCTAGCCTAATCCATATTGGGCACTCAAATTTTTACTGAATGAC
TAAATGAAAAGATGGATGAACATCTCTATAAACTATGGAAAGAAAATGCT
GATAAAGCATTTGCCAGAAATTACTTCACTAGTGCCACACACGGACAGAA
TTGAGGACATTTAGACTTTTTTGTTTGTTTGAGATGGAGTCTCATTCTGT
CGCTCAGGCTGGAGTGCAGTGGTGCTATCTCAGCTCACTGCAACCTCTGC
CTGGGCAAGACTCTGTCCCAAAAAATAAAAAAATAAATAAAATTAAAAAG
TCTGGAAAGTAAAGGGAAGAATGAATACAATTTAGTTAAGAATACTGCCA
GGATTAAACAAACAAAAAATCAATCTTGGATTGGTTCATCTTTATTTCTA
GAAATAATACTATATACCTTA
>Sequence 394
AGGTACATTTTCATTGTATGTATCTACCACGGCCTATTTATTCATCCATT
AGTTGAAGAACATTTGGATGGTGGAAGAGAATATCTTTGTCTTATTCTGA
ATTAAGGGGCATTCAGTCTTTCAGCATGGAGTAGGATGTTAGCTGTAGGG
TTTTTGTAGACGCCCTTTACAGAGTTGAGGAAGTTCTCTTTTATTCTTAG

Table 4



TTTGCTGAAAGTTTTTACCATGAATACATGTTCTAGTTTGCCAAATGCTT
TTTCTGCTTCAATTAATATGATCATGTGTTTCTTTCTTCTTCATACTGAT
AGTTTGACAGTTCCATTGATTCATTTTTGATGAACGAACCTTACATTCTT
GGGATAAATTGCCCTTGCCATGGTGTATTGTTCCTTTTAATGTATTGTTG
GATTTGAATTTG
>Sequence 395
AGGTACCCCTCTTGGATCTTCATTAATGAGAAGACATTCATAACCAGACT
GAAGATGGCAAACTAATTGTTGAAGGAATGCTGGACATTTTCTGGGGAGT
AAAACGACCTATACAGCTAAAAATACAAGATGAGAAGCCATTCTCTTCTT
TTACTAGTATGAAGTCATCAGACGTCTTCTCCAGCAAAGGAATGACACGC
TGGGGGGAATTTGACGATCTCTATCGTATTAGTGAGCTGGACAGGACCCA
GATTCCTATGTCTGAAAAAAGGAATTCCCAGGAAGCAACACCCTGAAGCC
ACATGCAAAGGATGAACCAGACTCCCCAGTGCTCTATAGAACCATGAGTG
AAGCAGCTCTGGTGAGAAAAAGGATGAAGCCTCTGATGATGGACAGAAAA
GAAAGACAGAAAAATAGAGCCTT
>Sequence 396
AGGTACCAGGAGGGTATTGATGTTTGAGGTCCAAACTGAAAACCCATCAC
CTCCTTCCCACTGCTATAGCAGCGTTAGCCCTGGGGTTCATTATCTAGCC
AGTTCACACCTTCTAAAGTGGGGCTCTGAAAATGTCTTACTTCCCTCACA
GACAAAGCAATTCTCAAGCCTCCTGAGATCACCCACCAACCAGAGCAACT
GCTGTCACTTGGAGGTGCAGCTGAATTCTTCTAATTGTGACACAAACTCT
TGAAACTGTAAATGCTGAAAGATTAAATGAGGTTATAACACTCAGAAGGT
TTTACAAGTAAAAGTAAGTCAAATCAATAGGTCTTTATTTCATATCTGTA
ATGGGTTAGCTCTGCGGGAAGTGTTAGCAGCTATATGAATTAGGAAGAAT
T
>Sequence 397
GATAGCGGCC
>Sequence 398
AGGGTGCCGCTTGAGGAAAACGTGAGTTTGTGAAGGTGAGCAGTCTGGGT
CGGTAGCGAAAGCGGAGACCTTAGCTGACCCCGCAGCTGTCTTTCTCTTT
GTTAACCTCAACACATCGCGCCCCCTTCCGGGAACACTTGCTCTTCTCTC
CTTGGCTTAACTAGTCCCGGTTTTTCATTCTTTATCCGTGACCTTTAGGG
AACCGTGGGGGGGAAGTCTGGTTTCCGTCCTGCTGCTTTCCTTCAACTAC
AAGATGGCTTGTCATAAGGACGCATGCAATGCCATTCCTTAAAGACAGTT
TGTTGATATGACAGTGTTCGTATATTGAACACGTTCAAGTGTCAAAAGTA
TCACTTTGGCAG
>Sequence 399
AGGTACTTTTGATAATAACTCACTCTGTGCGATATTCCTGAATAAGTCCA
TCTCAAAAGTTTGGGATTTTCCTCCTCTTAACTTTCTTAATATTTGGACA
TGCAAGTTGTCGCCAAACTAAGGGTATTTCATGGAATTTTCTAGTATAAT
AGAAATAACCTATACTTTTGAGTACTGGAAATAACTGACCAATATACTAT
AAGGATATCATAAATTGTCTTACAAATAAATACAAGATGATTTTTTAGAC
TATTATATTCACAATCCATGAGGAAAATTTTATTAAATAATTGTAAAAGC
CCATTGCCCCAAAATTTTTAAACAAAGTATTACAATAAATTATGTGTATA
TAAAAATTTAAAAAATAAAAATATACCTTGCACTAAGGAGGGAGAAGCTT
TTATAAAAAATTAGTTGAAATTCTACTAGGGAATTAGATAAGGAAATTAT
TAATATTAAAAACTTTTATTAG
>Sequence 400
AGGTACTTTGGGAGGCCGAGGCAGGCAGATCACAAGGTCAAGAGATTGAG
ACCATCCTGGCCAACACGGTGAAACCTCCTCTCTACTAAAAATACAAAAA
TTAGCTGGGCGTGGTGGTGCATGCCTGTAGTCCCAGCTACTCAGGAGGCT
AAGGCAGGGGAATCACTTGAACCCAGGAGGCAGAGATTGCAGTGAGCTGA
GATCATGCCACTGCACTCCAGCCCGGTGACAGAGTAAGATTCCATCTCAA
AAAAAAAAAAAAAGCCAGGGCTTTGGAGTTAGGCCTAACAAAGTCTGAAT
CCTAATTCTGCTACTGATATACTCAGTGATCTTGGCATGCCACTTATTCC
TCTGAGCCTGTTTCCTCACCTGTGGAATGTGAATGCTATACAAC

Table 4



>Sequence 401
TGTAGCTTAAACTCACAATTAATTTGCCGTTGTCGCTTCACTTGTCCCCG
CTATTTCCAGTTCAGGGTAAAACCCTGTTCGTTGCCCAGTCTTGTCATTA
AAATGAAATATCGGACCAAACGTCTGCGGGAGAAAGAAGGACGGGTTTTT
GGCATTAATTTGTGGCCTGCTTCTTT
>Sequence 402
TTTAATTTTGA
>Sequence 403
AGGTACCAATCTAAAAACAGGCACAAACTGCTTAGCCTATGACCCTTAAC
TATAAAAAAACAAATTTATAAGTTAAATACAGAAAAGTTA
>Sequence 404
GGCATCTCTACCACGGATCTATGCGCTACCATTAGTGCTTCCTGTGTGTG
TGCATATATAAAGGGGCTGGAAATGTGCAGAAACATGATACTACTCACAC
ATTATATAGACATCTTGCTGCCTCTAGTGATGATGATTATCTTCATTTGC
TCATATGTGCCGCCTACCATGGAGAAGGCACCAGCCCCCATCTTTTGTCA
CCCCTGCCATTGAGATGTCGGGCGCCTGTCTTTGCTGCACTGAGTA
>Sequence 405
CCGGGCAGGTACAGATGGGGTTTTACCATGTTGCTCAGGCTGGTCTCAAA
CTCCTGGAGTCAAGGGTTCTATTTGCCTCAGCCTCTCAAAGTGCTGGGAT
TACAGGTGTGAGCCACGGCTCCTGGCTCCTTGCTCCAGAATCAGTTTTTT
AATGGAAGATAGCTCATACTTTGTTTTTGTTTTTAAAGAGACTGGGCAAC
ATAGCAAAACCTTGTCACTATAAAAAATACAAAAATTAGCCAGGCGTGGT
GGTGCACGCCTGTGGTCTCAGCTGCTCAGTCGGCTGAGGTGGGAAGATGG
CTTCAAGCCGGGAGATGGAGGCTTCAGTGACCTGTGACCTGTGATCACAC
CACTTAATTCCTCAAAGCATTTGTGTCCCAGTTCCCTCCAT
>Sequence 406
AGGTACTGCTACTAACGGAACCCAGGCTCTGAGTTGTCTCAAGTTTCCTC
TTTTCCTGTTTTTCTCAGGTAGAGTTTCTCTCCTTTAGCTCATTCTGTCC
TGAGAGAAACACCACTCCCGGATGTTGACCCATCTATAGCAGGAATTCTC
CAAGTGTGGCCCCTCCCCGGCCAGGCACGGATCTGGGAGGAA
>Sequence 407
AGGTACCCTGAGGCCTGCCAGTTCCTGCCTTAATGCATATGTAGTCGTAA
TTGAGTTCTGACACGGCCTTGGGTGTTTCTGTCCTAAATAGCTGACATTG
CATCTTCAAGACTAGTGTGAGTAATCCTGATATTTTTTTTTAAGCTCAGT
AAATTAATTACATGCCCTGGGAGGGAGTGATTGTAAGTAGAAAATACTGA
ACTAGCAGATGATTCGTTTTTAAGGTGCTATACTATGTGTATCAAGTTCA
AGACGATGAATCTTAAAGCTTCTAAGAACTGGCAGGGTTATTCCAGCTTT
GTGCCCCCGCGTACCTGCCCG
>Sequence 408
CCGGGCAGGTACAGTGAAAAGAGCCAAGGCTGTGTGACCCCCTCATCACT
TAGCCAGGCGTATGGTCCTGGTTTCTGAGGCTGCCAGAAAGCATCTTAGC
AATTTGTGTTTGGATGGTCCATGCCTGACTATTCTAGGCTGGAGGTTCCT
AAAGAGTAACAAGAGGAAGAGAAACAAGAATCTCTGACACTTGTTGAGAA
TAGAGCACAGTCCCATTTGTTTGAAAAGAGACACCAGGCAGCCATGTTTA
TGTGCCAGAAATGCATTCCACCTCAAGGAGGACTTAATTTATGGACCCGT
GTGTGCCAGGCTGAGCTGGGCAAGATCTTTCTCAGGACAAACTCTGCCAT
GCAGCTAAAAGTCTGGAAACTAAAGGATTTCATGTAGTAAACTATCTTCC
AACCCCTGTAGGCATCAG
>Sequence 409
AGGTACCTATGATTTAAATACTCTCCTTTTAAATACTTTGTAAAAACTGC
TTTTCCGAGCCCCTTTTATGCTCTGCAGTTGCCATATCCACTAGGTGGTA
TTGCAAATAAGTAAAGCATCCTGGCCATGACGCTGCTAGTGAGAATCCCT
GACCAAAGTTACTCTCCTCACCTCACTGCAAACCTCCAGGAAGCGGAAAC
TACTACCCCTCCACAGACAGAGCTCCCCTGCCACTCCATGAGGCGCTGCT
GCCGGCATCAGTTACCGAAGCCCTCACCCACACCCAGCCTGCAATGGTCC
ACTCTATATTCCACAATACAGGAAAAAGCCCAAGGAGTCAGATCAGTTAC

Table 4



GCCCCTGGGATGCAGAAAGAACCAGTGATTCTTCAGATATGACAGCAGG
>Sequence 410
GGTAGGGGCC
>Sequence 411
AGGTACAGTGTATGAGAACATGTTTTCTTAACACATACCCACTCTGCCTA
TTCAGTCCTTCCTTTTTGATCTTTGTGAATTTGATGGGCAAAACATCTGT
GCCACAGTGTTATTTCAATTTTGAGCAGTCTTAATGGAGGAGTTGTTTTG
GGGAACCAAGGTATAGAACATGTGAAAGAAACTATCTGAAGAGACTGAGC
AATGTCTTCAAAGGCCTGTAGCCCTGCAGCTGCCCCTAGTATCTGCCCG
>Sequence 412
CCGGGCAGGTACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAG
CAGTTTAGATTTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAGTAATAACCCTCCAAC
CACAACCTAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGAAAACAAAGAA
GAAAATAATATTGAAAAAATGGAGATTCCCCAACCAGTTTCATATTTGAA
GGATCTGAGTTGTATTTTTATTAAGGAAATTTTTTTTCTGAATACTGTCT
TCCAAAATGTTAACATTAAAATCTGAATCAGAGGACTCTGAATGGAAAAG
AAGTTTGATCACTGACACCTAGGGCTCTGAAGCGTGTGTGGCCACATGGA
AAAGTCGAAGGATGCGCT
>Sequence 413
TGTGATTATTTACTATGTCCTAGATTACAATTCATGGCCCTTGCCACCAC
CTCCCCACCGTGTACCT
>Sequence 414
CCGGGCAGGTACAGCCAGGTGTGGTGGCCCGCATCTGTAATTTCAGCTAC
TCAGGAGTCTGAGGTGAGAGAATCACTCAAGGCCAGAAGTTTGAGCCCAG
ACTGGCAACATAGCAAGACCATGTCTCTTTGCCGTGGGCCGCTCCTTTCG
AGGCTTCGGCTACGGCCTGACGTTTCTGCCACTGCTGTCGATGCTGATGT
GGAACCTCTACTCCCCGCGTACCT
>Sequence 415
AGGTCCAAATTTGGGAACTAATTATTAAAAATGAGTGTGGCTGGATATAT
GGAGAATGTTGGGCCCAGAAGGAACCGTAGAGATCAGATATTACAACAGC
TTTGTTTTGAGGGTTAGAAATATGAAATGATTTGGGTTTGAACCGCCAGT
TTTAAGGCGCAGGGCCCGAAATCCTGACCCTCTGCCCCGTGGTTATTCTC
CTTCCCAGCTTGGGCTGCCTCATGTCATTCACAGGTATTCCATTTTGTTT
TGTTGCCATGTTCTTGTGGAAAGCCATTAAGAATTTTTCTCGTACTGGTT
TTCCTTTTAATTGGGGTAATGCCTTCACTTTTGGTGAACATTCCATTTTC
AAATTTCCTAGTAATTCCCCGTTTCTAAATAAAATTATTTCCCCAAACCA
GGGATCCTGGTTTTTACC
>Sequence 416
CCGGGCAGGTACTCTACGGTGTCAATAATTATTTCATTCTCTGCTGCAAT
TAGTGCTAATTACAATACCTGAGCTATAAAAATAAAAGATTTCATTATAG
CAAAGTTCACAAATATCGTTTTAGTTCAGTTATCCACATTGTTCATTTAA
AAGTAATACATTTTTCTTTACATATAACCTGTCTTAGACTTGTAATTTGA
GGATATCTTGATGAAACAGGATCTGTATCTTGAAACAGTCACTTATTATG
CTAAAACATCTTGCATTAAGGGAATTGAAAAAAAGGTTTAGCACACCCTA
GTTTTTTTTCAATTATGTCAGGATATTTTGGAGTATGTACAACAGTAAAA
ACTTACCATTCCAGTATGGAATGGACCTGGAAATTATTTCCACTTTGTTC
TTTTCTCGAGCCATTTTTTGGTCCATTTGGGAATAGGAACT
>Sequence 417
GGAGCTCCACCGCGGTGGAGCGGCCGCCCGGGCAGGTACGCGGGGAAATG
GAAAAACAGCAAAGGGAACAAGTTGAAAAAAAACATGAAAGATGCAAAAG
ACAAATTGGAAAGTGAAATGGAAGATGCCTATCATGAACATTAGGCAAAT
CTTTTGCGCCAAGATCTGATGAGACGACAGGAAGAATTAAGACGCATGGA
AGAACTTCACAATCAAGGAAATGCACGAAACGTTAAAAGAAATGCAATTT
GAGGGCAATGAAGGAGGGAAACGACTGTTATAAGTAGGAGGGAAAGAGAT
TGAATTGATTTCCGTTCAAAACGTGTAGGATTGGGAAAGAAACAAAATTG
AATGGCGGCCCCAAGGGAAGAGGGAAAAGGTTTACCAGCCCCGAAATTGG

Table 4



GGGCCTTACA
>Sequence 418
CAGGTACTAGCTCCTGTCCTGCTGTCTCAGGACCTTTCAGTTCAAGCATC
CTCCTAACCTGAGTCTCTGTGTCTCTTACCTCAAATTCTCTCTCTCAAAA
AAAAAAAGGTGGGGGGGATTGGCTGGGCCAGAATTTGGCCCAAAGCCACC
ACTGGTCTGTGGTGACCAGGAGCAATACCATATTGATTTCCCAGGCCCCA
CCCTTTCAGCAAGAGGCTGGAATTTGGGGGGAGGGTCGTGATGTTTCCTA
CTAACTGGCCATTAGCTGGATCATCATTTCCAAAGGAATCTAATACAATA
ATGTCCACAAAAAGCAGTGAAGGATACAGAGACCACAAAATAGATCCACA
ACATGGGACAGAGTGGCATTGGCCTCCCAACAGTTTCACAGGAACCCCTT
GGATGCTGCAGAGCATGGGTCTCTGGGGACTGGAGGAGCTGAAGGCCACT
CCCAG
>Sequence 419
CTCTTCTCTCCTTTCGGGTAAGCAGTGGCAGCTCTTCATCATATGCCTCA
CTGCCTGTCAGGTAGTCGTCAGCTCTCGGGTGCTAGGATCGTTTTCGCTT
CCCAATGCATGGTGACTGTTGTAGCTACGAAACCCCTTCCCGTTTTCAAG
TCCCGGTACCGACTTGTCGTCCTTTATTCTCGGGTAAACATAATTCGTCT
TTCGAGTTTCCAAACCCTCGGGTAAAGGACCACGGTACCTTTTATCCGGC
CCACTTGGTCCAGTCATGCCCAACTTGTGTTAAACAGGGAATTTAGACAT
GAAGCCGGAGGGTTTATGTTAAGGGCGTGTTGCCTT
>Sequence 420
AGGTACTTTTGATAATAACTCACTCTGTGCGATATTCCTGAATAAGTCCA
TCTCAAAAGTTTGGGATTTTCCTCCTCTTAACTTTCTTAATATTTGGACA
TGCAGTTGTCGCCAAACTTGGGTATTCATGGAATTTCTAGTAAATGAAAT
ACCTATACTTTGATACTGAAGACTGCCAAATACATAGGAATTTTCTTTCT
TAAAAAACAGTAATGAAGACTATATCTCCTTTCCCAGCACTGAATGTTTT
ACTAGCACTGGGTGCTCACCATGCAACTGAAGAAAATGTGGAAACTCAAA
AGGTCAGGACAGACTTCCAAGCACTTGCAACTGATGTTACTGTCTTCAAT
TTTAATAC
>Sequence 421
CCGGGCAGGTACTTCAGAAGGATGGAAGCTGAATTCAGAAGGGAGGAATG
AGAAGGAAAAGTTGCTAAGAAATCGATAAACACATAGATAAATCTAAATT
AAGCATAGCCATTAAAAATCAGTAACAACAATGATATGAGGATGATTAAC
TGAGATGACTGAAAGCAAGGTGAAGCTAAAATATAAAAAAGTATGTAGGA
TGAGCTGGAGGGTGCATTTACTTGCATTTCTAGCATTGGATAGGAGGAGA
TTAGAGATGCTGATTGGCATTAAACTCGAGTTAACACTGCAGACAACCAG
GGATAGTCGTATGTAACTTCTGAGCCAGTAGAACAGAAGTAACACTGAAG
AAAGTTCAGTG
>Sequence 422
TGCCCTTCGAGCGCTTCTGAACCACTAAGGGCTATGGGAAATCTCGCGCG
GTGGCGGCCGGGACTATGCACTTCCCATGCTCCTAGGGTTATGAATAGCT
TCAAACATGATTGGCAGACATAACAACTTCAAATACTCGGACTGGGGCAT
AGGACTCCAGAGTAGGAAAAAGACAAAAGATTTGGCAGCCTGACACAGGC
AACCTACCCCTCTCTCTCCAGCCTCTTTATGAAACTGTTTGTTTGCCAGT
CCTGCCCTAAGGCAGAAGATGAATTGAAGATGCTGTGCATGTTTCCTAAG
TCCTTGAGCAATCATGGGGGTGACAATTGCCACAAGGGATATGAGGCCAG
TGCCACCAG
>Sequence 423
CCGGGCAGGTACTTGTCTTAAAAGAGAATCCATATCCCATTGCTGAAGTG
GAGCAGTTGGACCGACTTGAGGAG
>Sequence 424
CCGGGCAGGTACATTTACCTACGTTAATGAAAGTTGACACACTGTTCTGA
GAGTTTTCACAGCATATGGACCCTGTTTTTCCTATTTAATTTTCTTATCA
ACCCTTTAATTAGGCAAAGATATTATTAGTACCT
>Sequence 425
ATTTGCAGAGCCTCAGGGGCCTGAGCTAATGGAGTTGCTGCCATTTTGAC

Table 4



CATTGCCAACCATGATACCAGAGGGAAATGAAATGTGGGTCCAGGGGCAC
TGTTCAATCCACTGTAGCATGGGAAGCCCTGATAAAAAGAGACACAGGAC
AAAATTAAAGTTGTGAAAATTATATACGTACCT
>Sequence 426
AGGTACTTACTACCAAATAAAGATTTTACCTATAGATTGAAACTAAATTG
TAAATGTCCCAAATACTTTTCCCGATGAAATTCAAACAAAATTAGACTTT
TATACACACAAAGCAAAACAAAACACAACCTATATATAATTTCAAGATTA
AGAAAAACAAAACAAATAAAAGCATTCTCTCAAGACCTTGCTTCAGTTGT
GTAAAATAATTAAATGTGCTATTCCAAGTTGATTTTAGTTTTTAAATACA
GAATTTGATAAAAGATAAGTAAAAGAAGGCCTTGGGTTCAGGGTGGCAGA
TATTTAGTGCACCCTTTATCTAGTTCAGGAAACACTTGAAAGATTTATCA
AGTTTCCTTA
>Sequence 427
CCGGGCAGGTACTTAAAGCATTATTCCGTATTTCAGCACAGAATGACTTT
GGTGAAACTGTAGCTGTTAGCGAGTAATTGCGTTACAGGCAGACCCAGTC
TTAAATTAACAAATCTGGGTTCCCTTAACTATCAGGTTTATGTTGGTTTT
ATTTGCTTCTATCTGGATCCCTTCTCTTTGCCTGGGA
>Sequence 428
AGGTACACTTTTCATACTAAGAACTAGATCAATGTCTTTAATTCCTTAAA
TGTCATTAGCTCAAGTTTGAACAGAAACATATTACATTACTTTTTTTTTA
ACCAAAAGGCTTCATTCATTTAATAAAACAAGAACTTACATTTTATTTCC
TTGAACGGACAGAGAAATACCTTTCATTTATCAAGTGTGTAAATAATGCC
CATGTGACAGAAACATGCATAATAATCTCATAAGAGAATATCCAGAGATA
AAAGACAAGTTGAAACTCAGGGACATTTTACCCAAGCAATTAATTTCCAG
ATGGAGTTGCCTTGATCAGTCATGTAACCACTGGGTAAGAGTTCTAAACT
ATCAGAAAGAGTTCTAAACTATCAGAATCAAAACAGACAATACAATAGAA
>Sequence 429
AGGTACATCCAAAATCATTTCAGCGTATAACCACATTCTCCTAGACTTTG
TCTCTCTTCTACTCCAAGAAGCCCAGTTACCCTTTCTCCTCTCTTTTATC
CCCAAGGATACAGAACATCAACCACATCAGCCATCTTGTGCCCTGCGTGC
TGAGAGGAGCTTTTCTTCCATGAAGATCCCTTGATGCAGAGCCCTGTAAA
GACTGCATCATCCCAGCTACTTTCCTGCTGACTTCCACTTGGGTTTACTC
AATGGGTGACACTCACAGGACATAAGAGATTAGAAAGAGGGATAAGGTTT
TTTTATATATCTGCTCCCTCCCTACTTAAAGCCATGGTTTTAGCAGAGGC
CCAAGGTCGTGGCTTTTTTGAGCAGCCCCTTTATCAAAGGTCTGGAAAGA
GTCTACCTTC
>Sequence 430
AGGTACACTCTAGCATTGTAACTTTTTCCCCCTGAGAAGTAATTTTAAGA
TCTATCAGTCTCAATTTAAATGATCTGTTAATCAGCCAGAGTTTTAGTTT
CATAATATCGTTCCATTGCCTGACAAAGATATACACACTGAAGTGCCTTT
AGCAGACCTGGGACCGTCAAGAATCTTGTTACCCTGATTATTGCAAGATG
ACATATTTCTTAAGCCATTTATAATCTCATATTCGGGTTGAATCTGAATT
TACAAATAAAAGGGTTAAATTGAGGCAGTTTCAAGCAGCATTTAGGAAAA
TGAAGTGGCTTCAAATTTTAGTGTTTCTGGTTACATTATTTTGTTTGAAT
TATACAATTACATAAT
>Sequence 431
AGGTACTAGTGTGATCTCACTTATGCTGTGGTTGCAATTTTCATTTAGAT
GTTAGTAACCTCTAAATTTGTGTTTCCAGCTCAGACCCCCTTCAAAACTT
CAGACTTCTACAGCCAGCTGCCTAATAAATATTTTGCTTTGAAGATCTCA
TAGGCATCTTAATTTTAAAATATATAAATTCTAATTTGGTTATTGGTTCT
GGAATTTGATTCTCTATCCATATTTCTCCAATCTGTAATTAGTATCAACA
GAAACTTGAGAATTTCCCCAGACTTATCTTATTAATCATTAAATTATTTC
ATTACTTTCTATATTCCTGTGGTTACTAAGTCTATTAACTATTGCATCAG
AAATATTCAAATGTAGCCCCTAATTTGTAATCTTAACTTGCCTTATGGTA
GAG
>Sequence 432

Table 4



TCTTCATATGCTTCACGGCTTGTAGGATATTCTTCAGGTTTCGGGTGGTA
GGGTCCGGTTCGGCTTCCCAAGGCTGGGGGCTTGTTGGTGGCCACCGAAA
CTCCCCCCCCCGTTTTCAGGCCCCCGGAACCCGGCCTGGCGGCCCTTTTAT
TG
>Sequence 433
AGGTACAGAAAATATGTATCCTTCAAAAATTTTGGGATCCTTCCCTCTGG
GAAATGGGTAACCTGAGTCCATTCCCCACTAAACAGGACCATAAACGGCA
GCATGAGTCAGATACCACCACCAATATTTATTACCCAAAGCAATCTGAAA
GAATCGGGCACAAGGTCATGGCTATTCCCAGGTTTACAACGAAAATCATG
AACCTTCTTCAAACATCACCCTACCACTCCATAAGCCATAAGTAAAGGAA
ATTAAAGGGCTAATAGCTCCAAGTCTATGATCATGAGCTACTTATAATAC
CTCAATTCCTTGATGGAATAAGACCTTCAAAAGTCAACAAAGGTTGGGCA
ATGAAAGACAAATTTTAGGGTCTAAAATACTTAACCCAGAAAAAAAAAAC
CCAACCAATTAAAAAAAAGAACCAAGGTTTCATAAGAAAATCAATA
>Sequence 434
CAGGTACTAGCTCCTGTCCTGCTGTCTCAGGACCTTTCAGTTCAAGCATC
CTCCTAACCTGAGTCTCTGTGTCTCTTACCTCAAATTCTCTCTCTCAAAA
AAAAAAAGGTGGGGGGGATTGGCTGGGCCAGAATTTGGCCCAAAGCCACC
ACTGGTCTGTGGTGACCAGGAGCAATACCATATGATTTCCCAGGCCCCAC
CCTTTCAGCAAGAGGCTGGAATTTGGGGGGAGGGTCGTGATGTTTCCTAC
TAACTGGCCATTAGCTGGATCATCATTTCCAAAGGAATCTAATACAATAA
TGTCCCCAAAAAGCAGTGAAGGATACACAGACCACAAAATAGATCCACAA
CATGGGACAGAGTGTCATTGGCCTCCCAACAGTTTTCCAAGAACCCCTTG
GATGCTGCAGAGCATGGGTCTCTGGGGACTGGAGGAGCTGAGGGCCACTC
CCAGGTTGGCTCAATCT
>Sequence 435
CGTGGTCGCGGCCGAGGTACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTATTCCATC
AGTAGAAGCAGTTTAGATTTGGACTGCATGATAAAATGAAAAGTAATAAC
CCTCCAACCACAACCTAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGAAA
ACAAAGAAGAAAATAATATTGAAAAAATGGAGATTCCCCAACCAGTTTCA
TATTTGAAGGATCTGAGTTGTATTTTTATTAAGGAAATTTTTTTCTGAAT
ACTGTCTTCTAAAATGTTAACATTAAAATCTGAATCAGAGGACTCTGAAT
GGAAAAGAAGTTTGATCACTGACACCTAGGGCTCTGAAGCATGTGTGGCC
ACATGGAAAAGTCGAAGGATGCGCTGTCGAATCTCCTTTGTCTTCACTCC
ATAGACAATTGGGTTGAGCACAGGAGGAACCAGCAGATAGATATTGGCCA
AGATGACGG
>Sequence 436
GAAAAAGTGTGGAANCTCCTATGGACAACCCGGAGCNCCTCCTTGGGAAA
AGGCCGGCGCGCAGCCGCTGGCCGTTGGTGACCAGCGAGTCGTCGCCCAG
CCTTGCGATGCGGCCCGAGACCGCCCAGCGCCACAGGTCGGCATTCGGCA
GCCCGGTGAGCTCGCTCTGGACGAAGGGCTGGCGGCGGTCCAACTGGATG
CCGGTCACCGGGCGCCAGCCCAGGCCGGGCACGCGGTTGTGGATGTAGT
>Sequence 437
CGGTTAATACCCGGTTATTCCCACAGTAACTCATGGGGGATAAACTGCAG
GGAATAGAACCATTGTTGAGTCAAAAAGGGCCATGCAAAAAAGGCCCAGG
GAACCCGTTAAAAAAAGGGCCCGCGTTTGGCTTGGGCGTTTTTTTTCCCA
TTAGGGCTCCCCGCCCCCCCCTTGACGAAGCCATTCAACAAAAAAATTCG
ACCGCTTCAAGGTTCAGAGGTTGGGCGAAAACCCCGG
>Sequence 438
CCGGGCAGGTACTTCAGAAGGATGGAAGCTGAATTCAGAAGGGAGGAATG
AGAAGGAAAAGTTGCTAAGAAATCGATAAACACATAGATAAATCTAAATT
AAGCATAGCCATTAAAAATCAGTAACAACAATGATATGAGGATGATTAAC
TGAGATGACTGAAAGCAAGGTGAAGCTAAAATATAAAAAAGTATGTAGGA
TGAGCTGGAGGGTGCATTTACTTGCATTTCTAGCATTGGATAGGAGGAGA
TTAGAGATGCTGATTGGCATTAAACTCGAGTTAACACTGCAGACAACCAG
GGATAGTCGTATGTAACTTCTGAGCCAGTAGAACAGAAGTAACACTGAAG

Table 4



AAAGTTCAGTGCN
>Sequence 439
GGGCGTGTTCGACGCTACTCTGAATATCCGGCGAATTGTAGCTGCCAGCG
GCGGCGGCCGAGGTACTAATATTATCTTTGCCTAATTAAAGGGTTGATAT
GAAAATTAAATAGGAAAAACAGGGTCCATATGCTGTGAAAACTCTCAGAA
CAGTGTGTCAACTTTCATTAACGTAGGTAAATGTACGCGGGGCTTTCTGG
TCT
>Sequence 440
CCGGGCAGGTACCAAAGTTTGTTAAAACACCCAGAGAGAAGACGATGCTT
GAGTAAATGTCTTGCTTTCTTGAACCCTCAATCAACACATTTAAGCCATT
TGGTATATGGAGAACTGCCATAGTGCCAGACAATTGAATAATTCTGCTGG
ATTCTGTTGGAACACTGTCTTGTCTTCAAGAGAAGACTGAAGATTTCTGA
AGTCATGAATCACCTTTATTGCTTGTCCTCTCGAAAATTATACATTCTTC
CCCTCTGACTTAACCAAATAGAATGTTGTCACGTGACTTTTTTCCTACAT
TTCACAAATAAATGTTGCAAATCACAGACAGTTCTCTAGAAAGTGAAAGA
CATGTATTTTGCAATAATACAGTGATTTTTGTCTCTATTATTCAGGATGA
TTGATGTAGATGTAATCAGTCTGTCTCTTAGATATTGGTAAAA
>Sequence 441
CCGGGCAGGTACACTCTGGGTCTCCAGGCAGCAGCCGTCGCCGCATCCCC
GGCAGCGGCTCCAGGCAAAGTGACAGGAAAAGACGATTTCTCTCTGATTC
ACAATCCTGAAAATGTGATCTCCCTTAAAAAGAGGACAGTGCTGATGTGA
GTCTGACGAAGTGGACATCACCTGCAGTCAGTCCAGAGCTGCCCAGTCTT
GAATATAATCATGGCCAAACCTTATGAATTTAACTGGCAGAAGGAAGTTC
CCTCCTTTTTGCAAGAAGGAACAGTTTTTGACAGATACGAGGAGGAATCC
TTTGTGTTTGAACCCAACTGCCTCTTCAAAGTGGATGAGTTTGGCTTCTT
T
>Sequence 442
CAGCAGCCCATCACTGTGTCTTTCACCCCTAGGGCTCACAGTGACATTTT
CTGGCCCCATCAGGGTGTGCTGCACACCTGTGTGGAGTCT
>Sequence 443
AGGTACTCTACGGTGTCAATAATTATTTCAGTCTCTGCTGCAATTAGTGC
TAATTACAATACCTGAGCTATAAAAATAAAAGATTTCATTATAGCAAAGT
TCACAAATATCGTTTTAGTTCAGTTATCCACATTGTTCATCTAAAATAAT
ACATTTTCTTTACATATAACTGTCTTAGACTTGTAATTGAGGATATTTGA
TGAAACAGATCTGTATCTGAAACAGCACTATGATGCTAAACATTTGCATA
AGGAATGAAAAAAGTTAGCAACCTAGTTTTTTCAATATTCAGATATTTGA
GATTACACAGAAAACTACATCCAGATGAATGACTGAAT
>Sequence 444
AGGTACTTTAGTGTATTGTTCCCTTGCTCCACCCTTCTATCCCCTTATCT
AAATGGAGTTACTGTTGCTTCGTGTTTTTTTAACCCTTCCAATTCCAGTC
CTTGCTTTCCTGAGTTTAAAATTTATCCTGGGAAAGAAATATATTAAAAT
AATTGTGGCAAACAATTATACTTTGCTTTTAAGAATGAATTTTTTTTGTA
ATATATTAATTCTGATATCCTTTAAGTTAAGTAAATGCACAGCCAGTTTA
TACATCTTCATTGCTCATTTTGTTGTTTTAAGATACATTGTAAAGAATAT
TTTATTTCCTAAAAATTTTATTTCCTGCATATCTTCTCTAAGATTCTCTG
GCTAGCAAACATTGTTATATATGCATAGTTTACACCTTATTAGAAGTAAA
A
>Sequence 445
CAGTGACCGCTAATAGTATCGGCGAATGGGAGTTCCTCCGCGGTGGCGGC
CGAGGTACATAGAATATGAACACAGCACACACATGAGAGACGCAAGTGCC
AAATGTCTTGGCCTGGGCTTCACGTGTCAAGCCCAACACAGTCTTAAGAA
TAAGCAGATATGAGAAGGAGATGAGAAGTGAGTCCAGGCTCAATGGGCGG
AGATGATGACGATAAGGCCATAGACGACATTGACCCGGATATCATCACAG
GCCAGCTTCATGACATCTTGGTGTAGGCAGTAGGAATGGGAAAGGATATT
GGAGCGGCAGAAGGGCAGCTGCTTGATGAAGACAGGAAGGGGTGCCA
>Sequence 446

Table 4



AGGTACACTTTTCATACTAAGAACTAGATCAATGTCTTTAATTCCTTAAA
TGTCATTAGCTCAAGTTTGAACAGAAACATATTACATTACTTTTTTTTTA
ACCAAAAGGCTTCATTCATTTAATAAAACAAGAACTTACATTTTATTTCC
TTGAACGGACAGAGAAATACCTTTCATTTATCAAGTGTGTAAATAATGCC
CATGTGACAGATACATAGCTAGTGGATCCCATGGACAGTATGACATAGAT
ATAAGAGCTTATTGAAACTCGCGGACCATTAT
>Sequence 447
AGGTACAATTTTATCATTCAGCTCTATGAATCTGCTTAACTATTTCCCAA
TTAGAGGAAGTTGCAGACACAGGTTACGGCATAGGGCAAAAAGGTTGCTG
CCTAATTGAAAAAAGATGCTGTCCAGGGACCTATAAATAGCTCTTTAAAA
ACCTCCACCTTTGCTATCATTTTCATTCAATTTATGACTTTTAAAACTGC
AGTTCCAAAACTGGGTGCCAGAGTGCCTTGGGGCACTACCATGAATTCCC
CGCGTCCTGCCCG
>Sequence 448
CCGGGCCGGTACCATTCTTATCTGATAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAG
CAGTTTAGATATGGACTGCATGGTAAAATGAAAAGTAATAACCCTCCAAC
CACAACCTAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGAAAACAAAGAA
GAAAATATTATTGAAAAAAATGGAGATTGCGCAACCAGTTTCATATTTGA
AGGATCTGAGTTGGATGTTTATTAACGAAATTGTTTTTCTGAATACTGTC
TTTCAAAATGTGAACATTAAAATCTGAATCAGAGGACTCTGAATGGAAAA
GAAGTTTGATCACTGACACCTAGGGCTCTGAAGCGTGTGTGGCCACATGG
AAAAGTCGAAGGATGCGCTGCCGAATGTCCTTTGTCTTCACTCCATAGAC
AATTGGGTTGAGCACAG
>Sequence 449
AGGTACTTGGCAGCTTCGGGCCTCTGCATGTGCTTTTTCCTTTAGGTCTC
ACTTTGGAGACTGCCCTCCACCCCAACCCCACTGCATTATGAGGGGCCAC
TTTTTTTCACAGTTCTGGTGACCCTGTAGTTTC
>Sequence 450
AGGTACATAGAATATGAACACAGCACACACATGAGAGACGCAAGTGCCAA
ATGCCTTGGCCTGGGCTTCACGTGTCAAGCCCAACACAGTCTTAAGAATA
AGCAGATATGAGAAGGAGATGAGAAGTGAGTCCAGGCCAATGGCGGAGAT
GATGACGATATGGCCATAGACGACATTGACCCGGATATCATCACAGGCCA
GCTTCATGACATCTTGGTGTAGGCAGTAGGAATGGGAAAGGATATTGGAG
CGGCAGAAGGGCAGCTGCTTGATGAAGACAGGAAGGGGTGCCATCAGTGC
AGCCCCCCCGCACCACAGCAGCCACACCAATTTTGGTGACACGAGGCAACG
TAAGTACCTGCCCG
>Sequence 451
AGGTACTAAAGTCAAAAGAGGAAAGCCATGAACAGTCAGCAGAACAGGGC
AAGAGTTCTAGCCAAGAGCTGGGATTGAAGGATCAAGAGGACAGTGATGG
TCACTTAAGTGTGAATTTGGAGTATGCCCCAACTGAAAGTACCTGCCCG
>Sequence 452
TCACGTCGGTCGCATCGTAAACTGGACAGTTTCGAAATGTTGGTCTGTGT
ATTGTAGATGCAGTCTACCTTCAATCAGTTACTCCGCATATATTTTCGTT
GAGTGTATTAACTGTTAATTAGAATGTAACTAGCACCTTTCTTCCTCAAA
TAAGCNNTAGGTGTCGCCGTATAT
>Sequence 453
ACACTGTGAGTCCAAAAGGGCCAGCCAAAAAGGGCCAGGGAAACCCGTAA
AAAAGGCTCGCCGTATGACTGAGCGCTTTATTACCATAAGGCCTTCCGCA
CCACCCATGGACCGAGTCAATACACAAAAAAATTCGGACGGCCTTTAAAG
ATCAAGAAGGATGGGCCGAAAAACCCGAACAGGGGACTTATTAAAAGAAA
TACCCAGGGCCGGTTATCCCCCCCTGGGAAAGACTCACCTACGATGGCAG
CCTCATCCCTGTATACCCGAACCCCTGCCCGCTTTAACCCGGGAATAACC
CTGGTC
>Sequence 454
CAGGTACTAGCTCCTGTCCTGCTGTCTCAGGACCTTTCAGTTCAAGCATC
CTCCTAACCTGAGTCTCTGTGTCTCTTACCTCAAATTCTCTCTCTCAAAA

Table 4



AAAAAAAGGTGGGGGGGATTGGCTGGGCCAGAATTTGGCCCAAAGCCACC
ACTGGTCTGTGGTGACCAGGAGCAATACCATATGATTTCCCAGGCCCCAC
CCTTTCAGCAAGAGGCTGGAATTTGGGGGGAGGGTCGTGATGTTTCCTAC
TAACTGGCCATTAGCTGGATCATCATTTCCAAAGGAATCTAATACAATAA
TGTCCACAAAAAGCAGTGAAGGATACAGAGACCACAAAATAGATCCACAA
CATGGGACAGAGTGTCATTGGCCTCCCAACAGTTTCACAGGAACCCCTTG
GATGCTGCAGAGCATGGGTCTCTGGGGACTGGAGGAGCCTGAGGCCCT
>Sequence 455
GAAGTTGAGACACTACGAATACGGCGAATAGGTTCTCAGCCAAAGTCGCG
GCCGCCCGGGCAGGTACGCGGGCAAGAGATCATTTGCCAAACTGTATTCT
CTAGCTTTCTTGCAAGATGAAAGGAGACTACCATTAATGAGCCACTAGAC
TATTTAGCAAATGCTTCTGATTTCCCCGATTATGCAGCTGCTTTTGGAAA
TTGCACTGATGAAAACATCCCACTCAAGATGCACTACCTCCCTGTTATTT
ATGGCATTATCTTCCTCGTGGGATTTCCAGGCAATGCAGTAGTGATATCC
ACTTACATTTTCAAAATGAGACCTTGGAAGAGCAGCACCATCATTATGCT
GAACCTGGCCTGCACAGATCTGCTGTATCTGACCAGCCTCCCCTTCCTGA
TTCACTACTATGCCAGTGGCGAAAACTGGATCTTTGGAGATTTCATGTGT
AAGTTTATCCGCTTCAGCTTCCATTTCN
>Sequence 456
CCGAACTAATTTTTTTTCACTAAATTGTTGATTAAATACGTATATAAAAT
ATTCATTCGAAAAATTTTACTCATATATTTTGTTAATAGATCTTCTCNTT
TTTTTTNTGANCATTAGTCCGAGA
>Sequence 457
GGAGCTCCCCGCGGTGGCGGCCGAGGTACTTGAGTTTTCCTGAGCCACCT
TTTCTAAATTAGTGTCATTTGTAATATCAATAACACATTTTGGTGTGGGT
GGTCTGGATACAAACTTCTCCTTTGGTAGCAATTCCATGGTATGTGTTTT
ATCCATATTGCATTCCTGAGGAAGTAAATCATTAGAATTATGATCAGAAA
CTGTGGACTGTTCTGACGAATGAATAATCATATCTTCTTGAAGCTGAATG
TCAACAGACTTCCGCTTCTCTGCTTCTTCATGTTTTTTATCTTCCTGTAT
TTGATCCCAGGGAGGCTGGCTATTTTTTAAGGTCTCTTCTCCTGCCTTCT
CATTATTATGGAGGTTTTCCTTCTTA
>Sequence 458
AGGTACTCCGTTGCTGGGTTTGGACAATGATCATGGGATTAGTCCCAAGT
TTGTAGCTTGGAACGGTAGCATTTTTGCCTGCGTGATCCTTGTCAGCTAT
TCACAGAAGGAAATCTTCCGAAACTCCGTCTTTCATTTCAGCCGGTGAGG
CTGTTATCCTTCTCTGTCAATTAGCATTCATGTGGTTTTCGCTCTTTCCA
CCTTTGTCACTTCTTGTTTAAATTAAAAATTACCCCCACTTTGGGTTTAT
TGGCCTTGGCCTTTTTTTTTTTAAATTTCGGGGGTTATTAATGTGGCCCCC
TTAAGGGGGGGGAATCCCTCCTTCCCCCCAAGAGAAAAAAAAAGCTTTTT
TTTTTTTTTTTTTATAACAAAAAACGCCCCGCCGCCCCGCCCCCCTATTT
ATAATTTTTATATTTTCCCCCCCCCGGGGGGGGGGGGGGGGGGCCCCCC
CTTCTCATTTTTTTTGTGGGGN
>Sequence 459
AGGTACATAAAGGTCACCGAGGACAGTTCTGGTGGAATGATGAGGGCAGA
AGTTTCATTGGCATGGGTTCGAGAGAGAAATGAAAGAGGATTGAAGACAG
TGAGTATAGACAGCTCAGGAAGTTTAGCTGTGTAAGTGAACACAAGATGA
GTGGTCACTAGAAGGAGAGGTGAGCCAAGAGGGAATGATGGGAGAAGTTA
TAATATGTTGATGGTCAAGATAGAATGACTGATTAAAGGGGAATTGCTGG
GGCTCTGTTCCTGAGTAGGCAAGAGCAGGTGAGATAGAAGACATAGGTGG
AGGGATTGGCCCTAAATACATGCGTGGACAGATCCTCCTTATGAAAAAAA
GAAGGCAAAGTGTATGAACTCACACAGTAGTAGGAGAGTATATAGGGTGG
TACCTGCCCG
>Sequence 460
TGTTTGTACGATACTAA
>Sequence 461
GGCCCCGGGTACACCAAGCTTTTTGGTTTCCCTTTTAATTGAGGGGTTTA

Table 4



ATTTGCCGCCGCCTTGGGCGTAAATACATGGGTCAATAGCCTGGTTTTCC
TTGTGTTGAAAAATTGGTTAATTCCGCTCAACAAATTTCCACCACAAACA
ATAACCGAGGCCCGGGGAGCCAATAAAAGGTGGTAAAAGGCACTGGGGGG
TGGCCCTAAATAGAGTTGGAGCCTAAACTCCACATTTAATTTGCCGTTTG
G
>Sequence 462
ACGTCCTGGGTCATCGATG
>Sequence 463
AGGTACTTCTTGGATCTTACATAGGCCTGAAAGTTTAGTTGCACTACTTT
AGGAATCTCTTTTTATGCATTTGTTCAATTAAAAGGCAACAAAGACAAAT
CCTTAAGAAAATACCAGTATTTTTCCTACATATAAAATCAAGGGTCCTTG
TCTGACGATGGATTTTACTAGTTACGAGAATCTTCCTATATTTCTAGTTG
AATCCCTGTCATTTCCTGTAATAGACTTATATTTTACCAGCAGCCCTTAT
GCGATTTCTTTGTGAAAAATATTTCTCTGTATAGAGGAAAGTTTATCATT
TGGAATGTTAAATGCAATTATATTGACATATGGTGATAATGGGACAAAGC
ATACGGGTTAAAGGTTGCAGGAACCATGGCTTGGCAATTAGCGATGTAA
>Sequence 464
AGGTACAGACAATAAGAGAGAGAACCTCAATGAGGTAGTATCGGCCTTAA
CAGCACAACAAATGCGTTTTGAACCTGATAACAAAAACACTCAACGTAAA
GACCCCTATTATGGAGCAGACTGGGGAATAGGGTGGTGGACAGCTGTAGT
GATAATGTTGATAGTAGGTATAATAACACCAGTGTTTTATTTGTTGTATT
ATGAAATTTTAGCTAAGGTGGATGTTAGTCATCATTCAACAGTGGACTCT
TCACATTTACATTCAAAAATCACACCCCCATCACAGCAGAGAGAAATGGA
AAATGGAATTGTGCCAACTAAAGGAATACATTTCAGCCAACAAGATGATC
ATAAACTGTATAGTCAAGATTCTCAGTCACCTGCTGCTCAACAGGAAACA
TAGCAA
>Sequence 465
AGGTACGTAACTGTAAGAGGACTGAAAGTTCCAGACTGTATAAAGCCATC
TTACCGCTCTATGATGGCTCTTCAGGAGGAAAAAGGTAAACCAGTGCATT
GTGAACGTCACCATGAGTCAAGCTCAGTAGACACAGAACCTGGATTAGAA
GAGTCAAAGGAAGTAATAAAGTGGAAACGACTCCCTGGGCAGGCTTGCCG
TATCCCAAACAAACACCTCTTCTCACTAAATGCAGGAGAACGAGGATGTT
TTTGTCTTGATTTCTCCCACAATGGAAGAATATTAGCAGCAGCTTGTGCC
AGCCGGGATGGATATCCAATTATTTTATATGAAATTCCTTCTGGACGTTT
CATGAGAGAATTGTGTGGCCACCTCAATATCATTTATGATC
>Sequence 466
CGAGCGGCCGCCCGGGCAGGTACATAAAAACAATCACATACAATTAATGC
TGGATTGTTCCCACAATTTTTTGATCAAGTAATTATGAATTAAAACTCTC
AGTTTTCTAAAAACAATCACAAAGACAATTCTGTTAAGATGAAGACATTA
TAATTGAAAAACAATCTATAATTGTATGTGTAGATATATTTGTTGAATTT
ATGACCTTCATAGTCTAAAATTTAGGAAAGTAATGTTTTTGAATTGATCA
GCACAGCTAATTAACTAAATTCACATACTTAAAATTTGAAATTCTAGCAA
AGATGTATATAAAAAACAATTAGACAATGTCCAGCTGAATTTTAGAATTA
TCCAAAGTATTGCTAAGAATTTGTAGATGGGCCCTCATCCCGCGTACCTC
GGCCGCTCT
>Sequence 467
CCGGGCAGGTACCAAATCTTCAGAATCTTGACTTAAGAAAGTCAGAATTG
GAAACAGAGCTGTTACAATGGCAATGACGAGCTGCTCAGCTCCTGAAACA
AATTTTCTTTGTCCTACAGCAACGGATCTGCAAATTAATTTTCTTTCTTT
GCTGGAATCTGTTACCTTGCATCCACTCATGGGCAGTCACCTAGAGGCTT
CCCCACCACCGGCCCAGACACATCTCCTTCATTCTTATGTTGTTTTAGAA
ATGTGCACGGATGCTTTCTTTTTAATAAAAAAAAATATAAACTTAGTCTA
TAACAGATATGCACTTGTAATGAAAGTTTTATTAAATGGAAATATAAGTG
AGAGAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGGAGTACCTCGGCCGCGACC
>Sequence 468
GGTACCCCCAAGATTATTCAATCATTGCTTATGACTGTGGCAAACAATTT

Table 4



TGTTACCGACAAGAACTCTGGAGAAGTCATGACAGTCGGAATCAATGCTA
TAAAGGAGATAACAGCTAGATGGGCCTTTGGCCCTTGAATGGAAGAAACT
TTCTCCAAGACCTTGGCTCAGTTATAAAACCACCACAATGAATAAGGAAT
GTAAGTGAATGGTCTTGCTAGAAACCTTTTGATTTCAACCTTCTTTCCCG
AACCACCTGAAATTCCTTCAGAATGCCTGCCATAAAGAAAGATTTCCCGG
GGGTTAAGCCCTTACCAGAAAGGCCCCTCCCATTAGAAAAGCCAAGAAAT
TTCCCCTGCCCCCCGGAGCGGGGCCCGGTTTCTTAAAAACCTTTGGTTGG
GAATTTCCCCCCCCGTGAG
>Sequence 469
CCGGGCAGGTACTCTTTTCAAGGCTTTACTTCCAATCTTCCCCTTAAGTG
CTAGTGTCCAGAGGAAAAATTATTTCTTCTCTGTAGAAGTCATTTTGAAG
ACAGTATTTTTCTGAGATCCAATGTGGTTGGGAGTTCTGAAGAGGAAGTT
ATAGTTTTAAGCTAGATTATCTCATTTTATTATATTCTGTGTTTATTTTC
CTTTGCCGTGCTTAGGCCTTTGGCAAATGTTCTCTAGATGTACCT
>Sequence 470
AGAGTCGACACGAATACTATCTGACTATATGGCGACATCGCAGCTGTGGC
GGCCGCCCGGGCAGGTACACTGCATGTGAAATGTGGAAACTCTACAGCAT
ACACACCACAGCTTCTTTCCAGACAATCATAACTGACTTTGCACACACAC
AAGCTTCATAGCATCTCAACTTTGGGCCTTGCAAAATATACATCTTGACT
TTTGGGTTGCTGTGATAAAGCATCATATCAAATCTGTAAGTGGGGTCTGT
GCTTAAATAGAACCTTATAACAAAAGCTGAAGATTATAAAACACAATAAA
AAGAGAAAACTACTCATTACATATACTGAAAGGAGATCAAACCATGGAGA
GTAATCATACCTTCAGTACCT
>Sequence 471
ATGGTGAAGCGCAGCGTGTCGTCCTTGTCGGTCGTGGCCTCGTACATCGC
CTGGGCGATGCGCAGGGCCGCGGCAAAGGCATCCTTGCGGGCGGCGCGCG
GCGTGGTGCCGGCATGCGCCTCCTCGCCCACGATCTCGACGATATAGCGG
CGGCTGCCCTGAATGGCGGTGACGACACCGATCGTCTTCCGCTCGTTTTC
CAATCGCGGACCCTGCTCGATATGGGCCTCGACATAGCCGTCGAGCGGGA
AACCGGGCTTGCCGTCGCGCATCGGCGCCGGAGCGACCTTCAAGGTCTCG
GCCAGGGCGTCCTTCAGCGCGACGCCCTTCCAGTCCTTCACGAGGAGCAT
CTCTTCGAGCTTGGTGTGCCCGGCA
>Sequence 472
TCGGATCGGCCGCCCGCGTCTCGCCCAGGACGGCGACGATGCCGGGGCAA
CGCAGCCCTTCTTCCATGGCCCAGAAGAGGTCCTCGTCGCGCCGCGCCGT
GACCATCAGCAGGCGGGCCGGATCGAACCAGGTCGAAAGCGCAGGGGCAT
AGGGCAGGGCATCGAAAACGCCCGTAGGGCGGCGGCACCACAGGATCGTT
CCGCCGGCCCGCTGGGCGAAGCGACCGATCACGTGCCCGGCAAAACCCAG
GGCGGCGCCGTCATGCGCGGCGACA
>Sequence 473
AGGTACTTACGTTGCCTCGTGTCACCAAAATTGGTGTGGCTGCTGTGGTG
CGGGGGGCTGCACTGATGGCACCCCTTCCTGTCTTCATCAAGCAGCTGCC
CTTCTGCCGCTCCAATATCCTTTCCCATTCCTACTGCCTACACCAAGATG
TCATGAAGCTGGCCTGTGATGATATCCGGGTCAATGTCGTCTATGGCCTT
ATCGTCATCATCTCCGCCATTGGCCTGGACTCACTTCTCATCTCCTTCTC
ATATCTGCTTATTCTTAAGACTGTGTTGGGCTTGACACGTGCAGCCCAGG
CCAAGGCATTTGGCACTTGCGTCT
>Sequence 474
CCGGGCAGGTACCGATGAATCGGAATTTGTCTAATGAGGAGTTAACAAAA
TCAAAGCCATCTGCTCCACCCAATGAAAAAGGAACCAGCGATTTACTTGC
TTGGGACCCCCTATTTGGACCATCTCTTGATTCATCTTCTTCATCTTCAC
TAACTTCATCATCATCAGCCAGGCCCACAACTCCTCTTTCTGTAGGCACC
ATTGTCCCACCTACGAGGCCTGCTTCCAGACCAAAGCTTACTTCAGGCAA
ACTCAGTGGGATTAATGAAATACCCAGGCCATTCAGCCCACCTGTAACTT
CCAACACCAGCCCACCTTCTGCTGCACCATTAGCCCGGGCAGAAAGTTCT
TCTTCTATCTCATCATCTGCTTCATTGAGTGCTGCCAATACTCCAACAGT

Table 4



AGGTGTGTCACGGGGTCCCAGCCCTGTCAACCTTGGAAATCAGGATACCT
TACCTGTGGCAAGTGCCCTTACAGAATCTGTTAATGCCTACTTTAAAGGA
GCAGATCCCACCAAGTGTATTGGGAAAAACACTGGTGATATGACAATGTC
ATTTCCAAGTGGAATTATTAAAGTCTTTACCAGCAATCCAACTCCAGCTG
TGTTGTGCTTCAAGGTGAAAAATATCAGCCGACTTGAGCAGATTCTTTCA
AATGCACAGCTTGTGTTCAGTGATCCATTACAATGGGATTCCAACACAAA
AGAATTTTGATGAACATGCCAGCTGTTACAGTCTAACTTCAGAAACTGTC
AAAGCAAAAATCAACTGCTTTTAATATAATGTGGATGTTTAAAAGTTCAG
GTTTCTCAAATGGTTTCAGGTCACTCCTTTGAATCTGCAAT
>Sequence 475
CCGGGCAGGTACCAGTCAATGTGATGAGTTGAGAAAGTGAAATAAGATTA
CAAATATGGGAATAAAATTATCAACCTACCCAGAACTATTACCCAACTGA
AAAAGGCGAAAGAAATTAACAACAGCAAAACCTTTAGAATAATTCAGTAA
CTGGCTAGTTACAAAATCAATAACCAATCGCCAAGTTAAACTATTATACA
ACTACACACTACTCTCTTATGCAGAGGTAAGAATGAGGTAGATTGATGTG
TACCT
>Sequence 476
GCTTGCCGATCGTGCTGATCAGGTTGCCGAAGAAGCCGCCTTGCGGGGTC
AACTGGCCTTGTTGCTGTTGCATCTGCTGCATCT
>Sequence 477
TGCCGGCTTTCTTCTATAGTTGTAAGATGGCTGCCTCATAAGATAATATC
TCAAGACAGAAAGGAAGGGTCATTCCCTTTCATGCATTGCTCTTTTGATT
TGCAAAAACATCCCTGAGAAGCTCCCCAGCCAGCATACTCTCGTGCTCCA
TTGTCTAGAACTGGCTTACTTGCCCACCAGCAAACCAGTCACTGGAAAAT
GGGAATGGGATTGCCATGATGGGTTTAGACCAATAGTGGTTCAGCTCTTG
GGCTGGACCTGCCTTTTCCGAGCACTTTGCTGCCTGCCTGATACCTGAGT
AAAATCAGGGCTCTCTCAGGAAGAAAGATGGGGGAAATGGCTCTTGGTCA
AATAACCAGTTCTTTTATCTTTATAATAACCAGTTTTTTTAGATGAATTA
ACCGAGTTCCAGAATAACTGGGTG
>Sequence 478
AGGTACACCTTATCATCCTCATAATCAATAAATACACCTTTATCCATTGT
CCAGATTTCCCAAACAACACCTTTAATGGTTGGTGAAAAATCTGGAATCT
CATAGGTAGCGTCATTGACTGGACAGTAAACAAATCCATCACTTTTTTCA
TCAATGAAAACTAATCTGGTCCCATTTGGGTCGGGAAAAATCTTTTTCAC
ACTGACAGGATGTCGATAATCATTAACGAATTGCCAGTCTTCAATGTAGA
AATACTGAACGACACCAGTATCTGTACCTGCCCG
>Sequence 479
TCCGGCCCTGGCGATGCGCCAGGCGGCCTGACGCCGACGATTCGTGTCTT
CGTTTGACGCCGGGCTGGTCCCGGCGTTTTTTTATGGCG
>Sequence 480
AGGTACATCCAATACCCGAAAGCACAAGATTAGAAGTCTCCAATGATTCT
TGTTTAGCTTCTTCCCCAGTTACCTCATTATTGTAAGAACAGATGAAA
>Sequence 481
AGGTACATCACCCTGCTGAGGGACATCCAGGACAAGGTCACCACACTCTA
CAAAGGCAGTCAACTACATGACACATTCCGCTTCTGCCTGGTCACCAACT
TGACGATGGACTCCGTGTTGGTCACTGTCAAGGCATTGTTCTCCTCCAAT
TTGGACCCCAGCCTGGTGGAGCAAGTCTTTCTAGATAAGACCCTGAATGC
CTCATTCCATTGGCTGGGCTCCATCTACCAATTGGTGGACATCCATGTGA
CAGAAATGGAGTCATCAGTTTATCAACCAACAAGCAGCTTCAGCACCCAG
CACTTCTACCTGAATTTCACCATCACCAACCTACCATATTCCCAGGACAA
AGCCCAGCCAGGCCCCACCAATTACCAGAGGAACCAAAGGAATATTGAGG
ATGCCTTCACCCN
>Sequence 482
CCGGGCAGGTACTTATGTATTTCACGCCCTTTAATTTCAAAGGCCCCAAC
CCTACAAGGTATAGATCAACTTTGCCTATTTTTTAGTGTGGAAACTGAGG
TTTAGAGAGGCCTATAAAATTTGTCTACAGTTCCATAGCCATAAGCGTCT

Table 4



GATTGATAAAGCAAACCCAAGTTCTTTGTAGAAGAGCTGTTATACTGCCT
TTAGTGTGTAACTACTTCATGAACTCAGAGTCCATTATGATTGTGTAAGG
TATGACAGTTTGGCATTTCTACCAAGAAATGAAGGCTTGAATGGGGCAGA
ATGACAGCACTTGGTGGTTAGGAAGAGAAGAAAGTTTTGGATAATGGGAT
AAT
>Sequence 483
CCGGGCAGGTACATAGAATATGAACACAGCACACACATGAGAGACGCAAG
TGCCAAATGCCTTGGCCTGGGCTTCACGTGTCAAGCCCAACACAGTCTTA
AGAATAAGCAGATATGAGAAGGAGATGAGAAGTGAGTCCAGGCCAATGGC
GGAGATGATGACGATAAGGCCATAGACGACATTGACCCGGATATCATCAC
AGGCCAGCTTCATGACATCTTGGTGTAGGCAGTAGGAATGGGAAAGGATA
TTGGAGCGGCAGAAGGGCAGCTGCTTGATGAAGACAGGAAGGGGTGCCAT
CAGTGCAGCCCCCCGCACCACAGCAGCCACACCAATTTTGGTGACAC
>Sequence 484
AAAGGAGAACGTCACAAGGCATGGTAAGGTTGAACTGC
>Sequence 485
AGGTACTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTTGGGCCCATCATTCTCTT
ACTCAATTCTCTTGCCTTCTTTCCTAAGGGGAGGTTTTACCAAGGACAAC
ATATTTCCCACACACTCTACTTATTCCCAATGACAGGGCAGTTGCCCCTG
GATGAGGCTCCCTGAAGGCTTTATTAAAAGCTTGGGAATTTCTGATCTGA
ACAATTACAACCTGATGGTGTTTTACGACCAGAAGAGAGGATAAACCATA
GTCCATTCCATGATATTTCAATCTTGCATCTCTCCTCTAGCTGTTCTTAT
GCTCCTTCTTGATAACAGGATGGCATTTCAATTCCATCTTCGGCCATAAA
GGCTCTGAGCGCGCCTTTGCCAATGGCAGTTCACCTGAGGGA
>Sequence 486
TCGGCTCCCAGCTACTCACAGAGAACGTTTCTGTTTCTGACAGCAGAGTA
AGAGAAGAGGTGAGAAGAGAGACAGCCCATTCTCTTTTGGCCTAATTCCT
AAGGAATCATGCCTCTGCCTTCGGGCCATTCTCAAGTCTTGTTCAAGGAT
AAAATGATTTATTGATGGCCGTAATTAAAAAGCAATGCCAACGGAAGCAG
CGTCAGCATTTTTCATTTGTACCT
>Sequence 487
CCGGGCAGGTACATAGAATATGAACACAGCACACACATGAGAGACGCAAG
TGCCAAATGCCTTGGCCTGGGCTTCACGTGTCAAGCCCAACACAGTCTTA
AGAATAAGCAGATATGAGAAGGAGATGAGAAGTGAGTCCAGGCCAATGGC
GGAGATGATGACGATAAGGCCATAGACGACATTGACCCGGATATCATCAC
AGGCCAGCTTCATGACATCTTGGTGTAGGCAGTAGGAATGGGAAAGGATA
TTGGAGCGGCAGAAGGGCAGCTGCTTGATGAAGACAGGAAGGGGTGCCAT
CAGTGCAGCCCCCCGCACCACAGCAGCCACACCAATTTTGGTGACACGAG
GCAACGTAAGTACCT
>Sequence 488
AGGTACTCAGAACGTCTTTCCCCAGCTCTGAGATTTTCTTAAAAATCCTT
TGAGGTTGCTCCTTGCATGTCTATGGTTTCATTTCTTTCTACATCCAGTC
CACTTTAATTCTTCATGAATTTATCCTGATGTGTGAGATAAGAATCCCAC
TTTCATTTTTTTTTAAGGCCGACAGAATTATCTCTAAAACTAGAACAAAT
TCATTTTAAATCCACATGGGGAAAATGGCAAGCTAAAGAAAACAGGAACA
TTCTGGGGGAAAAAAAGGAGTAAAGGGACCCATCCAGATGTCGAGGACTC
GGCCCACCCGCGTACCTGCCCG
>Sequence 489
AGGTACATGCCCACGCCAGCCACACCGACCAACTGGAGGGCAGCCGAGCA
GGCACGGACACAGCTGTCCAGACCAGGGCCAACCAACCTGCAAACCTGCC
ACGTGAAAGGAGTGTCAGGAGAGGAGAAAGGCACAGCTCCCCTGCAGCTG
CACCCCTCTGGGTGCAGTTACGGGGCTGGCTGATGAGACAGACAATGGGT
GTGGCATGTGGGTAGTAAACTGTCTCATGGTGTAAAAATGCTTGTCACAT
TTCATGTGAACAGAATCAACTAAAAAGTTCTGCCACAAATGTCATAGGAA
GAATGACAAAAAAAGAGGTTCAGTGATCCGCGTGCCTATAATCCCGAGGCA
TCTACGTCACTGAGATAAGAAAGGGCAGCCGGCATATCTTCCCTCCCACC

Table 4



CCTCATGTATCTCTTCCCATCTTGATTTAAAACAAAACCAGTGTTAGAGG
AGACTGGAGTTTTCAGATTGTTGGCTTTCTTTTTGCTGCCATTTCTATTC
CTCACCAAGAAAAGAATAATAAAGCTAATACTGAAACTTTCAATTTACAA
GCTCCCAAGGTTGAAAATACATAGATATGAACGAAGTTACCTTTCAGAGA
ATAATAACCACTGGCCCTGCAGGATAACAGGACAGTGCTTATTATTTTAA
ATTATAAGTGGAATGGAGAACAGCCTTTT
>Sequence 490
AGGTACCTGAGGTAGCTGGAGACAATATACTGTCAGGGAAACGGGAATCT
GAAACGCGTCTGAACTGGTTAGATTTGAAGGCAGTAAAGTGGCTGCCAGC
ATTGAAGGATGAGACACTGGCAGTCCACAGTATCTGGTGGTAAAGAGATA
CTTAAATTATCCCCTGTGCTTGTGGGAAATAAAGTGCCCATAGAAGGAAG
GCTGTGTCAGGCTACATGTCTACTGTCGAGGGCAAGTATGGCAAAAATGA
GAAGCACATTGACTATGGAGTATGTCTGGCTGTATTCAACTGTGTTCAAA
ATCTTAAAGTCAGAAAATGAAACACTCAGGACTTTTCATTCTCAGCTTAT
GACGTAGTCAGTGGACCAGGTAACATCTGTGGCTTTAAGGCTATCTTATT
CGAGCGGTCGCCCGGGCAGGACAACCCTGAAAAAGAGGAGGCTGGACACT
TGTATAGACTTATGCAAAGCTTATGCTTTGAAAAAATATGTGGAAATTGG
CACCTCCATGTAGAGTCACCACATGAATGTTTATCTTANAAACTTGTTAC
AAGCACACTGGTGGTAACTGGGGCTTTCCAATTCGTAATTATAGACAAAG
ACTTAATAAACATTATTTGATTGGGAGGCTTAAACTGTCTGTTGCTGTGC
CCCTACACAAGGGACAATAACTGGAAACCTATGCCCTGGTTCTCTACTTT
GTAATGGGTGAAAGTGGTATTAAACCTTTCAAGGATTCCTTATCTCCTTA
AAATTGGCGGACGGAATGCCGTTTTCCTTTTTACAGGCCCTCATTTGAAA
GGGTCCCCGGAACTGTTTACTTTTCCGGTCTTTTTTAAACAATATACAAA
GTTTCTAAATGGTTTTCAAACCCCCTC
>Sequence 491
AGGTACTTACGTTGCCTCGTGTCACCAAAATTGGTGTGGCTGCTGTGGTG
CGGGGGGCTGCACTGATGGCACCCCTTCCTGTCTTCATCAAGCAGCTGCC
CTTCTGCCGCTCCAATATCCTTTCCCATTCCTACTGCCTACACCAAGATG
TCATGAAGCTGGCCTGTGATGATATCCGGGTCAATGTCGTCTATGGCCTT
ATCGTCATCATCTCCGCCATTGGTCTGGACTCACTTCTCATCTCCTTCTC
ATATCTGCTTATTCTTAAGACTGTGTTGGGCTTGACACGTGAAGCCCAAG
CCAAGGCATTTGGCACTTGCGTCTCTCATGTGTGTGCTGTGTTCATATTC
TATGTACCTGCCCG
>Sequence 492
GGTACACAGAAAGGGAGGTGTCAACAAAAGAAGATAAGCCCATACAGTGC
ACACCTCAGAAAGCCAAGCCAATGCGGGCAGCTGCTGACCTGGGGAGGGA
GAAGATCCTCAGGCCACCAGTAGAAAAATGGAAGAGACAGGATGACAAAG
ACTTAAGAGAAAAACGTTGTTTTATTTGTGGAAGAGAAGGGCACATTAAA
AAGGAATGCCCACAGTTTAAAGGCTCTTCAGGTAGCCTTTCCAGTAAATA
TATGACTCAGGGAAAAGCCTCAGCGAAGAGGACCCAGCAGGAATCATGAG
GGAAGGAAAATGCAGCACTCTAAATGGCCACTCAGGCGTTCCTATTCACT
CGGAAAATTAGGTTCATTTCACAGGACACAGCAGTGTAGATCAGGCTTCA
ACTTAACATTTAAGGGAAATGTCAGATTTTTTTTTTAATTTAATGAAATT
GTTAATGAGGAAAAATTTTTAATATAGTCTTATCTACCACACATCCNCAT
AGATTTAAGGATTTTAATAGAAAGACATGATGTACGTATTTAAGCCACGT
TAAAAGAAAAAATATAACTATGGACCGGTATTCAGTGAATACAGTTTCAT
GGTTTTAATTCTTTCAAAGCACATTAAAAATGGGGGCTGATAAACCCCAA
GTAAATTAACCCCTTTTCCGTATAAAATCATTTTTTGTTTTGGAAGAGGG
AAAATATATTTATTGGTGGTTACTGAAATCCGGTGTGAAGCATATTAAAT
ATTGTTTAACTGGTACTGCTGGACCTGCCCGGCCGGCCGTTAAAGGGCGA
ATTCAACCACTTGGCGT
>Sequence 493
AGGTACATAGAATATGGACACAGCACACACATGAGAGACGCAAGTGCCAA
ATGCCTTGGCCTGGGCTTCACGTGTCAAGCCCAACACAGTCTTAAGAATA
AGCAGATATGAGAAGGAGATGAGAAGTGAGTCCAGGCCAATGGCGGAGAT

Table 4



GATGACGATAAGGCCATAGACGACATTGACCCGGATATCATCACAGGCCA
GCTTCATGACATCTTGGTGTAGGCAGTAGGAATGGGAAAGGATATTGGAG
CGGCAGAAGGGCAGCTGCTTGATGAAGACAGGAAGGGGTGCCATCAGTGC
AGCCCCCCGCACCACAGCAGCCACACCAATTTTGGTGACACGAGGCAACG
TAAGTACCTGCCCG
>Sequence 494
TAGGGCGTCATTCTACTGACTATTTGGAGCTTCGCAGCTGCACCGCGGTG
GCGGCACACGAACCGCAAAGACAAGATAGGGCTACTTAATGCACCACAAG
CATTACTGTCTTCAAAGTCTCCTTCTTCAAGCAGAAACTGCTGGCCTTTA
AAATGTTCTTTTTCATAGGCAACCCACACTCCACCAATGACACGCAGCTG
ATCCAATCCTGTGAAAATATCCATTATTTTTCAAAAAATTAGGAACAGAA
TCTATATGTTCACTAAACTCTTTAGCCTGTCCATGGAAGTGAGGTTTTTC
ATAAATAATAACCTTTAAGTTCATGGGCATTTCCACTTTCAGTCCACCCA
TTTGAAGTGGATGTAATGATTTCATTTCTGCTGTAGAAATCTCAAAGAGC
CCATGGTCTTCCTCCAGAACTGTAGCTTGTCCCTTAAAATTAATATCTGG
GTAGGCAAGCCAAACTCCTGACTTCACAGTGAAGGACACAGATTTGGAGA
TATTCAGTTCTTCCAAATTGGGGACTGCTCTCTGTATGTAAACAGGACAA
CAGGCTGGGTCAGATTGTGGGAAAAGCTCTATTTCTGGAATGCTGCAGTC
CTTTAAGACACGTTTGAGAGAACCCAATATAAAGTTTTTTTGGGATGCCT
TCTTGTCTGAAGAATCCAGTCACGATTTAACACCTTTTCCCCTTCTTCTA
ACACACATTTCTGACCTTCGAAATGTGGTTTCTATTATAAATTCGGCAGC
CCCCTACAATTTTTATTAAACTCCTTTGGAAAAAACCTGAGGTTCATCAG
GATTATTCAGTTGACCTTTGGTTATATGACCTGCCGGGCGGCCGTTGAGG
GGCTAATGAAGGACTAACTCCTN
>Sequence 495
CCGGGCAGGTACACAGGCCGGGCACAGTGGTTCACACCTGTAATCCCAAC
ACTTTGGGAGGCTGAGGCGGGTGGATCACAAGGTCAGGAGATCGAGACCA
TCCTGGCCAACATGGTGAAACTCTGTCTCTACTAAAAAATACAGAAAATT
AGCCAGTCATGGTGGCACGTTCCTCTAGTCCCAGCTACTCGGGAGGCTGA
GGCAGAAGAATTACTTCAACATGGGATGTGGAGGTTGCAGTGAGCCGAGA
TCGCGCCACTGCACTCCAGCCTGGTGACAGAGCGAGACCCCATCTCAAAA
AAAAAAAAAAGTTGTATGTGACAGCTAACCATAATAAAAAAAAAAGAAAG
AAAAAAGAGAGAGAAAGTAGGGACAACACTAAATCATTAGTAATTTGAGC
ACATTTCCTCCAAGGCATATGCTATTTTTCAACTTGGTTTCAATCATGTA
TCTTTATTGTTTTTCTTAATGGTATAAGCATGTTTGGTTTTATTGTAGGC
TTTAAATCATGTAATACTTCATTAGTATGTATTATTCCACATAATAGTCC
TTTAAGTAGAAGTACCT
>Sequence 496
GAGCGTAATCACT
>Sequence 497
ACCGTCTGGATCCCCAAGGGAGCGCAATGGCGCACGCTGGACTTCGACCG
CAAGCGCCAGGGCGCCTATGGCGCGCTGCAGTGGAAGAAGGACAATACCC
TCAAGAGCCACCTGACCTGGTTCCGCTCCAAATACGATATGCGCTGGGAC
GAGAACGCGCTGTTCT
>Sequence 498
AGTGTGAGGCATTTAAGGGTAGTCTGCCAGAACCTCTCTGCCTTGGGCAG
CCCAGAAGGACCTTGAAGCACAAGTTCACCCTGGGACAGAATATAACCAA
GTGATAGCCACTGACCCAAGTACCT
>Sequence 499
CCGGGCAGGTACATACTCCCTTAACTATTGCCAAGATCCCTATGAGGCAG
CTTCAATTAATCCCCACAAGTTTCCCTATTCCAGAACCCCTGGCCTGCTC
ATGATCACAGACTCTGCCGCCAGAAAAGAAGACCTGTTTCTCCCAGCCTG
GGCAGCATGGCAATACCCCGTCTCTACAAAAAAATACAAAAATTAGCCAG
GTGTGGTGGCACATGCCTGTAGTCCCAGCTACTTGGGAGACTGAGGTGGG
AGAATCACTTGAGCCCCAGGAGGTGGAGGTTGCAGTGAGTCAAGATCGCA
CCACTACACTCCAGCCTGGGCAACAGAGTGAGACCCTATCTCAGGAGGGA

Table 4



AAAAAAAAAAAAAAAAAGTACCT
>Sequence 500
AGGTACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAGCAGTTT
AGATTTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAGTAATAACCCTCCAACCACAAC
CTAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGAAAACAAAGAAGAAAAT
AATATTGAAAAAATGGAGATTCCCCAACCAGTTTCATATTTGAAGGATCT
GAGTTGTATTTTTATTAAGGAAATTTTTTTTCTGAATACTGTCTTCCAAA
ATGTTAACATTAAAATCTGAATCAGAGGACTCTGAATGGAAAAGAAGTTT
GATCACTGACACCTAGGGCTCTGAAGCGTGTGTGGCCACATGGAAAAGTC
GAAGGATGCGCTGTCGAATCTCCTTTGTCTTCACTCCAT
>Sequence 501
AGGTACCCGAAAAGAAAGGAAGCTTTAGTAATGAAAGGATTGCTGCCAAA
ATCCTGTTTCCCCCTTGCAGATCTTACAGAAAACAGCCACAGAATCCCAA
GGCATCAGCACCAAGAGAGCCTGTAGAAACTATCTGGTCTAAGCTCCTGA
AGCCCAGAGATAAGAATGACTTAACCCAAGCTGCACAGCCTCTTAACAGT
CCACTGTTAACCCCAGAAACAGATGCATTTGAATCTGAAAGGAGACAGGA
ATCCTAATCCTACTGCTCAGGGACTTGCTGATTTACTTTGCTGTCTATTA
GCCTTTCTGTGACATGATTTTCTACCAAGCAAAGTCTTTTATTCAAGTCT
CCCAGAGATTTCCTATTTAAGCGTTTGCTATTTGGCCACTTAAAAAAGAC
AGAAGAGAAGTAAACAGAAGCATATACCACACAACTCAGTCCAGTCAGTA
GTTGACTCTCAAGATGGCGGATGTCACTGAGATGGCTGAGAAATAGGAAC
GGATGTGGAGAAAGGAGTGGCAGTGGAGTTAGCTGTTTTGTCTACCTGCT
GGATACCTGGGAAGCCAGACTCTGTGTGGACAGTGATCCCTAGTCATAGG
AAACTTTGCCTGTGCTGTCATCAATGTCCATGGAGAACTGCTTCTCACCT
TGAGAAGATCCTCTTCTTCGTTCCTTCAAGTACCTGCCCGG
>Sequence 502
CCGGGCCGGTGCCTTTGTGTCTAGTTATAAGCCTTTTGATCCCAGGTCCT
GCCATGACCTTCAGCATGGGGGCCAGGTCTTCAGCATAGCGTCACATAGG
ACCAGTGCACACAAACAACTCCTGGGCTCTCACATGCAAGGGAAACTGAC
CTTTGTTGGGAACCACACCTGGAGAAGGCTTGTGTCCAAATATACCATCG
AAGAAAGCAGGCATTCGAATGCTACCACCAATATCAGAGCCCACACCAAT
AACTGAGCAGGCATCTACCAGTGTGCAGCCCTCACCACCAGAACTCCCAC
CTACAATATGCTGTAAATCATATGGGTTGTTTGATCGGCCATAGATCTTG
TGACTGGATTCATACCACATACACAACTCACTAC
>Sequence 503
TCTCTGTCGATAACTGCCGGGCTGTCCAATCTTTCCCCTGATAGAAAGGC
GCCTGGGGGTCAGCCTGAAGAAGCTCTGGAGGGAAGAGGCGGCTGTTTGA
TTCAGAGCCTCCTCGCTGGGCTGGAATTAACCTGGCTCTTTCTCTAATGA
AACTGACT
>Sequence 504
AGGTACCGGAAAGACAAGATAGGGCTACTTAATGCACCACAAGCATTACT
GTCTTCAAAGTCTCCTTCTTCAAGCAGAAACTGCTGGCCTTTAAAATGTT
CTTTTTCATAGGCAACCCACACTCCACCAATGACACGAATTGATCAATTC
TGTGAAAATCTCCATTATTTTTCAAAAAATTAGGAACAGAATCTATATGT
TCACTAAACTCTTTAGCCTGTCCATGGAAGTGAGGTTTTTCATAAATAAT
AACCTTTAAGTTCATGGGCATTTCCACTTTCAGTCCACCCATTTGAAGTG
GATGTAATGATTTCATTTCTGCTGTAGAAATCTCAAAGAGCCCATGGTCT
TCCTCCAAAACTGTAGCTTGTCCCTTAAAATTAATATCTGGGTAGGCAAG
CCAAACTCCTGACTTCACAGTGAAGGACACAGATTTGGAGATATTCAGTT
CTTCCAAATTGGGGACTGCTCTCTGTATGTAGACAGGACAACAAGCTGGG
TCAGATTGTGGGAAAAGCTCTATTTCTGGAATGCTGCAGTCCTTTAAGAC
ACGTTTGAGAGAACCCAATATAAAGTTTCTTTGTGGATGCCTTCTGTTCT
GAAGAATCCAGTCACGATTTAACACCCTTTTCCCTTCTTTTAGCACACAT
TTCTGACCTTCGAAAAGTGGTTTCTCATTTAAAATCCGGGAGCCCCTTAC
AACTTTTATTAGAACTTCTTTTGGAAAAGACCATGATGTAGCATCGGGAT
TTTACAGTAAACTTTTGTTATTATTTCCTTGCCGGGCGGCCGGTTCAGGT

Table 4



GCTTATGAGTGACCTAACTCCCATTAATTGGG
>Sequence 505
ACAACCAGAACCAACAATTGTATTTCTCTATAGTTATTTTAAAATAGTAA
TCAATGCTATGTATTTGATGTATATGTTTCTAAATTAGAAATTTCTTTTG
GCTTTGTGTTTTTTTTTATGTGCGTTAAATATGTAAACTGAACCTGTTCCT
AAAATGCATTAAACTTGAATGCTGTGTCTATCCAATGCCAAAATGCTCAG
AAGAAAAGTGAATAATTCAGTCATTCATCTGGATGTAGTTTTCTGTGTAA
TCTCAAATATCTGAATATTGAAAAAACTAGGTTGCTAACTNTNTTCATTC
CTTATGCGAATGTTTAGCATCATAGTGCTGTTTCAGATACAGATCTGTTT
CATCAAATATCCTCAATTACAAGTCTAAGACAGTTATATGTAAAGAAAAT
GTATTATTTTAGATGAACAATGTGGATAACTGAACTAAAACGATATTTGT
GAACTCTGCTATAATGAAATCTTTTATTTTTATAGCTCAGGTATTGTAAT
TTAGCACTTATTGCAGCANAGACTGAAATAATTATTGACACCGTAGAGTA
CC
>Sequence 506
AGGTACTGGTCACAGCCTGAAGACCACTGAGAGAAACTTTTTCATGAATG
GTAAAATACATCACAAATTAATTCTATATTTTGAAAAGTGCTACTTCTTA
TTTGCCATAATGAATATTATCATTGATCTTAGTTAAAATGTAAAAACACA
ATTTAAAGGAAGCAAAGAATGTGCCAGGCATTTTCATGTCTATTCATACA
TTCATTAATAAACAGAAGCATGCATAACTATGATATAGCAAAACAAAGAA
ATAATTGGTTTAATGCCACATGTTGACCTAAAATATTTCCGTAATAAACT
ATGACGGTGAATCACCAATGAATCTACCTTGTCCCAGACCCACAGTGCTG
GGCTAACTTATCACAGTTACTTGCTCAGA
>Sequence 507
AGGTACTTCTTGGATCTTACATAGGCCTGAAAGTTTAGTTGCACTATTTT
AGGAATCTCTTTTTATGCATTTGTTCAATTAAAAGGCAACAAAGACAAAT
CCTTAAGAAAATACCAGTATTTTTCCTACATATGAAATCAAGGGTCCTTG
TCTGACGATGGATTTTACTAGTTACGAGAATCTTCCTATATTTCTAGTTG
AATCCCTGTCATTTCCTGTAATAGACTTATATTTTACCAGCAGCCCTTAT
GCGATTTCTTTGTGAAAAATATTTCTCTGTATAGAGGAAAGTTTATCATT
TGGAATGTTAAATGCAATTATATTGACATATAGTGATAATGGGACAAAGC
ATACGGGTTAAAGGTTGCAGGAACCATGGCTTGGCAATTAGCGATGTA
>Sequence 508
AGGTACTGTATTTTTAAATTAAGGAGTTTTAGTTATAATGAAATTGATTT
GTAGTCTGCTTTGCCGTAAACTTGTTTTTCTTTAAATTGTTCTTACAGTG
ATATCTTACTATTTTTAACTGTCTGGGGTTTCTGATATGGGGATTTCAGC
CCCTGGTTAATCAGTCTTGTCCCTACAAGTCCCTGATGCAGTATGTTTAT
TTGTGATGTTTAAAGAACATTTCTTGGCTGGGCGCTGCGGCTTGCGCCTG
TAATCTCAGCACTTTGGGAGGCTGAGGTGGGTGGATCACCTGAGGTTGGG
AGTTCTAGACCAGCCTGACAAAACATAGTGAAACCCCGTCTCTACTAAAA
ATACAAAAATTAGCTGGGCGTGGTGGTGGGTGTCTGGAATCCCATCTATT
CATGAGGCTGAGGCATATAAATCGTTCGCACTCCGGAGGGAGAAGGTACA
CTTCGCTGGTCAATCCTTGTTAACGTACTTGATCTTTTTTGTCCTTATGG
TCACACTCATGTCTATATAAATATCTGTATTATTTAGTTCTGACAAAGCG
AATATAAACTTTACCACTACCGTGGTTTTTACGGTGTGATAACTATACAT
ATTATCTTGTTTCGTTGGGAACTCCTCTAACTGTGACCCTACCGCCTGTT
CAATGAATCTGTTAGTTTAATACATATTCGCATTCACTTATAACGCGTAT
ATAGCGGATACCCTGTCATTGTCTCACTAAAGATCTCTATTTTAACTTGA
TTCCTTATCAATCTATACATCTTATACATCTAATATGCTTGACCTCGATT
TATCCTTATAATTATCTTATTCTTTCACTATCGAATATTATTTCTTAGTG
TTCGCTTATAGAAATAATCATTAACCACGAGTTAATCGTGAATATCTCTT
AAGTTTTCTGCTCTCAACACCG
>Sequence 509
CCGGGCAGGTACGCGGGATCTCTGGGAGACTTGAATAAAAGACTTTGCTT
GGTAGAAAATCATGTCACAGAAAGGCTAATAGACAGCAAAGTAAATCAGC
AAGTCCCTGAGCAGTAGGATTAGGATTCCTGTCTCCTTTCAAATTCAAAT

Table 4



GCATTTGTTTCTGGGGTTAACAGTGGACTGTTAAGAGGCTGTGCAGCTTG
GGTTAAGTCATTCTTATCTCTGGGCTTCAGGAGCTTAGACCAGATAGTTT
CTACAGGCTCTCTTGGTGCTGATGCCTTGGGATTCTGTGGCTGTTTTCTG
TAAGATCTGCAAGGGGGAAACAGGATTTTGGCAGCAATCCTTTCATTACT
AAAGCTTCCTTTCTTTTCGGGTACCTCGGCCG
>Sequence 510
GAAGACTCTCCTACGTGCCGCCTCTACCTGTTTCCCGACACCTTGCGCGC
TTAACCCGGTAGTACCCTGTTCCGGCCTTTATCTGCCCCTTTCGGGGAAA
AGCGATGGGGCGGCTTTTACTTCATTATGCATCAACGGCCTGTTAAGGAT
AATTCTCCAGATTTCCGGCTCGTAATGTTCCCGTTTCGGCTTCCCCAAGG
CCTGGGGGCTTGGTGATTGCCACCGAAAACCCCCCCCCGTTTTCAGTCTC
CCGAACTCGCCTTGTCGCCCCTTTATTCCCGGGTTAAA
>Sequence 511
AGTACTTTTTCTTTTTTTCTTTTTTTTTGAGATGTAGTGTCGCTCTGTCA
TCCAATCTGGAACGCAGTGGTGCCATCTTGGCTCACTGCAACCTCCGCCT
CACAGGTTCAAGCAATTCTCCTGCCTCACTACTTGGAAGGCTGANGCANG
AGAATGGTGTGAACCCTGAAGGCTGANCTTGCAGTGAACCAAAATCATAC
CACTGCACTCCANCCTAGACAATACAGTAAAATTCCATCTCAAAAAAATA
AAAATAAATAAAAATCTACCTACTACTAATATATATTATAAAACCTTTAT
ATATTTCTCTAAAAAAAACCANTATAAAACTAACCTTTAAAACCTAATAT
CCAACTTTATTTCCAACACCTTTCCCAACCTAATAAACTTAGTAAAAACA
CTACTATCCTTACACCTTAAATAAACAACTTTAATATCTCTATAAAATCT
TAATTAGAAAACATAAAACAACTTACCATTAATAATTAAACAAATTGCAA
CTCCCCAATCAAAATCATACACTTTTAAACACTTTCTACTTCCTAAAAAT
ATTCCTTAAAAAAAAAAGACCCTCAATTATCGCTATAAAAAAAATTAGAT
AATCATAACAATTTTTTCTTTATTCTACCCAATAAACACCCTTTCAAAAT
TCTTTTTAATAAAATTAAATTCATAAAAATATCCCCAATTAAAAAATCTT
ATAAAGAAAAGCCACCATTACAAAATATCCACCT
>Sequence 512
AGGTACATTTTAAAATGCGATTTTTCCGGAGAATATTGCTCTGTGCTGGA
TTTTTATTTCTTTTACTTAACAGCCAATTTTGAAGTTAATTATTTTATTT
AAATACTAGAAAAAGTAGTTAATGTTGCCAAATTTAGGAGAAAAATCTGT
CAATTAACATTTAGATTATCTGAAGTTATATTTCTTTTCCTAGTGATAGA
GGCACTTTTTTTAAACTGTGAAAAGGATGTTGTAGTTGTGTTCAGCCCTT
TCCAATTTGATTTATTAAAGGTTTCCTTTCATAATCCAGGAGGGGAAGGG
TGGAATTACTCCAGTATCACATCTCTCTAATAAGAAAATTTCAGCTGATT
TAGGAATCTTCTCCGCATAAAAGTAAAATTTTCTTAAAAAATATCATCAC
TTGTTCTTTTAGTGTTTTCCTGTTCCCATTGTGCCAGGCACACTTGTTTG
GCTTTGGAAACTTCGTGGAATAGTGAAAAAATGGGTGTTGTTTCAGATTC
TAATGCTGCTACATGTTAACTTTGTGACTTTGGATAAGTGACTTTATCCC
TGACCTTTATTTTCTTTGCTTTTAAAATGGGGAAAAGGACTTTTAGCTTA
CAGATTGTCAGGAAAATGAAA
>Sequence 513
ACTCCTTCCGGATGTGCAAAGCATACTGATGAAACAGAGTATCTGAAAAG
CTGTCCCCAGGAATCACGAAGGCTCAGTCACTGCTGCTATACCATTAAAG
AAACAAAAAACAAAAGCTGCCCTAAACATATGCAGCGCGATCAATGCCTC
CTGTTGCCCCATATGTTTTACAATCATTTGAAAGAAATGTGCGAAAGGCG
CCTAAGCTGTTTTTCTTTAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTGTATTGCTAGTA
TTGTCTGAGAACAAGAGAGAAACAGCCAAATGGTCACAACATTCAGATTA
ACAGCTATCCAGTGGGGACAAAGACAAGGTTAATGTGAGATTTGACATCG
TTACCTAGCCAAGTTGGGGGTTTAATTCCTTACTGTCCCCACTAGAAACT
ATGGCTTAGATCTGTCCCGGGGAGCTGGTCTTCTTGGATAAGGCAACTCA
GCCAGGACACAGTGGGATTGAACCTACTGCTGGTTGGTTCTTGCAGAGAA
CCCTCACCCTGAACAGGAGCTGGGTCAAGTCAAAGAATGGAATCAGTTTC
AAGGAGGAGTGATGGATTCCCAATGCTTCCTGGTTGGGGATCTTGGCCTC
TCAGAGGTGAAAGGGACTTTAATGCTCATATTCAACATTCTCATTTGGAA

Table 4



GATGAGAGAAAAGGGGCCCAAGGTCACACAGCAGGTAAGAAACCTTTAGG
TTTCTGATTCTGAAGATGGTTAAAGTTAAGTGAACTACTTTACAAACTTA
TATTACTCAGCTGGCTTGGTTTATTTTTTTGTGGAAGGTGGGTCCTTGGG
CCGGGACACCGCTAT
>Sequence 514
CCGGGCAGGTACAAAGACTATTGTATAGACTATCCGGGTTAGTTTGCAAG
GGAAGCCAATGATGAGTAATTTGAAAGAAATTCACCTGGTGAGCAATGAG
GACCTTACTGTTGCTGCCTTTAAAGCTGATTAAGAATTTATTCCTAGGGA
AGAGTGAGCTGGTACAAGAAACCACCCCTTCTTTCAATGCAATGGACGTG
AACAACCTGACCCTACAGATTGTCCAGGGCCACATTGAATGGTAGGCGGA
AGATGTAATTGATAATTTTGTAAACCCACATGATATTACAGTATGGACCT
GTAGCAAATTCAATTTATACATCAAACAGGAGTTAAAATGAGATAAAATA
TTATTTGCCACAATAGCTAATAATTTTT
>Sequence 515
GAATCGCTGCACCAGACCAGGCCCCCAGGGCCCAGCTACTCGAAGAACAG
CCAATGGATTGGAACGTCCTAGGACAGATGCCACGGCTTTGACCCAGGCT
GGGGGTGCACGGATCTCACTGGGGTTAGTTGGTCGGAGGGGAAAGCCCCA
TGGGTCCACCAGGATGAGGTGTTTAACTCTATCAGGGTACCT
>Sequence 516
ACAACCAGAACCAGCAATTGTATTTCTCTATAGTTATTTTAAAATAGTAA
TCAATGCTATGTATTTGATGTATATGTTCTAAATTAGAAATTTCTTTTGG
CTTTGTGTTTTTTTTATGTGCGTTAAATATGTAAACTGAACCTGTTCCTA
AAATGCATTAAACTTAAATGCTGTGTCTATCCAATGCCAAAATGCTCAGA
AGAAAAGTGAATAATTCAGTCATTCATCTGGATGTAGTTTTCTGTGTAAT
CTCAAATATCTGAATATTGAAAAAACTAGGTTGCTAACTNTTTTCATTCC
TTATGCAAATGTTTAGCATCATAGTGCTGTTTCAGATACAGATCTGTTTC
ATCAAATATCCTCAATTACAAGTCTAAGACAGTTATATGTAAAGAAAATG
TATTATTTTAGATGAACAATGTGGATAACTGAACTAAAACGATATTTGTG
AACTTTGCTATAATGAAATCTTTTATTTTTATAGCTCAAGTATTGTAATT
AGCACTAATTGCAGCAGAGACTGAAATAATTATTGACACCGTAGAGTACC
>Sequence 517
AGGTACCTGAGGTAGCTGGAGACAATAGACTGTCAGGGAAACGGGAATCT
GAAACGCGTCTGAACTGGTTAGATTTGAAGGCAGTAAAGTTTCTGCCAGC
ATTGAAGGATGAGACACTGGCAGTCCACAGTATCTGGTGGTGAAAGAGAT
ACTTAAATTATCCCCTGTGCTTGTGGGAAATAAAGTGCCCATTGAAGGAA
GGCTTTGGCAGGCTACATGTCTACTGTCGAGGGCAAGTATTGCCAAAATT
GAAAAGCCCAATGACTTATGGAGTTTGTTTGGCTGGATTTCAAATTGTGT
TTCAAAAATTTTAAAGGCAGAAAAATGAAAAACACTCAGGGACTTTTATA
TTTCTTAGCTTTATGACCGTAATTCCGGGGGGACCCAGGTAAACATTTTG
GGGGTTTTTAAAGGGTT
>Sequence 518
AGCTTCTGCTCCGACCGCTGCTCCGATCGTGGCGCCGGTGGCCCAGGCCG
CCGAGGAAGCGCCGAAAGTCGTGCGCACCCGCGCCGTGCGCCGCGTCGAG
ACCAGCCCGGCAGCCCCCGTGAGCGCCGTCGGCGCCGTAGCAAGACACCG
ACGCCGCCGCGCTGGCCGCGATCGACACCTCGGGCTACCTGCTGCCGCAG
GTGAAGGTCCCGGGCCGCCGCGGCCGCAAGCCGAGCGAGTTCGTGCCGGA
GAACGATGAAGTCGCGGCGCTGAACGCCGTCGAGCGCGCCGAACTGAAGG
CGGCCTCNAAGGCGCGCGAGCGCAAGGCCAAGGGCCTCGGCATGCTGAAT
GAAGCCGGTTTTTCGGAAGCCGAACTCGAAAAGCGCCTGCAGCAGCTGAA
GAACCTGATCAATATGGGCAAGGAGCGCGGCTACCTGACCCATGCCGAGA
TCAACGACCACCTGCCGGAAAACATAATCGATCCGGAAGCGAACGAAGGC
CTTATCGTGACCTTCAACGACGTGGGCATCGGCGTTTACGAACGCGCCCC
TGAAGCTCAAATGATGCTTGTTGTCGAACCAGGCGTGACCCCTACCAGCT
AAGACCAAATTTGGGGGCTCCGTCGGAACCGGGCTGTTACACGTTGAATT
CCGACTTTGGCCGGGTTTAAA
>Sequence 519

Table 4



TCTCTGTCGATAACTGCCGGGCTGTCCAATCTTTCCCCTGATAGAAAGGC
GCCTGGGGGTCAGCCTGAAGAAGCTCTGGAGGGAAGAGGCGGCTGTTTGA
TTCAGAGCCTCCTCGCTGGGCTGGAATTAACCTGGCTCTTTCTCTAATGA
AACTGACT
>Sequence 520
AGGTACTTACGTTGCCTCGTGTCACCAAAATTGGTGTGGCTGCTGTGGTG
CGGGGGGCTGCACTGATGGCACCCCTTCCTGTCTTCATCAAGCAGCTGCC
GTTCTGCCGCTCCAATATCCTTTCCCATTCCTACTGCCTACACCAAGATG
TCATGAAGCTGGCCTGTGATGATATCCGGGTCAATGTCGTCTATGGCCTT
ATCGTCATCATCTCCGCCATTGGCCTGGACTCACTTCTCATCTCCTTCTC
ATATCTGCTTATTCCTAAGACTGTGTTGGGCTTGACACGTGAAGCCCAGG
CCAAGGCATTTGGCACTTGCGTCTCTCATGTGTGTGCTGTGTTCATATTC
T
>Sequence 521
CCGGGCAGGTACCTATCAAACTTTACAATGTTATTTGTGTTTCCTTCTAT
TTGGTTTAGCAATTTAAAATGTTTATCGTGTAGGTAATTCCTGAGTGTGT
GTTTGTTACTATGGCAGGTTTATTTTTTTTAGCCTGTAAGTTTGTGTCTT
AAATATTATTTAGTATGCCTTAGTTGAGATGATCTTTTGTTGAGTTTTTG
CAAAAGGCAAATTTTAGGCCATGAGCGGTGGCTCATGCCTGTAATCCCAG
CACGTTGGGAGTCCAAGGCAGGTGGATCACATGATGTCAGGAGTCCGAGA
CCAACATATTGAAACCCTGTCTCTACTAAATATTCATACTATTAGATAGG
CTTGGTTTGTATGCTTCTGTACATTCCATTTCTTTTGTG
>Sequence 522
AGGTACATAGAATATGAACACAGCACACACATGAGAGACGCAAGTGCCAA
ATGCCTTGGCCTGGGCTTCACGTGTCAGGCCCAACACAGTCTTAAGAATA
AGCAGATATGAGAAGGAGATGAGAAGTGAGTCCAGGCCAATGGCGGAGAT
GATGACGATAAGGCCATAGACGACATTGACCCGGATATCATCACAGGCCA
GCTTCATGACATCTTGGTGTAGGCAGTAGGAATGGGAAAGGATATTGGAG
CGGCAGAAGGGCAGCTGCTTGATGAAGACAGGAAGGGGTGCCATCAGTGC
AGCCCCCCCGCACCACAGCAGCCACACCAATTTTGGTGACACGAGGCAACG
TAAGTACCT
>Sequence 523
CCGGGCAGGTACAACCAGAACCAACAATTGTATTTCTCTATAGTTATTTT
AAAATAGTAATCAATGCTATGTATTTGATGTATATGTTTCTAAATTAGAA
ATTTCTTTTGGCTTTGTGTTTTTTTTATGTGCGTAAATATGTAAACTGAA
CCTGTTCCTAAAATGCATTAAACTTGAATGCTGTGTCTATCCAATGCCAA
AATGCTCAGAAGAAAAGTGAATAATTCAGTCATTCATCTGGATGTAGTTT
TCTGTGTAATCTCAAATATCTGAATATTGAAAAAACTAGGTTGCTAACTT
TNTTCATTCCTTATGCAAATGTTTAGCATCATAGTGCTGTTTCAGATACA
GATCTGTTTCATCAAATATCCTCAATTACAAGTCTAAGACAGTTATATGT
AAAGAAAATGTATTATTTTAGATGAACAATGTGGATAACTGAACTAAAAC
GATATTTGTGAACTTTGCTATAATGAAATCTTTTATTT
>Sequence 524
AGGTACCCATTGCCCGAATAGTGAACACTCTACCCAGTCGTTTTTCATCC
CTCACTTTCCTACCACCCTCCAACATTTTGGAGCCTCCAGTGTCTCTTAT
TCCACTCTGTATACCCATCGTTTAGCTCCCATTTCCAAATGAGAACATGC
AGTTTCTGACTTTCTGTCTCTGAGTCATTTCACTTACGATAAGGGCTTCT
AGTTCCATCCATATTGCTGCAAAAGATGTGATTTCATTATTTTTGATGGT
TGCGTATGTATTCCATGGTATATATGCACATTTTAAAATCTAATCATCTG
TTGATGGACACATAGGTTCAGCCCATGATGTTGCTATTGCGAATAGTGAA
CAGTTGATTATTAGACTGAAGAGAGAAAAGGCCTTCCTCCCCCATGACTT
AACAGGAACGAAGGACGTTGCATTTATAAAAGGATGGCCATCACCAGCTA
CTGGGTAGGCTGAGGCTTTTGATCACCATAGGTTGCAATTGGTGTGTTAG
GTGGACGAGGGCAAGAGGATATGGTAATTAGAAATATCTAAGTTACACAG
CACGTAGTTTTTAGGAAACTGGAAATCACACACACATAAATCTAATAAAG
ACATGGGTACCTGCCCGGGCG

Table 4



>Sequence 525
CCGGGCAGGTACCCGAAAAGAAAGGAAGCTTTAGTAATGAAAGGATTGCT
GCCAAAATCCTGTTTCCCCCTTGCAGATCTTACAGAAAACAGCCACAGAA
TCCCAAGGCATCAGCACCAAGAGAGCCTGTAGAAACTATCTGGTCTAAGC
TCCTGAAGCCCAGAGATAAGAATGACTTAACCCAAGCTGCACAGCCTCTT
AACAGTCCACTGTTAACCCCAGAAACAGATGCATTTGAATCTGAAAGGAG
ACAGGAATCCTAATCCTACTGCTCAGGGACTTGCTGATTTACTTTGCTGT
CTATTAGCCTTTCTGTGACATGATTTTCTACCAAGCAAAGTCTTTTATTC
AAGT
>Sequence 526
CCGGGCAGGTACATCTAGAGAACATTTGCCAAAGGCCTAAGCACGGCAAA
GGAAAATAAACACAGAATATAATAAAATGAGATAATCTAGCTTAAAACTA
TAACTTCCTCTTCAGAACTCCCAACCACATTGGATCTCAGAAAAATACTG
TCTTCAAAATGACTTCTACAGAGAAGAAATAATTTTTCCTCTGGACACTA
GCACTTAAGGGGAAGATTGGAAGTAAAGCCTTGAAAAGAGTACCC
>Sequence 527
AGGTACTCTTTTCAAGGCTTTACTTCCAATCTTCCCCTTAAGTGCTAGTG
TCCAGAGGAAAAATTATTTCTTCTCTGTAGAAGTCATTTTGAAGACAGTA
TTTTTCTGAGATCCAATGTGGTTGGGAGTTCTGAAGAGGAAGTTATAGTT
TTAAGCTAGATTATCTCATTTTATTATATTCTGTGTTTATTTTCCTTTGC
CGTGCCTAGGCCTTTGGCGAATGTTCTCTAGATGTACCTGCCCG
>Sequence 528
AGGTACACTCTAGCATTGTAACTTTTTCCCCCTGAGAAGTAATTTTAAGA
TCTATCAGTCTCAATTTAAATGATCTGTTAATCAGCCAGAGTTTTAGTTT
CATAATATCGTTCCATTGCCTGACAAAGATATACCCACTGAAGTGCCTTT
AGCAGACCTGGGACCGTCAAGAATCTTGTTACCCTGATTATTGCAAGATG
ACATATTTCTTAAGCCATTTATAATCTCATATTCGGGTTGAATCTGAATT
TACAAATAAAAGGGTTAAAATTGAGGCTTGTTTCAAGCAGCAATTTAGGG
AAAATGAAAGTGTGCTTCAAATTTTTAGATTTTTTCTGGGTTACTATTAT
TTTTGTTTCGAAAATTTTACCAATTGCCATAATTCTTTTTTGCAATCCCA
TAAATTGGT
>Sequence 529
GTGGATCCCCTTTTAGTCCAAGCTGGTTCCATCTCTGCCATGTCTCTCCT
TTATATCTCACCAATAGCGATATATTTCACGTTGTTATCTTTTTCCTAGG
ATAAAAATTCTGTGTTAATTTTAGTTTTTAATTTGAGT
>Sequence 530
CCGGGCAGGTACTACCTTCTCTGCTACAAGTCGAGCGAGGAGCCCCGCAT
GAGCCCTGACACCTGTGCCACCATTTTGGAAAAAGCTGGTCTCGATAACT
GGGCTCTTGGAAAAACAAAAGTGTTCCTTAAGTATTATCACGTGGAGCAG
TTAAATCTAATGCGAAAGGAAGCTATTGACAAGCTTATTTTGATTCAAGC
TTGTGTCAGAGCATTCTTGTGTTCAAGAAGATACCAAAAAATACAGGAGA
AAAGGAAAGAAAGCGCTATAATAATACAGTCAGCTGCAAGAGGACACCTT
GTCAGGAAACAAAGAAAAGAAATTGTTGACATGAAAAACACAGCAGTAAC
AACCATTCAAACTTCTGATCAGGAATTCGACTACAAGAAAAACTTTGAAA
ATACAAGGTGTCTGTAAAGGAGAGGAGCCAAAAATATTGAGACCCCCAAG
ACGACCCCGGAAACCCAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAGTACCT
>Sequence 531
AGGTACTTTTTTTTTTTTTTGTAACATACAAGGGAAATGACTATAGATTA
AGGCCATAGAAGAGGTGAAGCATTGTTCCTCATGGATGCATCAAATGGGA
ATGTATTCATAGGTAGAGATGAACCATTGGAGAAAGAAAGTTTCAAAAGA
AATTTCGAAGAAATCAGTGAAAGTAATGGACCAAGTTCCATAGATTAGAA
TAAAAAATTACATAGTATTTATAATCCAATAGAAAGACATTTTTATTTAA
GAGATAAGAAGGGAGTAAAAGTGGACTGGTGAAGATATGTTGGACAGGGG
TAAAAACCAATGGAGAAATATGTGAATAATATTTTTTTGAACTTCTTTTG
TGAGTGATGCTTTGTACCTGCCCGGGCGGCCG
>Sequence 532

Table 4



AGGTACATGGTCTCAAAACTAGTTAGTGTTTGAGCAAGAATCTGAACCCA
GGTCAGTCACACATGATAGCCATACCATTGACAATAGCATGGAGAATACT
GATGACACTATAAGGTCTAGTTCAGCAGATTAAGACAGCCACAAGCTATA
GCTTATAATAGTGCAATGAAAGAGGAGCATCATTGTAATCCGAGTGGGCA
GAAAAATTAGTTGAGAGAATATAGCTTATTTCACAAGAGAGAAAATGAAA
GTATATATGGATTGGAGAGGATGGGTCGGAAAGATTCTAGAGTGAAGGCT
GCACAAAAGAGAAGCTTGGGGGAAATTTAGTGCCTCCTTCTAAGGATATT
CATTAGTCCCCCTCTTGTCTTGAATATAAACACTTAAGATTTTTTTCAAT
GTAA

>Sequence 533

AGGTACATAGAATATGAACACAGCACACACATGAGAGACGCAAGTGCCAA
ATGCCTTGGCCTGGGCTTCACGTGTCAAGCCCAACACAGTCTTAAGAATA
AGCAGATATGAGTAAGGGAGATGTAGTAAGTGTAGTTCTCAGGTCCAATT
GGGCGGGTAGATGGAATGTACCGATTAAAGGGCTCAATAAGGACCGGACC
AATTTGAACCCTCGGGGATGTATTCAATTGCAACCAAGGGCCCCAAGGCG
GTTGCTATTAGAACCATTTCCTTTGGGGGTGGCTTAAGGGTCCAAGTTTA
TGTGGGAAAATTGGGGGTAAATAGGAGGAATTAATTTTTGGTGTTAGGCC
GTGGTTCATTGTATATGGGGGTCCAAAGCCTTTGGTCCTTTTGGTAATGG
GAATAAGGAACCCAGGGGGTATAAGGGGGGGGGTTGGTCCCCATTTTCTA
GGTGGGGCCAATGTCTCCCCTCCCACCGGGTATACCCCAAACATATGGAA
GTGCTCCCACCAACCCCCATAAATTTTTTTTGGGGTGGGGGAACCAACCC
GGAAAGGTGGCAATAACCCGGGTTAAGGGGGTTACTCCCCTTGGGCCCCC
CCCGTGGGGGGACCTGGGGTTTCCCGTTGTTTTCTCTTTTTATAATATTC
TTTAGGGGTGGGGTGTATTT

>Sequence 534

AGGTACAGTGGCACGATCTCGGCTCACTGCAAGCTCCGCCTCCCGGGTTC
ACGCCATTCTCCTGCCTCAGCCTCCCAAGTAGCTGGGACTACAGGCGCCC
GCCACTACGCCCGGCTAATTTTTTGTATTTTTAGTAGAGACGGGGTTTCA
CCGTTTTAGCCGGGATGGTCTCGATCTCCTGACCTCGTGATCCGCCCGCC
TCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCAATTACTGTGTTTC
TTATCCATGTAGTGTGCATGCAGTGACGGCATCCTAATACGGGTCCTCCT
TCTAGCATAGATATGGGGATCAGCACAAACAAAGCAAACAGTAGCATTCT
TACAGCCAGCATGGACAGTAAAGGCATTTAGGGGGT

>Sequence 535

AAGTACCACTGCTCCCTGGCTAATTTTTGTATTTTTTGTAAAGAGAGGGT
TTTGCCATGTTGCCCAGGCTGGTCTTGAAATCCTGGACTCAAGTGCTCCG
CCCGCCTTGGTGTCACAGTGCTGGCATTACAAGCACTTTGTAATCTTGAA
AATGGCTCTCATGAGCCACCCTGCTAGGCCAAAACTGGAAGTATTTAATG
GAACTTTGAAAGGGTAAAAAGAAACAAAGAGCTTCTGCCACAGAAGACAA
TCCAGCTGATCCTACAGAAAGTGACAGAACACCCGCGTACCTGCCCG

>Sequence 536

ATGACCTACCATTACGTCTCGTATATAGAAGGTTTATATACCAGCTGGGA
GAAAATCTTGTGTGATTAAACTATAACTTTTTTGTAAGTTATTCTTATTA
GGGGTGCACTAGCGAGTAATAATGAACTTATTATGTTGATATGTCGCAGG
TCCGAGGGACTAAATATTATGTAAGTAAGCTGGGATGTAAGTAGAAATGT
ATTTTTTAAGGAATTAATGTCCGAACGGATATACTTAGGGTGTGACAATG
CACCTCATTTAAGATGTAACTTATTAGTGTGGTAAGTATCAACATTATAG
CGATATACGGATGTAATGTAGGTATTTAGGTACATAATAACGTTAAAGTT
ATGTATGAAAGTAAGGATAGCTGTTCGTAAAGATAGAAATTAGGTAGTCG
TTTAGGTAGGTAGATAGTAATGAATGAATTATACTATATAGTAAATTAGT
TGCAGTATTTAATGAGGTATCAATTAATT

>Sequence 537

AGGTACATAGAATATGAACACAGCACACACATGAGAGACGCAAGTGCCAA
ATGCCTTGGCCTGGGCTTCACGTGTCAAGCCCAACACAGTCTTAAGAATA
AGCAGATATGAGAAGGAGATGAGAAGTGAGTCCAGGCCAATGGCGGAGAT
GATGACGATAAGGCCATAGACGACATTGACCCGGATATCATCACAGGCCA

Table 4



GCTTCATGACATCTTGGTGTAGGCAGTAGGAATGGGAAAGGATATTGGAG
CGGCAGAAGGGCAGCTGCTTGATGAAGACAGGAAGGGGTGCCATCAGTGC
AGCCCCCCCGCACCACAGCAGCCACACCAATTTTGGTGACACGAGGCAACG
TAAGTACCTGCCCCGGG
>Sequence 538
CCGGGCAGGTACCACAAGGTGTCTTTTTACACAGCTCATTTGAATACAGG
TGTTCTGAGAAGGGGTTTCTATTTTAAAATTACCATATCAAAATAAATGT
GCCTTATTTTTTTATAAGTCTTGTTAAATCAGTGTCCATATTACTGTTTG
GGGAAGGGGGAATGTTGTGGGGTCTGGGAGAGGGTGGGTACCT
>Sequence 539
AGGTACATGTAGAGAACATTTGCCAAAGGCCTAAGCACGGCAAAGGAAAA
TAAACACAGAATATAATAAAATGAGATAATCTAGCTTAAAACTATAACTT
CCTCTTCAGAACTCCCAACCACATTGGATCTCAGAAAAATACTGGTCTTC
AAAATTGACCTTCTACCAGAGAAGGAAATTAATGTTTTTCCTTCTGGGGA
CACTTAGTCACTTTTAAGGGGGGATAGTATGTGGGAAGGTTAAAAGGCTC
TTTGGAAAAAAGGAGTTATCTCTTGTCTCTCGAGGGCGTGACCCCGGCTT
TCTTAGGGAAACTTAAGTTGGGGATTCTCCCCCCGGGGTCCTGGCCAGGG
TAAATTTTCGGAATTATTTCAAAAGTCCTTTAATTCGGAATTAACACGGT
TGCGTACCTCTTGTGAAGGTGGGGGGGGTCCCTCGGGGTTATCTCACAAG
GCTTTTTTTGGTTTTCCCCCTTTTTTAGGTTGGAAGGGGGTTTTTAAATT
TTGGCCGCCGGCCTTTGGGGCCGGTTATAATTCATTGG
>Sequence 540
CCGGGCAGGTACCATGGAAACCCACTCTTTCATTGAAAGGAAATTAGGTT
GAACCTCCAGGAGCCCGTCAGAGTCTGAGGAGAGGCTGGCTTCATGTCTA
GATACGACGACAGCAAGGCTGCTTAGAGCTAACAGCGCATTGCCTTTCAC
TACCGGACTCTCCT
>Sequence 541
AGGTACCCCCAGGACCCGCAAATAGTAAATAGTGAGAAGCAAAGGCTGAG
GAAGCTTCCGCAGAGCAGGGAGGGCAGAGGTCCACGCCGGACTACTATAG
AGCTCGTCAGAATGAAACTGGCCAGTTGGCTTTACCCAATGCCAAGCCCA
AGGCATTGAGTCCCAAAGAAACACTGGGAGAATTGGTCACTGGTGACTTT
TTGGAAAAGGTGGCCAAGAGACAGAAGAGGAAGAAGGCATGCACACCAGT
GCCCGGACACCCCACGCACCAACCTGCCCCTCCGCCCACAAACCAGCGTG
TGAGGTGGAGACCTAGAGGAGGAGTGCCAGAATGGGGATGCCAACAAGAA
GTTACTCAAACGGTTACTGACTGTGCAAGTTACTGCCCACATTCCACAGT
CAATGCCCCCCACCCATAAAAATAATGTAAGATGGTCATAAGTACCTGCC
CG
>Sequence 542
AGGTACTTCTTGAGAGTGCTTTGTTGTTTAAACTGCTTATTTTTTAGCTT
GTTTTCAAGTTTGACTTTACTAGTTTTTATTAACTTGCGAAAGCTTGGGA
TCTGTTTTTTATTTCTTCTCGCCTTCATCCTTAGGCCTTAAATGAATGCC
GGCCAGACAAGTTCACCAGAAGCAGGGTTACTACAGAAATCCCGGGGAAT
GACACACGTGCCGAAGTCCCTACACTACCAGAGCCGGAAACGGCCTTCAG
TCCCTCCCAATCCTCCGCCGCCGGAAGTCCCCGCGTACCTGCCCG
>Sequence 543
AGGTACTGGTCTCTGTCTTTACAGCTGAAGCATCAGAGGATGGAGTGACC
AGGCTGGTTCCAATGACAGTTATACGGCCATGGGGAGTAGACATGGAGTC
TAATTCAGTGCTTGAGGCTAAGAATGAAGTTTGTATGCTATGTGTGGAAT
ATTGTTTTCCAGGAGGATTCTTTGCAAACTTTTTCATAGTTTTTGAAGGT
TCATTGTTCTTGTTGAACCAGTTGCCAAGGAAAATTTCTGGAATGGCAAG
CCTTGTTGAGAAAAGTAACCCAGGGTTGTGTAAAGGGTGGTGGTTTTCTT
GGTAAGTAAAGGTTTTTGTTGGCCGGCTCTTATTTTCTTGTTGGAGTCTC
CGGGAGGGTTGGCCTTGTTTCTCAATTGGGGTTAACCCTTTGTTCCCCCG
GGGGACTGTGGTCACGTCTTTCTTTAGGAAAAACTTTAAGTTTGGGGAAT
TCTCCCCTCACGGGGGGTCCTTGACTAAGGGTAAAATTTTCCGGTATATT
TTTCTAAAAGCCCCTTTAAATTGCGGTATTTAACCCCGGTTCCCGAACCC

Table 4



CCTTTTTTTTAGGGGGGGGGGTGGGCGCCCCCCT
>Sequence 544
GCGAGACGTGTAATCAGTCTTCACTTCAAAAGGCCGGATAATTACCGGGT
TATTCCCACCAGAAATTAGAGGGGTATTAAACGCCACGGAAAAGAAT
>Sequence 545
CCGGGCAGGTACCTGTCTGGGCAACACTGTCCCACAGGGGCCCCCATGAC
CAAACTAACTCTGCTTCTACCCAGAAAGGGTGCAGAGTAGCCACTAGACT
TTTATGTGGCAAATGGGATGGTTATGCCCAGCCTGAAGCCAAGAAATGCC
CTNNTTCTGGTTGCCTTGATNNTTGTGTTTAACAGCTTTCCAAATGCCTN
NTAATGAGTGCAGTATAGAAGACCGTCTTCTTTCTTGTGGCAAGTACACC
TTCGGCGCCGCTTCTAAGAAACTTAGGTGGGAATTCCCCCGCGNGCCTTG
GCAAGGAAATTCTCAATATTCAAGGCTTATATCGGATACCGCGTNNCGAC
CTTCGAGTGGTGGTGGCCCCCGGTNACCACCAGCTTTTTTGGTTCCCTTT
TTAGTGGAGGGGGTTAATTGGCGCCGCCCTTGGCNGTANNATCATNNNGT
CATAGCNNTGTTTCCTTTGTGTGNNNAATTGTTATCNCGCTTTCACAATN
NTCCACACAACAANTACGAGCCNCGTGGAGCCATAAAAGTTGTAAAAGCC
CTGGGGGTGGCCTAAATGTAGTGGAGCTAAACTTCACATTTAATTTTGCG
TTTGTCGCTCAACTGGCCCGCTTTTTCCAATTCCGGGGAAAACCTTGGTC
GTGCCCAGCTTGCATTTAAATGAAATCGGGCCCAACGCCGCCGGTGAAGA
GGGCCGGTTTGGCGTATTTGGGGCGGCTCTTTCCGCTTTACTCGGTTTAC
TTGACTTCGGATGGCGCTCGGGTCGTTTCGGGCTTGCGGCGAAGCGGGTA
TTCAGGCTCAACTCAAAGGGGCGGTAATTACCGGTTTAATCCACCAAAAA
TCAAGGGGGATATAACGCCAAGGAAAAGTAACCATTGTGGAGCAAAAATG
CCCAACCAAATAGGCCCAGGGAACCCGTATAAAAAGGGCCGCGTTGGCTG
GGCGTTTTTTCA
>Sequence 546
AGGTACCTATCAAACTTTACAATGTTATTTGTGTTTCCTTCTATTTGGTT
TAGCAATTTAAAATGTTTATCGTGTAGGTAATTCCTGAGTGTGTGTTTGT
TACTATGGCTAGGTTTTATTTTTGTTTAGGCCTGTTAAGGTGTTGTAGTT
CTCTACAATAATTTTAATTTTAAGGTTATCGCCNCGTTTAAGTTTTGGTA
AAAATGGAATTCTTTTCGGTTTGGAAGGTTTCTTTTTGTTTAATAATAGG
GGACTAAAAAGTTTTTTTATGGGGCCTCCATGGGTATAGTGGGTGTTGGG
GTTCTTTACAAATTGGCCCCCTTGGGGTAATATTTTCCCCTCAAAGTCTT
AACCAGGTTTTTTGTGTGGTTATAGTTTTCCCCTAAAAGGGGGCCCAAAG
TAGTGTTGTGGGTAATTTCCAATCCAAATTTGGTATAGGGGTTTTCAATA
TGGGAAAATTTTTTTTTCTGTATAGGGAAACCTCCAATAAACCCATATAT
ATGTGTTTGTGTAAAAGATCCCTCCCGGTTGGGGTGCTCTTGTCCTTAAA
CCATTTGAAAAATAAAATTATTTCAATTCCAATGTATATAATAAATATTA
TTTTTAACGATCTCTATTTATGTGGAGGTCCTATATATGAAGTGTTGGTA
TGTAGTATAAGAGGGTCCCTGCATCCTCCTCTTGGTGTTTAATAATTTTA
TCCCTCCCAAACGGTTCTTTTATACCCTTTATTATATAGCGTGAATAGTG
GCTCCTTTTTGTTATTTGAGGTCTCAATGGTTAAT
>Sequence 547
AGGTACTCATGGATATTTGAAAGAGAACGTGACAAAAAAATTTTAAATAT
TTTATCATCGCTACAAATGTAGATAAAATTAATTTTTATTTTTTAAAGTA
TTTTAAAAGTAGATAAAATACACTCATTATATTTTACAGAAAGAGTTTTA
GAGTTCTGTTTTAGACATGTAAGTTCTTAATCTATTTGAAGTTGACTTTT
TAATGTGGCTTGAGATAATGACCCAATTTTATCTTGTCAATATAGAAAAC
CATTTTTTGTGGCCTGAAGCACAGTGGCTCATGCCTGTTATCCCAGCACT
CTGGAAGGCTGAGGCAGGTGGATCACTTGAGCCCAGGAGTTGGAGACCAG
CCTGGGCAACTTGGTGAAAACCCATCTCTACAAAAAATGCAACAATTAGC
CAAGTGTGGTGGTGCACACCTGTAGTTCTAGCTATTTGAGAGGCTGAGGT
TGGAGGATTACGTGAGCCCTGAAGAGGTTGAGGGTTGCAGTTAAGCTAAG
ATTGAACTCTGCCCCGGGCTGCT
>Sequence 548
TGGGCGATCTGGGGGCCAGGTATGCAAGAAGGGTCTCTGGGCTCAGCCAT

Table 4



TGCCTGGGATTCCAGTCACAATGACAGGTGTTTTGGCAATTTGTATTTAC
TCTTTTGTAAATAACTTTGTGTCTATAACCTTGGCTTGAAGTGGATCTGA
AAACCACCCAACGGTTTGGGTGAATTTTTTTTTAAACCGTGAAATGGTAT
GTTCTGTACCT
>Sequence 549
AGGTACAGACAGGATTGACGGGGGGAATCCCTAAACTTTTTATTCTAACA
AGTTTTATTTATTTATTTTCTTTTTTGACATGGAGTCTCGCTCTGTCGCC
CAGGCTGGAGTGCAATGGCGTGGCCTCGGTTCACTGCAACCTCGCCTCCC
GGGTTTAAGCAATTCTCCTGCCTCAGCCTCCCAGGTAGCTGGGATTACAG
GTGCATGCTACTGCGCCCGGCTAATTTATGTATTTTTATTAGAGATGGGG
TTTCACCATATTGGCCAGGCTGGTCTCAAACTCCTGACCTCAAGTGATCC
ACTCGCCTCGGCCTCCCAAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGACTCACTGTG
CCCGGCCAGCAAACAAGTTTTAGATTTAACTTTATTTGAATGCAATAGAA
AAAAAATTAGGCATTAAATTGAAGGGGCTGCTGAACTTCAGATAAATGTT
TCTTCATTGGTTCCTAAAAGGGATAAATAAGCCAGTTATTCTCAAACTCA
AGTATGTGCCAGAATCCCCTGGAGGACTTGTTAAATCACAGAATGCTTGG
CCCCACCCCCAGGGTTTCTGATTCAGGAGGTCTGGGGGTGGGGCCCAGAA
TCTTGCATTTTTAACAAGTTCTAAGGTGAAGCTGGAGTTGCCGGGCCGGG
GCCCCACTTTGAGACCACTTGTTTTAGGGAAGGAAAAAAAAGATGGGGAA
AAACTTAAGGTGGGACTTGCCGTTTTCCCATATTATTATTTAAGACCTGA
GTACTTGACACCTGCCATAAATGATAACCGG
>Sequence 550
TGAGCGGCGCGCGATTACTATTCGTATATGGCAACTCCACCGTGGTGGCG
GCCGTTGTTTACTCTTTAAGCTAAAATATTCTCTCTCCACAGCTGCAATT
AGAGAGCCGCATGGTGACCTACTTGAATCAACAAAATTTGAGACCTGTGA
TTATAATTCTCATTATGACGATA
>Sequence 551
CCGGGCAGGTACATGAATAAATAATGAGTGTTTCTTGTAGGTATTGGTTT
GGAGATTGTTTTACGGTAGTATGAACTGTTAACTGGAAAAGAAACCTGAG
ATTGCAGTCAGCCAAGATTGTGCCACTGCACCCCAGCCTGGGCAACAGAG
ACTCCGTCTCAAAAACAAAAAAGAAAAGAAACCAAGAAACCTCAGGCATG
AACCTAATTTAATCTCCATGAAAGAGGTACCT
>Sequence 552
AGGTACTTTCCTGAATGCCTCTCCTAAGTAAATGGCTCTAGTTTCTCTAT
TGGCCACTGCACTGCCACTAGGATTCCTGCAAGGGATCCGATGGGCCCAG
AGCAGGTAGCCAACCACTTCTCTGTTGGATGGAATGCAATGCTGTTTGCC
AGCATGTTTGAGCCAGTCCTTCAAGATGGATTCTGAGTGACTAACTGGAC
CTAAATTTAAATAGCTCAAAGCAGCCCTTTGCTAACTAGGTTTCATACTA
ATGCCTCTTAATTTCCTGGAAAAATCCCACACCTCCTTTAACTTTTGGAA
CTTTTAAAAAAATAATCCCTATAATCATATAAATTTAAAAAAATTCCTTT
GTTGTAAATATAATTAAAAAGTTTTTCTCTTGTAATTTTTCCCTTTATGT
AATAATTCCTCAGTTAAATTTTAAAAATTTT
>Sequence 553
CCGGGCAGGTACCCAGAAAATAAGAAAGGGTTCCAAAATGAAGAATCGCT
CCTTTTGCAAACCTTATGGTAACAAATATAATATTTATAAAAAGTGAATT
AGGTAATATGTTAATGGAGAAATAAACATCATTATGAAATGCTATTTTAA
ACAAAAAATTAGAGAAAATATTAGTTTAAAAATAAGAACTTATAGTTCGA
TTTAAAAAAAGGCAATGACCAAAAACTCTTTAGGCTTATTCACAAAGAAA
AGTTTACTTTTAACACATTTTCACAAATATTTAAAAGGGATGTAGAAAAA
ACCATGGGATTTATTGAAAAATTTTGAAAACCCGAAATTGAAAACACTAT
TAGTTAAGGCCTGGTGGCCAAAATTTTTCAGAACAAAAAATTATAACATT
CATTAAAG
>Sequence 554
CCGGGCAGGTACAGAATATTTGCCTTTTGATTGCCACAAAGATGAAGAAT
CTGGCACCAAGACTCCAGGGCCATGCTAGTGACTTTCCCTCCTATCTCCT
GAGGACACGGTGCTTCCAACTCTGAGGATCAGGATACTGAAATTGACTGT

Table 4



GTGAGAAGAGAAAGTGGGATTTTCTGTGGGAAAAGACTGTTTTGAGCATA
ATTTTCAAGTAATAAATATATTCTACCAGGAGACACACTGCCATCATGCT
GACGGTGTATGTTGCTTTTGACATTAACATTATGATCATCAATATTATTG
GGGTGTTCCCTAGAAAATGACCAATTATCACAGAATTAACGAGTCATTTT
CATTTTAGTTTTTTTTCACACTTCCAGCTAAATCCACTGAGTTTACTGAG
TT
>Sequence 555
CCGGGCAGGTACCAGTTGAGCCGAGTGCCTCAATCCCAATATCAGNTCTA
TACAGATACAAGGTGATGCTGATTATTTCATCAACCATCTTGGAGTTCCC
ATCGTGTAGTTTGCTTACGAGGACATCAAAACATTAGAGGGTCCAAGTTT
TCTCTCCGAGGCCCGTTTTTCTACTTTTGCAACAAAATTTGAAGAAATGG
ATCGCTCTTTCAACCTTCATGAAACCATTACTAAGCTCTCAGGAGAAGTG
ATTTTGCAAATTGCCAACGAACCTGTTCTGCCCTTTAATGCACTTGATAT
AGCTTTAGAAGTTCAAAACAACCTTAAAGGTGATCAACCCAACACTCATC
AACTGTTAGCCATGGCGTCACGCCTGCGGGAGAGTGCTGAACTTTTTCAG
TCTGATGAGATGCGACCTGCTAATGATCCCAAGGAGAGAGCACCCATCCG
CATCCGGATGCTGAATGACATTCTCCAAGACATGGAGAAAAGCTTTCTGG
TAAAGCAGGCACCACCAGGTTTTTATAGAAACATCCTCTACCACCTTGAT
GAAGAGACAAGCCGGTTTTCAATACTTATAGAGGCTTGGGAACACTGCAA
ACCCCTTGCATCAAATGAGACCCT
>Sequence 556
CCGGGCAGGTACCTACCATATGTGAAACAGAGTTCAAGGTGCTATCAATA
CAGCTAGTCTTCCAAAGCTCGTGACCTTCAGATCTTTTGTTTTAGATTCT
GTTATGAAAATGTCACTAGTGTAAGCCACATTTTTAATGCAATCAATGCC
CGTTGTACCT
>Sequence 557
CCGGGCAGGTACTTTCAAGTCACCTGGTTCCCATACAGCTGACTTTTCCC
AGCACTGGAAACACGACGCATGCCTAGACCTTTAGAGAATCCTAATTTTG
CCCACCCCCAACTGTCCTGTAACAAAGCTTGGTTCACCCAAAAATGCCAG
GGAGTCTCAAACCCAAGGCTAGTTAAAACTATTGGGAAAGGTAGGCCCCC
TTTCCACAGGGATTGCTAACCTGGTATTGTTTAAGCTCCAAATGGCTGGA
GAAAATCTTTGGGCCACATTTACAGGGAAATTTTTTGCTGGGAGTTTTAC
CCTTAACATATGTGGGTACCATTTTGTCATTTTAAAAAGACGATTATCCG
TTTCCCCTTGTTAACTTAAATTTTTTTCCTCAAGATTCTCCATTTTTTAA
ATTTATCCCGTTTAGGTTATTTAAATTTAATTTT
>Sequence 558
AGGTACTTACGTTGCCTCGTGTCACCAAAATTGGTGTGGCTGCTGTGGTG
CGGGGGGCTGCACTGATGGCACCCCTTCCTGTCTTCATCAAGCAGCTGCC
CTTCTGCCGCTCCAATATCCTTTCCCATTCCTACTGCCTACACCAAGATG
TCATGAAGCTGGCCTGTGATGATATCCGGGTCAATGTCGTCTATGGCCTT
ATCGTCATCATCTCCGCCATTGGCCTGGACTCACTTCTCATCTCCTTCTC
ATATCTGCTTATTCTTAAGACTGTGTTGGGCTTGACACGTGAAGCCCAGG
CCAAGGCATTTGGCACTT
>Sequence 559
ACGTACCTGAAGGAACGAAGAAGAGGGATTTCTCAAGGTGAGAAGCAGTT
CTCCATGGACACTGATGACAGCACAGGCAAAGTTTCCTATGACTAGGGAT
CACTGTCCACACAGAGTCTGGCTTCCCAGGTATCCAGCAGGTAGACAAAA
CAGCTAACTCCACTGCCACTCCTTTCTCCACATCCGTTCCGATTTCTCAG
CCATCTCAGTGACATCCGCCATCTTGAGAGTCAACTACTGACTGGACTGA
GTTGTGTGGTATATGCTTCTGTTTACTTCTCTTCTGTCTTTTTTAAGTGG
CCAAATAGCAAACGCTTAAATAGGAAATCTCTGGGAGACTTGAATAAAAG
ACTTTGCTTGGT
>Sequence 560
GTATCCCTTCATTATTAAACGTTTCATTTAACCAATTTCTTTTATATAAT
TATTTATTTTCTATGCTTATATTTTTAACGTTTATTAATTCACTTCTTTA
TTCTCATTTTTTTTATACCTCTCTTTTTAAACTAATGTTTGTTTTGACTC

Table 4



CTGA
>Sequence 561
CCGGGCAGGTACTTACGTTGCCTCGTGTCACCAAAATTGGTGTGGCTGCT
GTGGTGCGGGGGGCTGCACTGATGGCACCCCTTCCTGTCTTCATCAAGCA
GCTGCCCTTCTGCCGCTCCAATATCCTTTCCCATTCCTACTGCCTACACC
AAGATGTCATGAAGCTGGCCTGTGATGATATCCGGGTCAATGTCGTCTAT
GGCCTTATCGTCATCATCTCCGCCATTGGCCTGGACTCACTTCTCATCTC
CTTCTCATATCTGCTTATTCTTAAGACTGTGTTGGGCTTGACACGTGAAG
CCCAGGCCAAGGCATTTG
>Sequence 562
AGGTACAGAGGAGGAGGGCGCCAAAGCTGAGAGAGGCAACCCCCCAAATA
TTAAAAAGGAAGAAATGGCGTGATAGGCTAGCACATTTTATGGAAAGCCA
TGTCTTAATTAAATGTTTTCCCTACAAATGTTCTCTGTATCAAGAAACCT
GGCACATAGGGAATGCATGAAACCTGATTTATAATCAGATTCAGTCTACT
TAAGTAATAACCTATATCTAGATGATAGATTGTCAACTGTGCTACTTTAG
CCATCATCACATACCCAGCGTTTCTATCCTTAGTGACACAGCTGGGCCAG
AGGCAAGGCCTGCATTCATG
>Sequence 563
AGGTACTTAGCCCTTGGGGAACACAGGTAGTTCCTTTTCACTGTGTTTAA
TTTGGGAAAATCCAGATCCACATCATTGTAGAGTCTGAGGGTTAGAAGGA
AGTCATTGTGTCTAACATAACAACAGAGCAGTTTGTGTCACTGAGCTCCA
GTCTGTGCTGGATTATTGATATTGTTGGTGGCGGTCACCATTCCTGGAAA
GGGACTGTCCCAAGCCACTTACCTTCCCGAGGAGTCTGCTGGTTCTCCTT
GAGGATAGTGCTTAGATAACAGACTCATTAAACATTTACTGAGTGTCTGT
CAGGGATCATTCACATTCACATCATCCTCCCGGCCCCTCCCCGTGTTGTT
CATGGAGGGAGTACCTGCCCGGGCGGCCGTTTCTAATCTT
>Sequence 564
AGGTACCTACTTGAAGGACTTCATAAGCAAATTACGATTTAATTTACAAG
AACACTATGTCACACGTATACACACAGGTTTTTTATATTTGTTGTCTTTT
CCGTGATTATCTCTTACAGTGTTGTATATTTAATATATTCATTTTATTTT
AATTTTATGTAGGTTCCTCATTCCTTCATATGTGTATTACATTTCCCTGG
AACTATCACGTATTTTATATACTTAGCAATGGAAAGCTCCTGGTTTCAGT
TGTCTGTGCAGCAGGCAGGGGGAGGAGAAGAAAATGGGTCACACTCCTGA
CCCTGCCTGCATAGC
>Sequence 565
AGGTACATAGAATATGAACACAGCACACACATGAGAGACGCAAGTGCCAA
ATGCCTTGGCCTGGGCTTCACGTGTCAAGCCCAACACAGTCTTAAGAATA
AGCAGATATGAGAAGGAGATGAGAAGTGAGTCCAGGCCAATGGCGGAGAT
GATGACGATAAGGCCATAGACGACATTGACCCGGATATCATCACAGGCCA
GCTTCATGACATCTTGGTGTAGGCAGTAGGAATGGGAAAGGATATTGGAG
CGGCAGAAGGGCAGCTGCTTGATGAAGACAGGAAGGGGTGCCATCAGTGC
AGCCCCCCGCACCACAGCAGCCACACCAATTTTGGTGACACGAGGCAACG
TAAGTACCTGCCCG
>Sequence 566
AGGTACAGTGAAAAGAGCCAAGGCTGTGTGACCCCCTCATCACTTAGCCA
GGCGTATGGTCCTGGTTTCTGAGGCTGCCAGAAAGCATCTTAGCAATTTG
TGTTTGGATGGTCCATGCCTGACTATTCTAGGCTGGAGGTTCCTAAAGAG
TAACAAGAGGAAGAGAAACAAGAATCTCTGACACTTGTTGAGAATAGAGC
ACAGTCCCATTTGTTTGAAAAGAGACACCAGGCAGCCATGTTTATGTGCC
AGAAATGCATTCCACCTCAAGGAGGACTTAATTTATGGACCCGTGTGTGC
CAGGCTGAGCTGGGCAAGATCTTTCTCAGGACAAACTCTGCCATGCAGCT
AAAAGCCTGGAAACTAA
>Sequence 567
CCGGGCAGGTACTTCAGTCTTTTATCAGTTAAAATACTAACAGATAGAAA
ATAACAAAGAATAGACTGTTTTCCTGCCTATTGTAAGACAAAATGAAATG
TTTACTGTTGGAAACACTATACCTTTTTTTAGCCTCTCTCCCCTATCTTC

Table 4



TTATTTTCCTTGATGGACTCTTTCTCTTATCTGAGCAAACTTTTTGTTTG
TTTGTTTGACTCAGTCTCTCAGTGAACAGTATAGCGACCCATTAGCTCCA
GCGTTGGACTCTGACTGTGTCAAGAGTAGAAGTTTGAAGTGCAATTCTTA
TCCATCATATTTCTCCAATTATTAACTCTCCTTTACTGCCTTTTAAATAC
TTCACAAAATGGAAACCCCTTTTGAATAAGAACAGCCGATTTTCTGGGAG
ATGGACAAGGAAAAGCTATGGAGAGATGCTGGGTTTCTTAGTTTAACATG
TGGCTGCTTGAAAGTTGCTATTAGATCCAGAGAAACTTTTTGTTAAGTGT
GATTAGAGTTCAAAGAAAATGTTTATTTCTTAGATACTTCTATTGAAAGA
AACATAAGGGGTCTATATCTGTATATCTATAATAAAATTCAGAAGGCAAG
TATATTATTTAATCTATATTAACTGCACACATAAAAACAGAAGGTTTTGG
GATGGGTAAATTTCAAAAGTCTGAGATCCAAATAAAACTCCAAACTTCTA
TACTTATCTGAACTCCTCATTCAAAAACCGGATGGTTGCTTTAGAACAGG
ATTTCTAGAAAATTCCTCACCTTTAGTTTTGAAAACCAGAATTTCCACTC
AATACTTTGCTTTGATGCAAATAAATTACGAACC

>Sequence 568

CCGGGCAGGTACGCGGNGAATCTAAGACCTGAAACTACTGCCACAGCCAT
GCATAAAATGAAATGCTGCTGCTTTCCTCTCTGTTAAAGAGAATGTTCAA
GGCCGAGGACACNATAAAAAAGAGCAGCATTGCTGGCTCTGTTATTAGCT
GTGTGTTCTTGAAAAAGTCACTTCTCCAGACATATCTCAGCATTTATAAC
CTAAGACTGAATCACTGCATTTTACCCTTAATGAGGTACCT

>Sequence 569

CCGGGCAGGTACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAG
CAGTTTAGATTTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAGTAATAACCCTCCAAC
CACAACCTAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTACAAGAAAACAAAGAAG
AAAATAATATTGAAAAAATGGAGATTCCCCAACCAGTTTCATATTTGAAG
GATCTGAGTTGTATTTTTATTAAGGAAATTTTTTTTCTGAATACTGTCTT
CCAAAATGTTAACATTAAAATCTGAATCAGAGGACTCTGAATGGAAAAGA
AGTTTGATCACTGACACCTAGGGCTCTGAAGCGTGTGTGGCCACATGGAA
AAGTCGAAGGATGCGCTGTCGAATCTCCTTTGTCTTCACTCCATAGACAA
TTGGGTTGAGCACAGGAGGAACCAGCAGATAGATATTGGCCAAGATGATG
GGCAGCGGAGAGTCACGCCGGTTGCTAAAGCGATGCACCATGGACAATCC
AATGAAAGGTAACCTCGG

>Sequence 570

GTAAACATTTATTTATACACTATTATTTTACAATTATATTATAAATCATT
CTTAAAAATATTTTTAGTATATTTTTTAAAAATTTTCAGTATTATTTCCT
AAAATATTTTCTATAATATTTTACTAAATTTTTTTAAGAGACGCGCTATA
C

>Sequence 571

CCGGGCAGGTACGCGGGGAATCTAAGACCTGAAACTACTGCCACAGCCAT
GCATAAAATGAAATGCTGCTGCTTTCCTCTCTGTTAAAGAGAATGTTCAA
GGCCGAGGACACATAAAAAAAGAGCAGCATTGCTGGCTCTGTTATTTAGCT
GTGTGTTCTTGAAAAAGTCACTTCTCCAGACATATCTCAGCATTTATAAC
CTAAGACTGAATCACTGCATTTTACCCTTAATGAGGTACCT

>Sequence 572

AGCGCATCTATCGGATTACGAGTTATTTACATTATTCCGTAAGTTCATAG
ACTTACACGAGACTTTTCATGTTTCTATAATGGCTGTAATATCGTTTACC
GCCGATATCTGGTGTAACTTCGTCAAACCCTTTATATGTAAATAGATACT
ATTACGCCATTGACCTTTAAAGGTCCTGCTCGGCTCAAACGCTATTTAAT
GTGGCTTATTCATAGAAATCCTCTCGTATTATCGATTGTTCCTACTGTCC
TCCGACCGAGATGGTGATTTGGCGGTGCACTTGACAGTCGACGATTGTGT
TTATGTGTTACAATCATGGATCT

>Sequence 573

AGGTACTTACGTTGCCTCGTGTCACCAAAATTGGTGTGGCTGCTGTGGTG
CGGGGGGCTGCACTGATGGCACCCCTTCCTGTCTTCATCAAGCAGCTGCC
CTTCTGCCGCTCCAATATCCTTTCCCATTCCTACTGCCTACACCAAGATG
TCATGAAGCTGGCCTGTGATGATATCCGGGTCAATGTCGTCTATGGCCTT

Table 4



ATCGTCATCATCTCCGCCATTGGTCTGGACTCACTTCTCATCTCCTTCTC
ATATCTGCTTATTCTTAAGACTGTGTTGGGCTTGACACGTGAAGCCCAGG
CCAAGGCATTTGGCACTTGCGTCTCTCATGTGTGTGCTGGGTTCATATTC
TATGTACCTGCCCG
>Sequence 574
CCGGGCAGGTACCTATGATTTAAATACTCTCCTTTTAAATACTTTGTAAA
AACTGCTTTTCCGAGCCCCTTTTATGCTCTGCAGTTGCCATATCCACTAG
GTGGTATTGCAAATAAGTAAAGCATCCTGGCCATGACGCTCTAGTGAGAA
TCCCTGACCAAAGTTACTCTCCTCACCTCACTGCAAACCTCCAGGAAGCG
GAAACTACTACCCCTCCACAGACAGAGCTCCCCTGCCACTCCATGAGGCG
CTGCTGCCGGCATCAGTTACCGAAGCCCTCACCCACACCCAGCCTGCAAT
GGTCCACTCTATATTCCACAATACAGGAAAAAGCCCAAGGAGTCAGATCA
GTTACGCCCCTGGGATGCAGAAAGAACCAGTGATTCTTCAGATATGACAG
CAGGCAAAGTTCTGCCCTCTCCTTCCCATCTTCTATCAGGAAGCGATCCC
ATAAAATCTCTTCCAGGGAAGGAAAGAGGCAGCTCTGGCTTCTTGGAGAG
ACAGAGAAGCAAGAGGGTGAGGAAGGAGTCACCAAGCTATCCAAGCAGCC
AGAGGCGAGAAGGTGGGAGCAGGGCAAGAAGAAAATGCAGAAGACTNGTT
CTCCTCAGTGGGCCTCTTCCCTGAGTTTGATTTTTGAGTTGAAATTTTAC
CTAATTTCAACTCANAAAAAAAGAAAAGAAANAAAAAAAAGTACCTT
>Sequence 575
CCGGGCAGGTACCTTCCACTTTCCTACCCTTCCATTCAGAAAAGACAAGC
AGGGCATGTTAATTCAAAAGACAAAATGATTACAATGCCAGATACCGATC
TAAAATGTATTC
>Sequence 576
GGGGCCATTGAGACTGCCATGGAAGACTTGAAAGGTCACGTAGCTGAGAC
TTCTGGAGAGACCATTCAAGGCTTCTGGCTCCTGACAAAGATAGACCACT
GGAACAATGAGAAGGAGAGAATTCTACTGGTCACAGACAAGACTCTCTTG
ATCTGCAAATACGACTTCATCATGCTGAGTTGTGTGCAGCTGCAGCGGAT
TCCTCTGAGCGCTGTCTATCGCATCTGCCTGGGCAAGTTCACCTTCCCTG
GGATGTCCCTGGACAAGAGACAAGGAGAAGGCCCTAGGATCTACTGGGGA
AGTCCGGAGGAGCAGTCTCTTCTGTCCCGCTGGAACCCATGGTCCACTGA
AGTTCCTTATGTTACTTTCACTGAGCATCCTATG
>Sequence 577
CCGGGCAGGTACTGGTCTCTGTCTTTACAGCTGAAGCATCAGAGGATGGA
GTGACCAGGCTGGTTCCAATGACAGTTATACGGCCATGGGGAGTAGACAT
GGAGTCTAATTCAGTGCTTGAGGCTAAGAATGAAGTTGTATGCATTGTGG
AAATTGTTCCAGGAGATCTTGCAACTTTCAAGTTTGAAGTCATGTCTGTG
ACAGTCCAGGAATCTGATGCAGCTGTGGAAGACCAGGTGGAAGGGTGTTC
TGTAGAAGTTGTGCGCCTCTCTGTGGCCGGGGTGCTGTCCATGGTACCT
>Sequence 578
AGGTACAATTTATATGTATTAATTATAACCAATTAGAAAATATAACAGGA
GAATGAGTTTTATATTTCAACTAAAGCTATAAGATCTTTCTGCATACATT
AAACAAAATATGTGCACGTTGCTTGGTTTTGATTTTCTTGGTTCATTTGG
CTGGTTTTAGAGGAAACTTGGAAATACAGCTGAGGGACATGAAAGAAAAT
ATTAGTGAGTGGAGTGATTCACCACATTCTTAAATGGAAAAACTAGTGTT
GATTTAAGAAAGATGTCAGGCCGGGCGCGGTGGCTCACGCCTGTAATCCC
AGCACTTTGGGAGGCCGAGGCAGGCGGATCACAAGATCAGGAGTTCAAGA
CCAGCCTGGCCAACATATTGAAACCCCGTCTCTATTAAAAATAAAAAAAT
TAGCTTGGCTTGGTGGCGGGCACCTGTAATCCCAGCTACTCGGGAGGCTG
AAGCAGGAGAATCGCTTGAACCTGGGAGGCGGAGTTTGCAGTGAGCCAAG
AATGCGCCATTGCACTCCAGCCTGGGTGACAGTGTGAGACTCCATCTAAG
AAAATACACTAAACTTGGAAAAAGGTTCCTGCCCG
>Sequence 579
AGGTACTTTGTAATTATATTTGGGTGATGATTTGACAATGTCTATACTAA
ATCATGAAGCTATACGTTTCATGAAAGCAAGAACTGTGTCTAATTTGCCA
CTACTTGTATCCTGGCACATAATATATATTCATTTGTTGAGAAAATAAAT

Table 4



GAATAAATAAATTTGAATTTTGTCTACTTCATATAATGGATCAGGACCTT
AAAAAACCATCATTTAACAGTATTTATATCTCACGGACTAGTGTTTTGCA
TTTACTTCCAGCCACAGGATGCTACTTGATTCCCCAACTATGGCAGGTAA
TTGGGTGTAGGCTTGGGGCAGGGAATCTGAAATCAATGAGATCCCAGGAC
ACTGGTTATTGTAGTTCTTTCCCCTTCCCCTAAACTGTTGGCAAACAAAG
TCAAACAAACATTCCTCAGGATACTCCAGAAAACTCGATGTCCAAACAAG
G
>Sequence 580
AGGTACTTGATACCATGCCTAGTGCATAGTTGGTGCCCAATTAATACATG
ATTGGATTATAGCATAATCACTGATCACTACATTTAAAGCAGTCCAATAG
TGGAACAGGCTGCCTCACAAATAGTGAGCTCTCGTTTCTTACACAGATTC
TACTATGGGCCAGGATCTCAGCCAAGCAGTGGAGCCAGAGGCTGGACAGA
CACAAGCAGAGATTTTGGAAAAAGACTGAGTCCCTCTCAGCACTTCAAAG
ATCCCTTCCAACACCCAAACATCAAAAGCCATGTTATATTGCCAAGCAAG
GGTGCCTATGAACGCCTGTTGAAACCCCACAACAATTTTTTCAGCCATTT
ATTAAAACCCCAAAGAGACTATCAGGACTTCAGGGCAAACATCCTAGAGA
TAGCAATGCCCCCAGCAAGAAGAAAAGAGTTCTCAGTCTGAGAGGCACAA
ACTGTAATCAGTGTAATTAACAGCTTACCCTCACCTCTAGCCAGGCGTTT
CTTCAAGATTCTAGGGTTTCCAGTCCTTACAGAACATTCTCAAGTCAGCA
GGCTACACTGTCTTAGTGTCCTTGTACCTGCCCG
>Sequence 581
CCGGGCAGGTACCTGGGACCCCACCACCTACATCACCACTACGGATCCTA
AGGATACAAGTTCAGCTCAGGTCTCTACACCCCACTCAGTGAGGACACTC
AGAACCACAGAAAACCATCCAAAGACAGAGTCCGCACCCCAGCTGCTTAC
TCTGGAAGTCCTAAAATCTCAAGTTCACCCAATCTCACCAGTCCGGCCAC
AAAAGCATGGACCATCACAGACACAACTGAACACTCCACTCAATTACATT
ACACAAATTTGGCAGAAAAATCATCTGGATTTGAGACACAGTCAGCTCCA
GGACCTGCCTCTGTAGTAATCCCTACCTCCCCTACCATTGGAAGCAGCAC
ATTGGAACTAACTTCTGATGTCCCAGGGGAACCCCTGGTCCTTGCTCCCA
GTGAGCAGACCACAATCACTCTCCCCATGGCAACATGGCTGAGTACCT
>Sequence 582
CCGGGCAGGTACTCTTTTCAAGGCTTTACTTCCAATCTTCCCCTTAAGTG
CTAGTGTCCAGAGGAAAAATTATTTCTTCTCTGTAGAAGTCATTTTGAAG
ACAGTATTTTTCTGAGATCCAATGTGGTTGGGAGTTCTGAAGAGGAAGTT
ATAGTTTTAAGCTAGATTATCTCATTTTATTATATTCTGTGTTTATTTTC
CTTTGCTGTGCTTAGGCCTTTGGCAAATGTTCTCTAGATGTACCT
>Sequence 583
CCGGGCAGGTACTTGTGAAAGGAAAATACATGGTGCTTGAATATAGCAGG
GAGGCCTGCTGAAGTCAGAGAGGGTGATCTTTAGGAAAGGCTTTCCTGAA
GAAGTGGCACTGGTGAAATGATGGCTGAAGCATGAATAGAAGTTTCCTAG
GAAGGCTGGGTGTGTGGTGTGTGGTGTGGTGTGTGTGGCGAAGTGCTGGG
ATTACAGGAGTGAGCTGCCGTGCCCAGCCGGCAAAGTTGATTCTGAAACC
CTGTATTACCTCAATAATCGTTGAAGTGCCTATTATATGCAATGCAACAC
AGCCGGGTGGCTAATGCTGTGAGCACCGGATCCATGTGTTAAAATCCTGG
CTGTCCTACCTGCTAGCTGTGGGAACTTGAGGAAGGCACTTGGACTTATC
TGGTCCTCAGTTTCTCTATATTGTAAAATGGAAATTAATCATAACTACTT
CCTGAGGGTGCTGGCAGCAGTAAACAATGATAAAGGTTGGAAAGCACACT
TGAGCGCTCATACACACTCCATACCACACTACAGACACGAACATAAACAC
CATACACTCAGCCTTTTTAGGAAACTTCTATTCATGGCTTAGGCATTATT
TCACCAGTGCCACTTCTTTAGGGAAGGCCTTTCCTAAAGATAACCTTTTT
GACTTAACAGGCCCCCCTGGTATATTAAAGCACCGGCTTATTTCCTTTAC
AAGTCCCTTCCGGCCGGCCGCCTCTCGGGTGATCTCCATACGCCCTATTG
GGTCGTTTACCCGCCTTACGGGCCGTGTTTAAAACTTGGGACTGGAAAAC
CTGGATTACCCACTTTAT
>Sequence 584
CCGGCAGGTACTTACGTTGCCTCGTGTCACCAAAATTGGTGTGGCTGCTG

Table 4



TGGTGCGGGGGGCTGCACTGATGGCACCCCTTCCTGTCTTCATCAAGCAG
CTGCCCTTCTGCCGCTCCAATATCCTTTCCCATTCCTACTGCCTACACCA
AGATGTCATGAAGCTGGCCTGTGATGATATCCGGGTCAATGTCGTCTATG
GCCTTATCGTCATCATCTCCGCCATTGGCCTGGACTCACTTCTCATCTCC
TTCTCATATCTGCTTATTCTTAAGACTGTGTTGGGCTTGACACGTGAAGC
CCAGGCCAAGGCATTTGGCACTTGCGTCTCTCATGTGTGTGCTGTGTTCA
TATTCTATGTACCT
>Sequence 585
CCGGGCAGGTACTCTTTTCAAGGCTTTACTTCCAATCTTCCCCTTAAGTG
CTAGTGTCCAGAGGAAAAATTATTTCTTCTCTGTAGAAGTCATTTTGAAG
ACAGTATTTTTCTGAGATCCAATGTGGTTGGGAGTTCTGAAGAGGAAGTT
ATAGTTTTAAGCTAGATTATCTCATTTTATTATATTCTGTGTTTATTTTC
CTTTGCTGTGCTTAGGCCTTTGGCAAATGTTCTCTAGATGTACCT
>Sequence 586
AGGTACAGTGAAAAGAGCCAAGGCTGTGTGACCCCCTCATCACTTAGCCA
GGCGTATGGTCCTGGTTTCTGAGGCTGCCAGAAAGCATCTTAGCAATTTG
TGTTTGGATGGTCCATGCCTGACTATTCTAGGCTGGAGGTTCCTAAAGAG
TAACAAGAGGAAGAGAAACAAGAATCTCTGACACTTGTTGAGAATAGAGC
ACAGTCCCATTTGTTTGAAAAGAGACACCAGGCAGCCATGTTTATGTGCC
AGAAATGCATTCCACCTCAAGGAGGACTTAATTTATGGACCCGTGTGTGC
CAGGCTGAGCTGGGCAAGATCTTTCTCAGGACAAACTCTGCCATGCAGCT
AAAAGCCTGGAAACTAA
>Sequence 587
AGGACGCGGGTGAAGAGGACAGGAGTAGTTCTTGTCTGCAGGCTAAACTG
ACAGATCTACAGGTCATAAAAAAATGAAACTGATGCTCGCTGGAAAGAGTT
TGAAATTATTTCATTGAAGTTAGAAAATCATGTGAATGACATAAAAAAGC
CTTTTGTAATTAAGGAAAGAGACACACTAAAGGAAAGAGAAAGAGAGCTT
CAGATGACTCTTAATACCAGAATGGAATCTTTAGAGACAGCACTGCGGCT
TGTGTTACCTGTAGAGAAGGCATCACTTCTTCTCTGTGGCTCGGACCTGC
CTCTCCATAAAATGGCCATCCAGGGATTTCATCTCATTGATGCTGATCGC
ATCTATCAACACCTAAGGAATATCCAAGATTCCATAGCAAAACAGATTGA
AATATGTAACCGCTTAGAAGAGCCAGGCAACTTTGTATTAAAGGAGTTAC
ACCCATTTGATCTACACGCAATGCAGAATATTATACTGAAATACAAAACA
CAATTTGAAGGAATGAACCACAGGGTGCAAAAGAATGAAGATACTTTCAA
AGCTCTGGAAGACTTTTTGGCGTTTCTCAGAACAGCTAAACTCTCTGCTG
AGCCCGGTACAGACCTTTCAGCCTCAGATACACAGGTGGCAACAAGAAAA
TACGTTGACAGTTAAAAATAAAGAGGGAGAAATTCATTTGATGAAGACAA
GGGCCAACATTTGGATTAAATGTTGAAAATGCTTATATTAACCTTAAAAT
GCTAAATGGGGTGATACCACC
>Sequence 588
GGTCAAATGTAATCACCAAAGAAATCTGTCACATAAAAACACTGGTGGCA
TTTCTCAAGTGATGCCCATTACTCTTGACTTTACTATGTCAATGGAACAC
GCAGCTAAGGGCTTCTACATCTTGGAATGGCAGTCTCAGACTTGCCCACC
TCTTAAATTAGACATGAAATAGAAACATAGAATAGATGCTACTCTAAAGT
CACAATGGAAATGCCCAACACATTTCACAAATACAATTATATGTAAACAA
AAAGAGAACTCTATGTATCAAAATGACTTTGCAAGTTTAAATACAATATT
GATGCATCTATGGCAATTTTCACATAGCCCTTGAAAAGCACCAGGTAGCT
NGGTGTTATTATATGACTCTATCCCCTAGAAAAGAATGAACAGGTCTGAA
AAGACCTTCTAGATTATTCACATGAGAAAAAGGGTAAGAAAATAATAGTT
ACCAATAATATAACCTGTGATGTTGGAGAAACCTGGAAGGGCATTTATAG
TCTAATATGATATTAATTACTAAGTTAAACATTTTATTAGGAGAATAAAA
AAATTCACAAAAAAAACAATAATGGCGCAAATTTTTAGTGAAAAGAAGTT
TAGATGATTATAACTTCCTTTCAGAGAACATTGTGAAGTAAAATCAATAA
CTCCCGGGCACGTTCAAAAAAAGTAAGGCTGCATCAAAAAGGCGTATGTA
AAGAATAATGGGGGCCTATTTACCTTAACGATATCCAGAAAAGGGATTAT
TGTTATAGCCAAAAAAATCTGGGCCCATTTAAAATAAATTTAGGTTTAAA

Table 4



AAATTCATTTACAAAAACGTTATTGGCTTAAAGAGAAATTCCCATTGAAG
AAAAATTGAAAAAATTTGGAAAGGTCTATTGATCTTAAACAACTCCAAT
>Sequence 589
AGACGTGTGCGCCTTTTCTCATAGGCTTCACAGCTGTAAGGGTATCTTCA
GTTTTCGGTGGTTAGGTTCGTTTCGTCTTCCAAGCCTTGGGGCTGTTGTT
GCAACAGAACCCTCCCCCGTTTTCAACCCCGGACCCGCTTGACGCTCTAT
ATTCTCGGTTAACCTTATCGTGTCTTTGAGGTTCCACACCTCGGTTAAGG
ACAACGAACTTTATTCGTCCAACTGGGCAAGTCAGCCCCACTTGTGTAAA
CAAGGAT
>Sequence 590
AGGTACCATGCACACCAACTCAGAGATGGAAAGAACCTAGGCATTGCAAT
CAGTTATGACTTGTGTGGGCATAATAATTTTTGGGGGAAATTAAACACTC
ACAAAAGAGCTGTCGAAGACCTAAGGGTCAACTTTGCAAGGCATGCAGCC
TAGGTTCAACCTGCAGCTTTTCCCAGTGGAATCTGGCCCATGCATTTTCT
CATAGTTTTTCCCCCACAGATCCAGAAAGAAACCAAAGACAGCCTAGTCT
CAGAGTGCCCCATCAAACTTTCAAATACAGAAAAAAGAGGGGAGACTTTC
AGCATTTTAACCTTTCCATTTAAAATTTTTTTAGGCAGACAGATTTTTCT
TATCTATAAGTTAATGAGAAATGTTGAGGTCTA
>Sequence 591
AGGTACGCGGGGACAGATTCTCCGGGATATTACCGGAGACGGAGTGTTTT
ATTATTAGCCTTTCTTAGGTGGACATTTCCATTTGAATTAAAAGTCCTTT
AGGCTGGGCGTGGTGTATGGCTGTAATCTCAGCACCTTGGGAGGCTGAGG
CAGGAAGATCACTTGAGGCCAGGCGTTGGAGAGCAGCCTGGGCAAGGTGG
CAAGAACCTTGTCTCTACAAAAAAAAGCGTCTGCCATCATGGATGTTCTC
GCAGAAGCAAATGGCACCTTTGCCTTAAACCTTTTGAAAACGCTGGGTAA
AGACAACTCGAAGAATGTGTTTTTCTCACCCATGAGCATGTCCTGTGCCC
TGG
>Sequence 592
TCGGCTCCCAGCTACTCACAGAGAACGTTTCTGTTTCTGACAGCAGAGTA
AGAGAAGAGGTGAGAATAGAGACAGCCCATTCTCTTTTGGCCTAATTCCT
AAGGAATCATGCCTCTGCCTTCGGGCCATTCTCAAGTCTTGTTCAAGGAT
AAAATGATTTATTGATGGCCGTAATTAAAAAGCAATGCCAACGGAAGCAG
CGTCAGCATTTTTCATTTGTACCT
>Sequence 593
AGGTACGCGGGAGGCCGAATGCTGGTCCTTTCCATATGAATGCTCCCTAA
ACTATCCCGCATCATGTTCATCTGATACACAACTGTGTATAACTATGGCT
GCCCCTGCATGCTGTGACATGCATGCCAATCTTATCCACACATAGCTAGC
AGACATTTGGCGACGAAACTCACCATAAAGATGCACTTTTTAATAGTGGT
TGGATTACACACATACAATCCTCTTCTACCTTAACTGTTCTCTGAGATAA
ATTGAAAGGAATTGACTATTCCGCATGACCCTAGACATGGGACCTGTCCC
>Sequence 594
CCGGGCAGGTACACCTCTTTCTAAGATGAAAGAGCTCAAGGTGAAATAGC
ATGTGGGGAAGATTGTCTTAATCGTCTTCTCATGATTGAATGTTCTTCTC
GGTGTCCAAATGGGGATTATTGTTCCAATAGACGGTTTCAGAGAAACAGC
ATGCAGATGTGGAAGTCATACTCACAGAAAAGAAAGGCTGGGGCTTGAGA
GCTGCCAAAGACCTTCCTTCGAACACCTTTGTCCTAGAATATTGTGGAGA
GGTACCT
>Sequence 595
AGGTACCCTGCCCAGAGATTTCTCCAAAAGGAGCTCTTGTGAATGCAGGC
AAGCTAAAGCCACACAATGAAGCTGAAATTCATTCAGCTTAGCTTCTCCT
GAGAGCCTTCTTTTTGTGGGGGTAACATTGCCCTTTTGTTTCACAGCGAG
GTCTGTGCTAAGACTTGCTACTTAGGGAGTCAAAGCTAATAAAACATACC
GTCTAGAAATACAGACATAACTGGTAGAACTATACAAGAAAAAGAAAGGG
CAGAGGAAGAAGAGGAATGTGATTGTGGAGAGGTATGAAGGGGGATTACA
AATCCCTGCTTCTCAGAGCGTGGTCCATGGACTAGCAGTGTGGACATCAC
TTTCAAATCTATTAGAAATGTGAATCTTACACGCAACCCA

Table 4



>Sequence 596
CCGGGCAGGTACTTCAGTCTTTTATCAGTTAAAATACTAACAGATAGAAA
ATAACAAAGAATAGACTGTTTTCCTGCCTATTGTAAGACAAAATGAAATG
TTTACTGTTGGAAACACTATACCTTTTTTTAGCCTCTCTCCCTATCTTCT
TATTTTCCTTGATGGACTCTTTCTCTTATCTGAGCAAACTTTTTGTTTGT
TTGTTTGACTCAGTCTCTCAGTGAACAGTATAGCGACCCATTAGCTCCAG
CGTTGGACTCTGACTGTGTCAAGAGTAGAAGTTTGAAGTGCAATTCTTAT
CCATCATATTTCTCCAATTATTAACTCTCCTTTACTGCCTTTTAAATACT
TCACAAAATGGAAACCCCTTTTGAATAAGAACAGCCGATTTTCTGGGAGA
TGGACAAGGAAAAGCTATGGAGAGATGCTGGGTTTCTTAGTTTAACATGT
GGCTGCTTGAAAGTTGCTATTAGATCCAGAGAACTTTTTTGTTAAGTGTG
ATTAGAGTTCAAAGAAAATGTTTATTTCTTAGATACTTCTATTGAAAGAA
ACATAAGGGGTCTATATCTGTATATCTATAATAAAATTCAGAAGGGCAGT
ATATATTTAAATCTATATTAACTGCACACATAAAAACAAGAAGTATATGT
GATGGGTAAATTTCAAAAGGTCTGAGAGTCGTAATAAACACTCCAAACTT
CATATACTTATCTGAACTTCTTCATCAAAAAACGGATGGGTTGTTATGAA
ACAGGAATTTTAAGAAAATTCTACACTTTTAGTTTCTGTAAACTCAAAAC
TTTTTACTCAATTACTATTGCTCTGATTGCAAACAA
>Sequence 597
AGAAAAATTCTTATCTCTTTAATGAGTTGGGGTGTGTGTGTGGTTTGT
>Sequence 598
AGGTACATTTTGGGATTAAAATCAACATGATAGTAGGACCCTATAATGTT
TAATTGTAACACATTTTCACTTCCATATATTCAGATATATGTTTTCCATT
TTCAAAGGAGATTTGAGGCCACTAAACATTTTTTAAAGCACAAATGCACN
AGAATTGAANAATGATNTAACCTAATTTTGAGCAGATAAGGCAAAAATGA
AGGATGAGAATGAGATCATATGGAAGACCATAGTTAAAGGATGCTATTTC
AATTGCGCAATAACAAATCTTAGCTGAGAGGCCTAGTAGTTATGGCCAAA
GGGAGACATATATTTAGGCATAATCTTAATTNTATTTTATTGTTTAATTT
AGATGAGATCCAAATGGATGTAGGAAGTTTCACGGTTGCAGTCACGTATA
ATGTGAGTTTAACTCATGCTTCATAAGAAACAGGAACTAAGCCGGGTGTG
GTGGCTTATGCCTGTAATCCCAGCAATTTTGGATGCTGAGGTGGGCGGAT
TACCTGAGGTCAAGAAGTTAAGAACAAGCTTGACCAACATGGAAAAACCC
TGTCTTTACTAAAAATACAAAATTTACCAGAGTGTAGTGGTGCATGCCTT
GTATCTTCACTTCTTGGGAAGCTTGAGGCAGGAGAAATACTGGAACCTTG
GGAACAAAGAATGCAATGAGCTGAGATACCGCTCTTGGTCTTCAAGCTGG
GGAACAGAACTGAAACTTTGTTCCACAATAAAATATAATTTTGAAAATGG
TCCCTGCGCCGGCGGGCGGTTTTTAAATTAAGGGATCCCCCGGCTGGAGG
ATATGAATTTCAGCTTATTGTACCGTTAACCTCAAGGGGGGCCCGGCCCC
ACTTTGTTCCCTTAATAAAGGTAATTGGCCCTTGGGTTATATTGG
>Sequence 599
AGGTACATTTGTTGGGGGCGTGACATTAACATATAACCACTTAGAGTGGA
CATGCAGTTAGAGAAAAGTCAATGAGCTGGAACCAAGCTGGGAATTCCAA
CATGTAGAAGTTAAACACAAGAGGAGGAGCCAGCAAAGGAAACAGAAACA
GAGCTTCCAGCAGGTGGGGGGCATTTGGAAGAAAACGATGCCATAGAAGC
CAAGATGAAATAGACATCAAGGAGAAGGAAGTAGTCAATTGTTTTGAATG
CCATGAAGAAAGATAAGAATAGGTGAGAAATAAGAAAGGCTGCTGACTTT
ACCATCTGAGGCCACACATCTGCTGAAATGGAGN
>Sequence 600
AGGTACTTACGTTGTTTCGTGTCACCAAAATTGGTGTTGCTGCTGTGGAT
CGGGGGGCTGCACTGATGGCACCCCTTCCTGTCTTCATCAAGCAGCTGCC
CTTCTGCCGCTCCAATATCCTTTCCCATTCCTACTGCCTACACCAAGATG
TCATGAAGCTGGCCTGTGATGATATCCGGGTCAATGTCGTCTATGGCCTT
ATCGTCATCATCTCCGCCATTGGCCTGGACTCACTTCTCATCTCCTTCTC
ATATCTGCTTATTCTTAAGACTGTGTTGGGCCTGACACGTGAAGCCCAGG
CCAAGGCATTTGGCACTTGCGTCTCTCATGTGTGTGCTGTGTTCATATTC
TATGTACCTGCCCG

Table 4



>Sequence 601
CCGGGCAGGTACATAGAATATGAACACAGCACACACATGAGAGACGCAAG
TGCCAAATGCCTTGGCCTGGGCTTCACGTGTCAAGCCCAACACAGTCTTA
AGAATAAGCAGATATGAGAAGGAGATGAGAAGTGAGTCCAGGCCAATGGC
GGAGATGATGACGATAAGGCCATAGACGACATTGACCCGGATATCATCAC
AGGCCAGCTTCATGACATCTTGGTGTAGGCAGTAGGAATGGGAAAGGATA
TTGGAGCGGCAGAAGGGCAGCTGCTTGATGAAGACAGGAAGGGGTGCCAT
CAGTGCAGCCCCCCGCACCACAGCAGCCACACCAATTTTGGTGACACGAG
GCAACGTAAGTACCT
>Sequence 602
CCAGCACCCACCTGTCACCAGGGTGAACAGTGAACCCTAGGTATCCAGGT
TCGACCACGTAGATAGTGCTGTTGGGTAACCTAGAAGCACCTTGCATGCG
AATACTCCTGTGGCCAAGGACGAGGCTGCTCTGTCCCAGCTGCAGTGCAG
TGACCATCGACGTGTCCTGGGCCAAGACAGCCAC
>Sequence 603
CCGGCAGGTACTGAGATTATAGGCATGAGCCACCATGCCCGGCCTTTGCT
CTTAACTACTGATGTTGTCTTCCTGATCTTTTCTACAAGAAGCTTTTAAA
CTTTTTGGACTTTAACCTACAATAAGAAATCTCATTTTACATGTTCACAT
GTATCTATAACAACATTTATATTTCTAAAACAAACTTTTCATGAAACAAG
ATATACCTACATATGTCAGGCACTCTGATATTTTCTATTCTAGTCCACCT
TTTCAATTTCATTCTATTTATGGGAAATATATGTTGGTTGGGAGTCACTG
AGTTAATTTAATGACCCACTAATAGGCTGTGAGTGGCATTGGAAAAATAC
CTGCTTGTAAGATATGCGAACACACGTTTTAAGGTTGTTTGGGCATGTGG
AAATATTTTGGGGTGCTAATCTGTTTTAACCTCAGTTTGGACCTT
>Sequence 604
AGGTACGCGGGCACAGTGCTTTAAATTAAAGCAAGTTTGCCCATAGGACA
AAAGAGCATTTGATTCCCTTTTTTCTGTCACATGTCCCTTGAGGCTGGAC
TTCAGGAATCCTGGAAAATTAATATGAGTGCAGCATGTGAGGGGTCAGAG
ACAGGCCAGCAGGGCGTCTGCATTCCTCCCTGCCACAGGTCTCTCCCCAG
AGGCTGGTTTAGTGTAGGGTATTGCCAGGAAACGGACTGAGGCTGCTTTG
CTAAGAGCTCCTGAAAATGCCCTGGGCCTGTCCTGGCGTTTCTGAAGAGC
CCTCATACAGGGACAGCCACCATCTGGGTCAAGGAGGTCTGGGTTCCCTG
CTGGTGGGCTCCATCCTGCGATGGAGTGAACCAGGCGAGAAAGGATGACG
ATGTTCTTCATGT
>Sequence 605
GCGGCATTGTACTCGCACGCATTATAGGGAAAATACAAGCCCCAGCATCG
AGAACTGACCACCATCGAAGACCTTTAGACAAGAATGCATTGCATTAATC
AACAACGGACAAACAAACTGGTAACACCACTACCAACACTTCCGGGCTAC
ACTCCATTGCATTAACACCAGAGCCCTGCCGGGACGATACCGCCCGATTT
TGGGTCTCCTGATAGACCACGCTCGGGCCCAGCTTTTACGAACATAGCCG
AAATGCTCCTCCGGGNGCTTGCCAGGGAGGTATGTATTGTGCATGGCCNT
TAATACAGATAACACGGTTCACACTCTGCGCAGCGGCGTGTAGCACACGT
GAGACGCGCATNCCTCTTCTGGGTCCCGNTATTGAAAAGTAGCGGTTAAA
NAATATGCCTGTCAGTCTTAGGACCGCGAACTGCACTCGTGTCAGTGAGG
GCGTGGTCTCCCGCCTTGACGCCAAGACATTTTGTGTA
>Sequence 606
CCGGGCAGGTACATCTAGAGAACATTTGCCAAAGGCCTAAGCACGGCAAA
GGAAAATAAACACAGAATATAATAAAATGAGATAATCTAGCTTAAAACTA
TAACTTCCTCTTCAGAACTCCCAACCACATTGGATCTCAGAAAAATACTG
TCTTCAAAATGACTTCTACAGAGAAGAAATAATTTTTCCTCTGGACACTA
GCACTTAAGGGGAAGATTGGAAGTAAAGCCTTGAAAAGAGTACCT
>Sequence 607
GAGTGATGCCATCTGCAGTTTTGTGATCTGCAATGATTCTTCCCTTCGAG
GTCAGCCCATTATCTTTAATCCTGACTTTTTTGTGGAGAAACTCCGACAT
GAGAAACCTGAGATTTTCACTGAGTTGGTGGTCAGCAATATCACAAGGCT
CATCGATTTACCTGGAACTGAGTTGGCTCAGCTGATGGGGGAAGTGGACC

Table 4



TTAAGTTGCCTGGCGGGGCTGGCCCAGCATCAGGATTCTTCCGGTCTCTC
ATGTCTCTCAAGCGAAAGGAAAAAGGAGTGATATTTGGGTCCCCACTGAC
GGAGGAAGGCATTGCCCAGATATACCAACTGATTGAGTATCTACACAAAA
ACTTGCGAGTAGAGGGTTTGTTTAGAGTACCTTGGCCGCTCTAGAACTAA
>Sequence 608
AGTCTTAGTTTCTTTATCCGGAAAGGCCACTTCCTCATATTCAAGGCCTC
TGCCAACCCAGTTTTTGTTTTCTTCTCACAGCATGTGAGAGTCTTTGTTT
CACCCATACATGTTAGAATTCCGTAGACAATGTAATCATTCAAAAACTAT
TTATTGAATGCCTACTGTGTGCCTGGAACCT
>Sequence 609
CCGGGCAGGTACAGATCTGCGTTAATTTTTGACAGCTCATATATACAGAT
TTTTAGAAATGTAATAGAAAATGATTTTGCACATATGGTGCAAGTCTTGC
TGGTGTATGTTTAATGTGGCAACACGTGCCAGAACTGTTTGGCAAAACAT
GTCAAATGGAGTGCTTGAGTCAGAACTCTAATGTAAATGTGTCTAAACAG
CAGTATGTATCATTATGATGTATTTTTGTAAACATAGTGATGGCTGCTTT
CAGTCATGTAAGTGCTGGATAAAAATAACCACTTCAGTTGGAGTAATGTA
GGAAAACGTCACCCAGCAGATGGGTAGTACTCTGCAAAGTTACACTGTCA
GCCAGTGGCACTGGTTCTTTTATTTATGTTGGG
>Sequence 610
AGGTACTTGTAGTATTGTGTAAGTTTAACGTGCGCATTGCCAAGGTTATA
TTTGAATGACGTTTTTATGTAGATGTCGATTTATTACACGTTTCACGAAC
GCTATTGTTTGTGATTGTATGATACACTCTAGCTAGATTATTATCTTTTC
TTTTTTTTTTCCTTTTCTTTTTTTTTTAAAAGGTGGAGTTTCGCTCTTGTT
ACCCAAGCTGGAGTGCAATGGCGTGATCTCGGCTCACCGCAACCTCCGGT
TCCCGGGTTCAAGCCATTCTCGTGCCTCACCCTCCTGAGTAGTTGAGATT
ACAGGCATGCTCCACCATGCCCCGGTAATTTTTCGATTAGTACTAGAGAC
GACATTTCTCCATGTTGCTCAGGCTGTGCTCGACTTATCAACCTCAGGTG
ATATCCCTTCCTCAGGCTCCCAAAGATTTGGAATTTCACGCGTGAGCTCC
CGATTCCAACTTTCTTTTGTTGCTTTTAAGTGGCATAACTTATTTGCAGA
CTGTGGCTTGACCTGGGTGAACAAAAAATCTTTAAGAGCTTGACCTTGAC
CCAAATAAATAGAACAAGTTGCACCCTTGAGGCTGCCTTACCATTTCCCC
CTTATATTTTATACCAATAACTTACTAGGATTGCCATTTTAAAAATAAAG
ATATCCTTAGACCGCATTATATTGGTAGTTGGGCATAACACTCAAAGAAT
TCAATGATGGTGGGGACCCCGGGTCCCGAGATCCAATAAATGCGTTTTCC
GTTCCCCCTCAGAAACACGGGGTCTCGGAGTTAGATAGAGAGAAACT
>Sequence 611
CCGGGCAGGTACAAAATCCTTTAGCCAGAAATGGCCTGAAAACGCAGAGG
AGGTAGGCACAATGAACAGCCTGGAAATCAGAGTTTCTTCCTCTCTCTGT
GCTGTGCTGGTGGCATGACAACTTACTTGTTCTCACAGGCTCCTTCAGTG
CCTGGGGGCAGTTTCCTGCCTCAGGGTTAAAGGGCTGCCTTCCCCTCCTT
ACTCAGCTTCTGAAGCCAACAGATCCACCTCCTGGTCCGTTTCTGAACCT
GATACCTGCAGAAGGAAATTCATCAACAACCTCTCCCTGACTGTCAGGGT
GACTTATAATGAGCTTCTTCTCCTTCTCCCAGATGGGGAGATTCCTGTCC
TAGCCCAAAGACTTTTTTGGCTGGAAACCAGGTTGCCTTAAATTGCCAGG
AGAGCCAGCCTCCCTGGCCTGGTCCCAGCCCTCTGTGCTCACCTTCCCCC
TGCTGGTCTGACTTACAGGCTCCCATTTTGTGTCAGCTTCTCCTCTATCG
GTGGGTGTGGGCCTAAGACTTAGGACCCCTTCCCTGGCTAATTCTTATAC
CTCAGGCTGGAAGAGACTAGCTCCTGCCTACCCAGCTGAATCTGGCTTTC
CAGATATGGTGATGTGCCCAGTAGGTTGGCAAGCTGTTTGGTTCTGACCA
CCTCTGGAATTAATACCTT
>Sequence 612
AGGTACATAGAATATGAACACAGCACACACATGAGAGACGCAAGTGCCAA
ATGCCTTGGCCTGGGCTTCACGTGTCAAGCCCAACACAGTCTTAAGAATA
AGCAGATATGAGAAGGAGATGAGAAGTGAGTCCAGGCCAATGGCGGAGAT
GATGACGATAAGGCCATAGACGACATTGACCCGGATATCATCACAGGCCA
GCTTCATGACATCTTGGTGTAGGCAGTAGGAATGGGAAAGGATATTGGAG

Table 4



CGGCAGAAGGGCAGCTGCTTGATGAAGACAGGAAGGGGTGCCATCAGTGC
AGCCCCCCGCACCACAGCAGCCACACCAATTTTGGTGACACGAGGCAACG
TAAGTACCTGCCCG
>Sequence 613
AGGTACCTTCCCTAATTCACCAGCCCAGTATTTATTTGTATTTGTGTTTG
TTTCGCTGGCCGGATTTGACTCTCTATGGGAACATCATAAATATTATTTA
CTCCAGGATTCTGAAATAAGATAGATATTTTATTTCATGTTCTTTAAATT
CTCCAAAGATTTATTTTTATTACTTTCCTTTCCCATTTCTGGACATTGAT
ATATTTCAGAACTTTTGTGCAGGTTTTCCTACCTACCTACACCTCCTCTC
CCTTCTCCCCTTACTCCTTTCTTTCTGGAATGTAATTCTGTCTATGAAAC
ATGACAGTAAGCTGAAATGTCCCTGATGATTTTCACTCCTCTGGATTTTC
ACTCCTTTTAGTGACAGAAACTTACTAATTCTGAT
>Sequence 614
CCGGGCAGGTACGCGGGGAGAGAGAAGGTTAAGAGCAACAAGATGGGAGG
CAGCTGCATGGAACCTGTCCCACTGAGGAAGTAAAACAGAGTTTTACTCT
TGTTGCCCAGGCTGGAGCGCAATGGTGCGATCTCGGCTCACCGCAATCTC
TGCCTCCTGAGTTCAAGCGAGGAGCAACCCTACCTGATGGGCTGGACTTC
TGCCTGGATTGGAGTTTGATCATGCCTCCATATGGGTGTTTACCAGGCGT
ATGCATTGAACCTGAGTTTGTCTCTTCAATACAAGGAAAATCTCTGCCGC
TTAGTGATTTTCCAAGAAACATGAGCTTCTGCCTTTCAATGAGGAAGATA
CTCAGAAGTCATGTTCGAGCACTCCGGAAAATGTCCTTGGAGTTTCAAC
>Sequence 615
CCGGGCAGGTACAAATCACTAATACCACTGGACTGGCCCAGGCTCCTGGG
TTAGCCTCCCAAGGCATCAGCTTTGGCATTAAGAATAATCTGGGGACCCC
ATTGCAAAAATTGGGAGTGTCATTTTCTTTTGCCAAAAAGGCTCCTGTCA
AACTCGAATCAATAGCATCAGTTTTCAAGGACCATGCGGAGGAAGGGACC
TCTGAAGATGGAACAAAACCCGATGAGAAGAGTTCTGACCAAGGACTGCA
GAAGGTAGGAGACTCTGATGGGAGCAGTAATCTTGATGGTAAAAAAGAGG
ATGAAGACCCTCAGGATGGAGGGTCCCTTGCCTCAACATTATCCAAATTA
AAAAGGATGAAACGAGAAGAAGGAGCTGGGGCTACAGAGCCTGAGTATTA
CCACTACAT
>Sequence 616
CCTGCCAGGTTCGCAGGGACGGCACCTATGAAGAAAATGATCGGGCTCTG
TAAAGCAAGGCATCTCCATACGGACGGTTTGGAGTGCTATGATGCGCTCA
GTGCTTGATGCCATATACTCGCAAGTGCAGATCTATTGCACCAGCCAGTA
GACTCTTGGGCACTGCCTACCACAGAATCTAGCACTGCTCCACATGCATG
TCTGCCTATGCATCTGAATAGCTGTTGATACCGACAGGCACACACAGTAT
GACCATCGATAACACCTCTCGGCTAAGTACTTATCCCAAGGGATATTTTT
AATGAAATTTCAGAACATTTTTTTCCCTGTGGGATTATTTTCTTCCAATC
CTAAAAAAAAAAGATGGGCCAACCCAAGGGAAAAATTATTTTAAGATGGCC
AACCTTA
>Sequence 3097
ACTTGTATGTATCTGGAAATGGGAAAAGAATTGTGCTCATAACACCTTCT
GGATGCATATTTCTTTGGGAATATTTGGAATTAAAGAATATCTTATCTTC
TAAAAGCCTTTCATTGGCGGGTCGGTGGGGGGAGGTCATACCTGAAGAAG
CAGTTCTCTTGCCTTCCACCGAAGATAAAGAAGCTGTAGTGAATGCTGTT
TTTATAAAAAATGAGTTATTTGGAGACTGCTGCCTGTGTTCATTTACTTT
TTATTCTGGGGAATGCCTGAAGTTAACATTTCTAGCAATTCGGTGGCATG
AGAATGTATTTACATCTGTAAGATCATTGCCATACCATGTTCATTGGGCT
CAACAAGACTGTCATCTCTGTAGTTTAATTCCTAAATGTGAATCAGTAAA
GGCAAGAGGAGCTCTAATTTCTGCCTTTTCAAGAGATGGCCTTACCCTGG
CAGTACCTCTTAATCAGAAAGACCCCAAAGCAACTCAGGGGTTATTTATA
AACACACTGAATTTTGGTACTCTCTGGGGTAGCCTAAAGGATGTAGTAAC
AAGAGTCCCGGGGTN
>Sequence 3098
ACCTTACAATGTTAGTAACTGTCTTTTATTAAGGAAGAAAAAGTTAAAAT

Table 4



GGCATGTAACTTAAGAAGGTGGGAGAATAATAAAGGAAAAAATTAAGAAC
AAAACGAAAAGAATCATGAAATAGTAAAACAGTAAAATTAAGATATAAAT
CTCAGAGTTGGTTATTTGAAAAGATCAATGAAACAGAGTAATTCTGGAAA
AACCAATGAGAACAAAAAGGGAAAGCACACGCAACATGGGAATGAGGAAG
CAGAATACTACAACTCCAGGCCAACAAATCTGAAAATAGAACAGAATCAC
TATTTAGGAAAATTCACTTAATTAAAAAAAAATTTTTTTTTGAGAAAGGGT
CTTGCTCTGTGTCCCAGGCATGCTCACGGCTCACTGCAGCTTCGGCCCCC
AGGGCTCAAGTGATCCTACTGCTTCAGCCTCCTGAGTAGCTGGGACTACA
GGCACACACCACCATGCCTAGCNTAATTGGAGTGGCGGCTATGTTGCCCA
GGCTGATTGTGAACTCCTGGGCTCAAGCAATCTTCCTGCCTCCGGCTTCA
GAAGTGCTGGGACTACAAGCATGAGCCACTGTGCTTAGCCCGGGAAAATT
TAAATTGGCCAAAACTTACGGAATAGAAATAAAGTTTGAAGAAAATTATG
AGCATGAAAAAAAATAAAAAAAACAACAACCCCATATTTCCTAAAAAGCA
CTACTAGATTTTGACAGTTTCATACATTGTATAAAAACTCAAAAAGCAAA
AT
>Sequence 3099
ACCCGAAAAGAAAGGAAGCTTTAGTAATGAAAGGATTGCTGCCAAAATCC
TGTTTCCCCCTTGCAGATCTTACAGAAAACAGCCACAGAATCCCAAGGCA
TCAGCACCAAGAGAGCCTGTAGAAACTATCTGGTCTAAGCTCCTGAAGCC
CAGAGATAAGAATGACTTAACCCAAGCTGCACAGCCTCTTAACAGTCCAC
TGTTAACCCCAGAAACAGATGCATTTGAATCTGAAAGGAGACAGGAATCC
TAATCCTACTGCTCAGGGACTTGCTGATTTACTTTGCTGTCTATTAGCCT
TTCTGTGACATGATTTTCTACCAAGCAAAGTCTTTTATTCAAGTCTCCCA
GAGATTTCCTATNTAAGCGTTTGCTATTTGGCCACTTAAAAAAGACAGAA
GAGAAGTAAACAGAAGCATATACCACACAACTCAGTCCAGTCAGTAGTTG
ACTCTCAAGATGGCGGATGTCACTGAGATGGCTGAGAAATAGGAACGGAT
GTGGGGAAAGGAGTGGCAATGGAGTTAGCTGGTTTGCCTACCTGCTGGAT
ACCTGGGGAGCCAGACTCTGTGTGGACAGTGAACCCTAGTCATAGGAAAC
TTTGCTGTGCTTGCATAAGTGACCATTGAGAACTGCTTCTCACCTTGAGA
GAATTCTCTTATTCGTCCTTCAGGCCCTCGAGCGGACCACCCTAGGGCGA
TTACAACACTGGCGGCCCGTATTATGGATCCAGCTCGGCCCAACCTGGGT
AAATATGGAATAGCTGTTTCG
>Sequence 3100
ACCCTCAATAAGGTAAGAGTCCAGCTTGGGGGTTGGAGGAAGCTGTCTGA
TCCAACTGGAGGTGTGTCCTAAGCCTCTGACTCTGGCTGGGAAAGGATAA
TAGGCCCTGGTCACAGTTAGTGTTCTTCTAGATGGCGAGATGATCTCATC
CAAAGGACTTCTGACTGGGCCAAACCATCAAATGTAGTGACAGCATTGGG
GTCCTGCCCTCTCTGTCACTGTCCTCCCAAAACAGGTTGCCATGAAGCAT
ACGTCAGCTGTGACAGCTTGTAATCTGGATCTGGAGAACCTGGGCACAGA
TTCAAACCGCAGCATTGGCACGCTGGCCATCACCACCCTGCTTAAGACGG
GCAGCGAGAGCAGCACGCCTCGTGAAACGAAACTCCTCCTTTTCTTCATG
AATCAAGTCTGAGTTAAGGGTGTGGTGGTGTGCAGTCCATCCAAGCCCGG
GGCCGGAGTATTAACTATCCACCCAGCCCCCCCTGTCCTTATGAACTGCC
TCGTCACGATGCTGAAGAGAGGAGGGTTGGCTTTAAAAAATCAATTCCCT
GTCCGGGACCTGTTTCTTTAGCGGTGATGAACAGAAACCTCACAGGGCCC
AGGGGGACCGGGCTTGGTTCAACGGTGTGCAAGTCCATAAGAGGATTGTA
CAGTTCACTGGACACTGCCAACCCGTGATATTACCTGATCCGGGGCCAGA
GAGGGGCCCAATGAACACCAATATTCTTAAAGGACACCTGCG
>Sequence 3101
CGTCCGAGGCATCAAAGGCTGCATAATGTCTCCTCCACAGGTATTGGTGG
TTACTTAGGACCATTGCCTACTAGTGAAACAATCAACCTCAACCCAGCTT
TGCCCTTCTGAGCCCCTGAAAGATCAGCTCGAATGGGGCTGGGAACATGG
AGGGGCGTGCTGCTGCACATGGACCTGTGAAGTAGTCAGGGCTTCTGTCC
CACGTGGCTGCCCCAAAACCTTTGTGAGGTACTGCCCTCTGTACAGTAAG
CCATCATAGTGTACATCCGTTTACTTTTATAGTAAGAGACAGAAGAAGAG
GGCACAGTTTTAAAACAATGATATGTAAAACAGTGCGAAGGTATGATTTC

Table 4



CTCTCTGAACTAAGTGTGACCGTGGGTAACTCTTGGTGTGTTGGACACCC
ACTTGAACAGCCACTACCCTGGCCCAGATCAGAATACGGCAATGGCATCC
CGAACCACTGTATGGCACTCAGCCTGCGGAAGGGGAAAGTCACAGAGCAA
TCCCCAAGAGCTTTGAGTCTGAAAAGTCTGAGGCAAACAAACTCACACAG
GATCAATTTAAGTAACAGAGAACACTGACAGGGGAGCTTGTTCCTAGACA
GCAGTGGCTTACCGGTGCTAAAAACAGACACACTGTCCAGAGCCAGGCCT
TTGTTCAACTTTCCTGCCTGGGGCCACAATAAGGGACATTGTCAGTACCC
ATCAATTTTCTGAATGGAAGTTTTTGAACCTTTGAGGGGATAGGCTATAC
CAATTCAATGCACCAAAGGTACTGAGGTTTGAATATTTTGGATCGACTTA
TCAAAATGTGGTGTAATTCG
>Sequence 3102
ACGCGGGGAGTTGTGAGGGGGAAGGTAGACTCTTTCCAGACCTTTGATAA
AGGGGCTGCTCAAAAAGCCACGACCCTGGGCCTCTGCTAAAACCATGGCT
TTAAGTAAGGAGGGAGCAGATATATAAAAAACCTTATCCCCCTTTCTAAT
CTCTTATGTCCTGTGAGTGTCACCCATTGAGTAAACCCAGGTGGAAGTCA
GCAGGAAAGTAGCTGGGATGATGCAGTCTTTACAGGTTATATGCTGAAAT
GATTTTGGATGTACC
>Sequence 3103
ACCAAGCCAATGAGTTGGAGTTTGCCAGGGAGGCTTCTAAATTTATTCTG
CTGTGAATTCTAAGTGGGGCATTTGGAAACTTCATATNNCCTGGACATTT
TCTTAGCGTGACTTAGTAATTAAATGTGCATCCAAAAAAAAAAAAAAAAA
ACCTGCAGATTTGCGCTCAACCCCAATTTGGTTCATCTGAACACAGGAGC
ACTTGAGAAATGCAAAATTCTTTAATCACTCCAAATTGCCCAAGCACAAA
CCAGGCCAAGAGCGTCAATTGCTTCTAAAATAAGATGCAGGTGTTCTGAA
AAATCTACAAGCAGTCTGCTCATTTTAAATTACTCTTCACTCCATGTGCC
CATAGGGAAGGGAGGATTGAAGAAGGCGTTTTTTTTTCATCACAGCCTTA
CTGGTGGAATGACAGTAATGATTACCCANNANAAAAANTAAAANAAAGTT
CCTTGGCCGNGACCACGCTAAGGG
>Sequence 3104
ACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAGCAGTTTAGAT
TTGGACTGCATGGAAAATGAAAAGTAATAACCCTCCAACCACAACCTAGT
CAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGAAAACAAAGAAGAAAATAATAT
TGAAAAAATGGAGATTCCCCAACCAGTTTCATATTTGAAGGATCTGAGTT
GTATTTTTATTAAGGAAATTTTTTTTCTGAATACTGTCTTCCAAAATGTT
AACATTAAAATCTGAATCAGAGGACTCTGAATGGAAAAGAAGTTTGATCA
CTGACACCTAGGGCTCTGAAGCGTGTGTGGCCACATGGAAAAGTCGAAGG
ATGCGCTGTCGAATCTCCTTTGTCTTCACTCCATAGACAATTGGGTTGAG
CACAGGAGGAACCAGCAGATAGATATTGGCCAAAATGACGGGCAGCGGAA
AGTCACGCCGCTTGCTAAAGCGATGCACCATGGACAATCCAATGAAGGTA
CC
>Sequence 3105
ACATATTATATGCAAGGTTACAAAAAAAAAATCAATGGTTAATGATTTTTT
AGCTCAACCAAGCTAAAAGATGTGAACAACGAAATTGAACTCAAAACAAC
TTAAGATACAAAGCTCTTGTTACTGATAATGTCTAATAATATTCATCAAT
TTACCATATCTTGTTCTTATATTAAAATGTTCTATCATTTTCCTAATTAT
TTTAAAGTCGATTACAAAAATATATATATATTCTTGTAGTGCCAGAAAAT
TGAATACATTAATAAATGGGGTAGAATAGATGAATCTCCCATGAAGAAGA
ATTCCAAATAATTTATGAACTCTGCCCTCAAGGATATGGAGCACAACTTT
CTACTTCTCTAGTGTGAGCTGAATAGTGACTTCCTTCCAAAAATTACATA
TGGAAAGGGGGAAAATAACTTTGTAGTGGAGAAATCTGATAAACACTATC
TCGGCTAGGTTATCAAGATTAACACTAACATTAATAAGTCACACTGAATG
TATGTACCCTTGCCGCGACCACACTAAGGG
>Sequence 3106
ACCCGAAAAGAAAGGAAGCTTTAGTAATGAAAGGATTGCTGCCAAAATCC
TGTTTCCCCCTTGCAGATCTTACAGAAAACAGCCACAGAATCCCAAGGCA
TCAGCACCAAGAGAGCCTGTAGAAACTATCTGGTCTAAGCTCCTGAAGCC

Table 4



CAGAGATAAGAATGACTTAACCCAAGCTGCACAGCCTCTTAACAGTCCAC
TGTTAACCCCAGAAACAGATGCATTTGAATCTGAAAGGAGACAGGAATCC
TAATCCTACTGCTCAGGGACTTGCTGATTTACTTTGCTGTCTATTAGCCT
TTCT
>Sequence 3107
CCGGGCAGGTACAGGTGTTACTATATTACCTGTAAGACCACACTCGGTGT
CATCTCCTGCAAACTAGTCCTCTCCTGACTCCTCTGTTTCTGTGAGTGAT
TCTGCGATGGCTTGAGGTCATCCGTTTGCTTTGAAAGATCACACACCAGG
ATACATACAGAGATGTGACCCGGATGGATGGACCCTTGCCTCACAATCAG
GGTAGAAGCCTCTGGTTTTCTTATTTCTTTGTCCTCCTCTGTGGTGTGAC
ACAGGTTCAGGAGGAGGTACCTCGGCCGCGACCACGCTAAC
>Sequence 3108
GGTACTGGAACATTTGCAGCTGAAGGAAAATCTCCAAAAAAGATTTCAAA
GAGACTAAAGTAGGAATGGGTGCTGGAAATGAGCAAGAAGGGTGAGAGTC
CCACGGGTGAAGGGAGAAAGCAGCAGAGAATGAATATAAGCCCGGAGAAT
GAACATAAATGTGAGGGGAAGAGGCCAGAGGCCAACACTGGAAGGACAGT
GAGGGCCAAGAAAGGAACTACTAATGTTTCTGAGACCTGCAGGGAACCAT
GGTATTAAGCTCTCATTACCAGCACCTAATTTTTTAGAGGCTGGTTTTCC
AACTTAAGTGAAAGAAATTCACCCTGTTTTTAGCAATTATGACGCACTAT
ATTTACTTCTGTCACATTAGCTGATTCTGTGGTGGACTGGGTAATTTGAA
AAGCTCCTTTGAACATGAATTGTTTGTAAACTTACAGTCTAGCAATAAGC
CTAATTTTTAAAACAGAATGCTTAATTTCTCCCTGTACCTTGCCCGGCGG
CCGCTCGAAAGGG
>Sequence 3109
ACTTTTCTTTGTCTTTTTTTTTTGAGACGGAGTCTCGCTCTATCCCCCATG
CTGGAGTGCAGTGGCGCGATCTCAGCTCACTGCAAGCTCCGCCTACCATG
TTCACGCCATTGTCTTGCCTCAGCCTTCCGAGTAGCTGGGACTACAGGCA
CCCGCTAACATGCCCAGCTAATTTTTCGTGCTTATAGTAGAAATGGCGTT
TCACCATCTTAGCCAGGATGGTCTATTTTCTTCTGTTGGCCAGTCACTAA
ATTAGTCTCTGCGAAGACTGTAGCTCAGAACAAATGAATAGCACAAATAA
GTCTTCAGGGTGGGACTGCCTACCTATAGGACATTTTAATGCCATCTTCT
TTATATGTCTGGGACATTAAAATTCAAATCTCTGTTGAAAATGAATAATG
TAAAACTTAGTTGCACACAGGATGGAAAATAAGTGATGATGAAATATTTG
GTTTCATACAAACATGCTTTCCCATTCTAAATAGATGCTAGTTTTCTTTT
TTCCTTGCTGTAAATAAAAGTGCCCCAGGGGAAAAAAATACTAACTTGAT
TTAGGGGCCCTGGGCGGGCCCACGCTTAGGGCCAATTTTAGGCCAATGGC
GGGCGCTACTTAGGGATCCTAATCTGGAACACAACTGGCGTAAAAATGGG
CAAAGCTGGTTCCG
>Sequence 3110
GGTACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAGCAGTTTA
GATTTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAGTAATAACCCTCCAACCACAACC
TAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGAAAACAAAGAAGAAAATA
ATATTGAAAAAATGGAGATTCCCCAACCAGTTTCATATTTGAAGGATCTG
AGTTGTATTTTTATTAAGGAAATTTTTTTTCTGAATACTGTCTTCCAAAA
TGTTAACATTAAAATCTGAATCAGAGGACTCTGAATGGAAAAGAAGTTTG
ATCACTGACGCCTAGGGCTCTGAAGCGTGTGTGGCCACATGGAAAAGTCG
AAGGATGCGCTGTCGAATCTCCTTTGTCTTCACTCCATAGACAATTGGGT
TGAGCACAGGAGGAACCAGCTGATAGATATTGGCCAAGATGACGGGCAGC
GGAGAGTCACGCCGCTTGCTAAAGCGATGCACCATGGACAATCCAATGAA
AGGT
>Sequence 3111
ACTATTCTCCTCACCTATAGTATTGGACTCCTTGAAACCAATGTGAATTT
ACCTGGTATTCTGTGAGGTGACCTACTGTTGTTTTTCTAGAATAGGGAGT
AGCAATAGATGACTGTTCATGGTGAACTCTACCTTGTAAAACAGAATTAT
GTATTTGCCTGACTTGCTTGATCAAATGGCTACTGTCTGTCACCCTGAGA
AGAATATTGAAACATAGATGTTCACTGCTACTTCACTTCACTGGCTAAGA

Table 4



TTCCTGGGTAGACTTCACTGGGCTCCTGGTCTCTATTTCCATTAAGACTC
CTTTGCTTTGCTATAGCAGCCTGAAAAATTCCAAGAATTTTAAAAAGTTA
TTTTTCATCTTCAGAGAGGACACATTACTCGATGTAGAGTGGAGGCAGTC
ACTTCTGCACATTCTGTGCTGCTGAGGCAATTTCTGCTATTCGGTCCTCT
GAACTTNNCTTGGGTTTGTTAACTTCTATTAAAATATTCATTTTTCCAGA
AAAGTAAAGTGCTACTGCTTCTATAATTTGGACTTTCCTACCTAAACTAT
TTTAAACTACTCAAAACTATATTCTGCTTTACAAGAGCCTTAATTTAACT
CATTGCTCTGGTTGGGGTCCTGTTTTGCAAGGGCCAAAACCTGAATAAAA
ATATTGCATTCTAATTTCAACCCCAAATGTGGCCCTAACTCTTTCTAATA
TAATAATCCATGCCTCTGGAGCTAAAATTATTGGTAG
>Sequence 3112
GGTACTACTAAAGAAGAGATTACTATTTCTGGAAGAAACAAGGAGAGAGG
TGACAGCTGCTTATTACAGGAAATGATTTACCAGAGATCCTATAGCAAGT
TAGGAGCGGACTCAGGGCTAGAAACAGAATCAATAAAATAGGTATTAATA
ATAATGGAAGTCTCTGAATTCTCTTCATTTCTTTCCTTTTCTCCTTTTTT
TTCTCTCTTCCTTTCTTTTTTTTTTGAGAGGGGGACAGGGTCTTGCTCTG
TCACCCAGGCTGGAGTGGCACAGTGT
>Sequence 3113
GGTACCTGGAGGTGCAAGGTGTGCGCCGAGGAAATAGAGTTGAAGAAAGC
AACTGGGGACTAGTTTTATGACCAGAAAGTGAATCGCTTTGCTTACCGCA
CAGGTAGTGAGATAATCAGGATGTCCCTGCGCCACAAACCTGCAGTGAGT
AAAAGAGAGACAGCGGGACAGTCCCTCCTTCATCAGACACAGATGGGTGA
CATCTGGCCAGGAAGAAAGATCATTCAGGAGCGGCAGAAGGAGCCCAGTG
TGCTATTTGAAGTGCCAAAGCTGAAAAGTGGAAAGAGTGCATTGGAAGCT
GAGAGTGAGAGTCTGGATAGCTTCACAGCTGACTCGGATAGCACCTCCAG
GAGAGACTCTCTGGATAAATCTGGCCTCTTTCCAGAATGGAAGAAGATGT
CTGCTCCCAAATCTCAAGTGGAAAAGGAAACTCAGCCTGGAGGTCAAAAT
GTGGTATTTGTGGATGAGGGTGAGATGATATTTAAGAAGAACACCAGAAA
AATCCTCAGGCCTTCAGAGTACCCTGCCCGGCNGGNCGCTCGAAAGGG
>Sequence 3114
GGTACGCGGGGAGGGTAGAGCGAGAAGCACCAGCAGGCAGTAACAGCCAA
CCCTTACCATTGCTAGGGCAGAGAACTGGTGGAGCCTTTCTCTTACTCCC
AGGACTTCAGCACCTAAGACAGCTCCAAAACAAACCAGAACAGTCAGCTC
CGGGGGAGCACGACTGGGCGAGAGGCACAGAAATGGACACCAGAAATAAG
GCCCAGCTCCTTGTGCTCCTGACTCTTCTCAGTGTGCTCTTCTCACAGAC
TTCGGCATGGCCTCTTTACAGGGCACCTTCTGCTCTCAGGTTGGGTGACA
GAATACCCTTTGAGGGAGCAAATGAACCTGATCAAGTTTCATTAAAAGAA
GACATTGACATGTTGCAAAATGCATTAGCTGAAAATGACACACCCTATTA
TGATGTATCCAGAAATGCCAGGCATGCTGATGGAGTTTTCACCAGTGACT
TCAGTAAACTCTTGGGTCAACTTTCTGCCAAAAGTACCTGCCCGGGCGGG
CGGTTCA
>Sequence 3115
GGTACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAGCAGTTTA
TATTTGGACTGCATGGTAAAATGAAAAGTAATAACCCTCCAACCACAACC
TAGTCAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGAAAACAAAGAAGAAAATA
ATATTGAAAAAAATGGGGGTTCCCCAACCAGTTTCATATTTGAAGGATCTG
AGTTGTATTTTTATTAAGGAAATTTTTTTTCTGAATACTGTCTTCCAAAA
TGTTAACATTAAAATCTGAATCAGAGGACTCTGAATGGAAAAGAAGTTTG
ATCACTGACACCTAGGGCTCTGAAGCGTGTGTGGCCACATGGAAAAGTCG
AAGGATGCGCTGTCGAATCTCCTTTGTCTTCACTCCATAGACAATTGGGT
TGAGCACAGGAGGAACCAACAGATAGATATTGGCCAAGATGACCGTCAGC
GGAGAGTCGCGCCGTTTGCTAAAGCCATGCACCATGGACAATCCAATGAA
AGGCACCTCGGACGGGAACACGCCTAAGGGCGTATAAAAGGATAATTGAC
ACCCGTACTATGTGATCTCGGGTTGTTTCTAAGCTTGCCATAAAAAGGGT
CTAGGTGTTTTCATTTTGAAATTGGATTCCCCTTAAATTTGCCAAAAGGT
TCCATTTCGAAGAATTAAGTTAAAAACCCGTTTTCCTAAGGGAAATCCAA

Table 4



ATAAATTATTGGCG
>Sequence 3116
CCCACGCGTCCGAGGCATCAAAGGCTGCATAATGTCTCCTCCACAGGTAT
TGGTGGTTACTTAGGACCATTGCCTACTAGTGAAACAATCAACCTCAACC
CAGCTTTGCCCTTCTGAGCCCCTGAAAGATCAGCTCGAATGGTGCTGGGA
ACATGGAGGGCGTGCTGCCTGCACATGGACCTGTGAAGTAGTCAGGGCTT
CTGTCCCACGTGGCTGCCCCAAAACCTTTGTGAGGTACTGCCCTCTGTAC
AGTAAGCCATCATAGTGTACATCCGTTTACTTTTATAGTAAGAGACAGAA
GAAGAGGGCACAGTTTTAAAACAATGATATGTAAAACAGTGCGAAGGTAT
GATTTCCTCTCTGAACTAAGTGTGACCGTGGGTAACTCTTGGTGTGTTGG
ACACCCACTTGAACAGCCACTACCCTGGCCCAGATCAGAATACGGCAATG
GCATCCCGAACCACTGTATGGCACTCAGCCTGCGGAAGGGGAAAGTCACA
GAGCAATCCCCAAGAGCCTTGAGTCTGAGAAGTCTGAGGCAAACAAACTC
ACACAGGATCAATTTAAGTAACAGAGAACACTGACAGGGGAGCTGTTCCT
AGACAGCAGTGGCTACCGGTGCTAAGAACAAACACACTGTACAAAGCCAG
GCTTTGTTCACCTTCCCTCCCTGGTCCCCCAAAAGGACATTGTCAGTACC
CCATCACTCTTCCGAATGGAAGTCTTTGGAACCCTCAAGTGATTATGCTT
TACCCAATCCATGGCACCAGTGGACTGTGGCTTGGATATTTTTGATCGGA
CTTATCAAATGGTCTGGAG
>Sequence 3117
ACCATTCTTATCTCAGAATGCTGTAAACCATCAGTAGAAGCAGATTAGAT
TTGTACTGCATGGTAAAATGAAAAGTAATAACCCTCCAACCACAACTCTA
GTCAGGGTATTAATAATTATATGTAGCAAGAAAACAAATAAGAAAATAAT
ATTGAAAAAATGGAGATTCCCCAACCAGTTTCATATTTGAAGGATCTGAG
TTGTATTTTTATTAAGGAAATTTTTTTTTCTGAATACTGTCTTTCAAAAT
GTTAACATTAAAATCTGAATCAGAGGACTCTGAATGGAAAAGAAATTTGA
TCACTGACACCTAGGGCTCTGAAGCGTGTGTGGCCACATGGAAAAGTCTA
AAGATGCGCTCGACAATCTCCTATGTCTTCACTCCATAAACAATTGTGTT
GAGCACAGGAGGAACCAACAGATAGATTTTGGCCCAGATGACGGGCAGTT
GAGAGTCACCCTCCTTGCTAAAGCGATGCACCCATGGACAATCCAATGGA
AGGTACTTCTGGCGTGACCACACTAAGGGC
>Sequence 3118
ACCACTTAATAGTATTGAGTTCATCCGAACTGGTGAGGTCGAGACAGGCT
GATCTGTTGTCCTGTTGGTTGATGTGATCAAGAGGGTCATCGGAATGACA
GCTACCAGTGAAATGATCCACACCACAGCACAGGCTACAACTGCACATCG
AGTTTTGTGAATGGAAAAGCAGCTCATTGGGTGAATGATCACACAGTAGC
GGAAGATGCTGAAACAGGTGAGGAAGAGGATGCTGCTATACAGGTTGAAA
TGGAAGCTGAAGCGGATAAACTTACACATGAAATCTCCAAAGATCCAGTT
TTCGCCACTGGCATAGTAGTGAATCAAGAAGGGGAGGCTGGTCAGATACA
GCAAATCTGTGCAGGCCAGGTTCAGCATAATGATGGTGCTGCTCTTCCAA
GGTCTCATTTTGAAAATGTAAGTGGATATCACTACTGCATTGCCTGGAAA
ATCCACGAGGAAGATAATGCCATAAATAACAGGGAGGTAGTGCATCTTGA
GTGGGATGTTTTCATCAATGCAATTTCCAAAAGCAACTGCATAATTCGGG
AAATCAGAAGCATTTGCTAAATAATCTAATGGCTCAATCATGGGTGGCTT
CTTTCATCTTGCAAGAAAACAAGAGAATTCAGTTTTGCCATATTAATTAA
ATGAGCAGTAACTCACTTGTTAAGGAAAACAGAAAACATTAATGTTTGGG
TATAAAAACACGGTCTACTTTTAAATAAAAATATTTTACA
>Sequence 3119
ATACCTCTTATTCCAGAGAAGTGGGGAGCAGAGAGGAAGATGGAGTGGAA
AGGGGCGAGGCAAGGCCCTCCTGAAATACCTCAACCCAAATCTTCAAGAA
ATCCCCAAGTCCTCACAGTGCTTTTTGTGGATTTTTGTGGAAACCGGTAA
AAAGGGCTGATTTGCTGACCCCAGTGGGTAGAAAACAGAGACTGTCAAGA
GAACAGAAGAGAAGGCAGAAAGGGGATGGGGAAGTGGGGTTCGCCATGTT
CACGAGCTCCTGGAGCCACAGGGCCCCCCAAGAACAACAGAGCTGAGACT
GGGTGGCCTTGTTTCTTGGCCCATTNCCTGGGACCAACACCCCTGGAAGA
CACTTGAGCCCTACTCAAGGACCCCCCACAACATCTTAGCATTGTCGGTC

Table 4



CTTAAATGCCAAGGTTTGTGCTTACCATTTTCAATCCTTAAGATTCTTAC
CAGGGAAAACCCCCACCAACAGCTTTTGTCCCTGCGACTTTGGGTGAGTT
TTTGACAACTGGCCTGGGCTTCCCGTTTTGGCCCGGTACCACTTTTTTAC
AGGATTACTTTTCCAGAAGAAATGACCTTTTTGTTGTACGGGAAATCAAA
AGGCTTAAGGCTCGGGAGGCCAAAGCAGGTAAATTACTTGTAATTAAGAG
TTTAAAACAACCTTTACCCCATATGAAAACCCTTTTTTTCTTACATTCCA
AAAATTACCCGGTGTGGGGGCAGGTGCCTTATTCCCCTTCTTAGGG
>Sequence 3120
GGTACCTGAAGGAACGAAGAAGAGGGATTTCTCAAGGTGAGAAGCAGTTC
TCCATGGACCCTGATGACAGCACAGGCAAGTTTCCTATGACTAGGGATCA
CTGTCCACACAGAGTCTGGCTTCCCAGGTATCCAGCAGGTAGACAAAACA
GCTAACTCCACTGCCACTCCTTTCTCCACATCCGTTCCTATTTCTCAGCC
ATCTCAGTGACATCCGCCATCTTGAGAGTCAACTACTGACTGGACTGAGT
TGTGTGGTATATGCTTCTGTTTACTTCTCTTCTGTCTTTTTTAAGTGGCC
AAATAGCAAACGCTTAAATAGGAAATCTCTGGGAGACTTGAATAAAAGAC
TTTGCTTGGTAGAAAATCATGTCACAGAAAGGCTAATAGACAGCAAAGTA
AATCAGCAAGTCCCTGAACAGTAGGATTAGGATTCCTGTCTCCTTTCAGA
TTCAGATGCATCTGTTTCTGGGGTTAACAGTGGACTGTTAAGAAGCTGTG
CAGCTTGGGTTAAGTCATTCTTATCTCTGGGCTGCAGGAGCTTAAACCAA
ATAGTCTCTACAGGCTCTTTTGGGCTGATGCCTTGGGAATCTGTGGCTGT
TTTCTGTAAGATCTGCAAGGGGGAAACAGGAATTTGGCAGCAATCCTTTC
ATTACTAAAGCTTGCTTTCTTTTCGGGTCCTGCCCCGGCGGCCGCTCCAA
AAGGCGAATTTCAACACACTGGCGGCC
>Sequence 3121
CCCTTAGCGTGGTCGCTTCCGAGGTACAGTGAAAAGAGCCAAGGCTGTGT
GACCCCCTCATCACTTAGCCAGGCGTATGGTCCTGGTTTCTGAGGCTGCA
GAAAGCATCTTAGCAATTTGTGTTTGGATGGTCCATGCCTGACTATTCTA
GGCTGGAGGTTCCTAAAGAGTAACAAGAGGAAGAGAAACAAGAATCTCTG
ACACTTGTTGAGAATAGAGCACAGTCCCATTTGTTTGAAAAGAGACACCA
GGCAGCCATGTTTATGTGCCAGAAATGCATTCCACCTCAAGGAGGACTTA
ATTTATGGACCCGTGTGTGCCAGGCTGAGCTGGGCAAGATCTTTCTCAGG
ACAAACTCTGCCATGCAGCTAAAAGCCTGGAAACTAAAGGATTTCATGTA
GTAAACTATCTTCCAACCCCTGTAGACATCAGACCGCAGGATGAGGTTTC
AGAAGGTCATAAGGCAAAATAAATAAAGCCTAACAGGCTTACAGGCTGAC
AGACCTGGGTCAGTGCTTGGGGCTTCATCACTAGTTTTGTGACTTCGGGA
AGATGACTCCCGGAGCCTCAGGGAGCCTCAGGTACTTTATATTGTAAATG
AAGGAATTCTATCTACTTTCCAAGGCTGTTGAAAGGATAAAATGAAAAGG
GGTGGTAAAACCCTTATGGCAGGGCCGGCACACACCATTAAAGCCCAACC
GGGTGATGTTGCACTTACACATGGGGAATNCCATCAGGCAAACTTAGGCG
GCT
>Sequence 3122
TGGGGTAACAAAGGGCCTAAGCGTGGTTCCTGTGGGGAAATAGGGTGATC
CTCTCGAAATATTCCAAACAAACGTGCCAACCCGGTAGGCAATAAAGGGG
AAAAGCCTAGGGAGGGCCTAAATGAGGGGACGCAGACTTCACATTAAATT
GGCGTGGCGCTTCACTGCGCAGGTTTTTCAAGTTCGGGAAACCCGGTGGG
TGCCAAGTGGAAGAAAATGAATCGGCCAAACCGCCCAGTGGAAAGGCGGT
TCAGACGCATAGGGGGGCTCTTTCCGATTTTTATGGTAAAAGATATTGGA
GGGGCTTGGGTCATATCGGATGTGGGGAAAGCGGTATAATTTTAAATAAA
AGGGGGATATCATCGTTATTCACAGGATAAGGGTGTTATACCGC
>Sequence 3123
GGTACATCCCAGCTGATTCAGTATTTCCTTCTCTTTGAAAACTCTCACAG
AAACTGCCCTATAACTTCTACTGACATCTCATCTCAATGGCTAGATCAGT
GCTATATAACAAAACTTTCTGCAGTGATAGAAATGTTCTATATCTGAACT
ATCCAAGATGTTAGCTACTAGCCACTTATGACTGTTTAGCATTTAAAATG
TCACTTGTGGAACTGACAAAATCAACTTTTAATTTTACTTGATTTTAATA
AATTTAAATTTAAATAGATACATGTGTCTAGTGGCTACCACAATAAATAG

Table 4



TGCAGGGCTAGACCTTAATCACATCACTACCCCATCTGCAAGAAAAGCTG
GAAAATGAAGGTTTGGAGCTAAACACGTTGCTACCCTCCACAAAATTATG
TTTTTCTTAGTAAGGAAAAACAAACAAAAATGAATATAGGCTGGGCAGAT
AACAGCCTCTGCAACCAAGGGATATTTGCTTGCTAATATTCCTTAAGCCC
AGAGGAATGGAGTGCTAATGGGTTTATCACAAGCATGAAAAATGGTGGGG
CTGGGAGGATATTATGTAGTTAAAAAGCCGAATCTTGGAGCTGGGGTTCA
ATCCAAATACTTTCTTTTTACAATGAGGAAACTGAGGCTTGGAGGGGCAA
CTGGGAGACCTCATTATAGAGCCATTGGAAAATCTGCTCTGAAATATACA
GAGCTATTAGGGGCTTATAACCTCCTCATGATAAAAGTAAAACT
>Sequence 3124
GGTACTACAGAGATGCCTTGATTCCAAGTATCCCACTTACTTTCCACAAC
CAAAAGTTTTGTTCCAGTTTTCATAAAGCTCTAAATCTTTTGGAGAAACA
CTATGTCGCACAGTTCTAAAAGCATTTTCAAAATCAATGTAAGCTATGGG
TCGAACTTGATCCGGTGTTATGGTAGCAATGTCAGCAGTTTGTAAGCTGC
GAATAGGACCAATAGAAGCCTCCCTGCAAAGCTGTGTCATGTCTGCTCCT
GAAAACGCATCAGACTGATTTACCTGTCCGGGCTGCCCTTCGAAAGGG
>Sequence 3125
GGTACCCGAAAAGAAAGGAAGCTTTAGTAATGAAAGGATTGCTGCCAAAA
TCCTGTTTCCCCCTTGCAGATCTTACAGAAAACAGCCACAGAATCCCAAG
GCATCAGCACCAAGAGAGCCTGTAGAAACTATCTGGTCTAAGCTCCTGAA
GCCCAGAGATAAGAATGACTTAACCCAAGCTGCACAGCCTCTTAACAGTC
CACTGTTAACCCCCAGAAACAGATGCTTTTGAATCTGAAAGGAGACAGGA
ATCCTAATCCTACTGCTCAGGGACTTGCTGATTTACTTTGCTGGCTATTA
GCCTTTCTGTGACATGATTTN
>Sequence 3126
ACCATTAGCTACAGTGATCTTAGCTTCCTTGCTTACAATTGTTCAGTGGG
TCATCTAAATTCTTCCATGTCCTGAGCATGATCTACAAACATTGTCTAGC
TTCTGTCTCTCCGTCTTCCCGCCATCATTGTGCTGTAGCCATATGGAACT
CCTTTCAGTTCTCTGACCATGCCCTTTCCTGCCTCAGATTTCAGCTTAAA
TTTTGCCTCCTCAGAGAGATGCCTTCCCAAACTCCCCATCTGAAGCTGGC
CTCTGCCTTTTACTCCCTATCATGTCACTCTCTGCTCACCATCCTTATCA
CAATGTCTATTTGATTTGTTTGCTAGTTTACTGTCTTCACAACATAATGT
CCGTTTGTGCAAGGGTCTTATTTTTCTTATTCATGTCTGTATCTCAAGGG
TCTAGCACAATGCTTGATGCATATNGTGTGAATAAATACTTTGTTGCCAA
ATCCGGGAAAAACTCTAGTTCTTGTTCACTGGCTGGCAGGATTGACATTG
GATATTCTCTGAGATCCTTTTTTTTTTTGCTCTTCACATATCACACTATA
ATCTCTTAATTCTCCGCCCCTTGCTCTAACCGTCTGTAAGGGTGGGGTCC
CTAAGTCTACCTAGGGCATCATTTCTTCATCTGATATTTTTCCCTAGGGT
CTTCCCAACACAAGGACTTCCATTGGTTTTTGAATTAAACTCCCTTTGAC
TGGTTCCTT
>Sequence 3127
ACCCGAAAATAGTGTTTCTGTCATTCAGGCAAGATTCTAGCTTTGCCTTT
TCCCTACTTCCCATTTTCTACCTCAGAAACAGAAATTGGAATATGAGAGG
GTGGAGAATCGCTTTAGAGGAACTGAAACGGAGTTTGTAAGTTGAATGGT
TTCTAGCCCATGTGTAAACCTGGGTGCGGTGTGAGAGGAGCTCTGCACGA
CTCCACGGAAGGGAACCCAGTGAGTTGTAGCTATAGTTTCCTAATTGATT
TAGAGGTGACAGCGTAAACAATGGCTCTAAAAAAAGGTGAAACTCCATTT
ACCAAAACCAAATTTGACACTAGCTCCCAAAGCTAACTTGTTAATACAGA
TTTATCTTAGGCTAGTGAAGTGGCACTAAATTTGAAACTGAGAGTCTTGG
GTGCTGTCTTTTATCTGTCTTGGGGCTTACTGAATGGTCACAAATAAGTC
AAGTGACCTCTTCATGTTCCAGTTCCTTTTCAGTAATGGGACTAACCATT
AGAAAAAATAGTATTGGCCTAAAATGCTGATCTCTTTCCTTTGACCCTTG
AAACCTCCAAGAACTTCAGGTAGGGGCTTCCTCAACCTAGTGAGATTTGT
AGGTGGTAGAATCTTACTTATCACCCCTGACTTTCTTCCTTTTCCCTCCT
AAGGAAAATAACCAGCAGGTTAGCCAATTGAGCCATATTAGTGCTAAAGT
TTATAGGCAGGGGAGGTAATAACAACC

Table 4



>Sequence 3128
ACAGTGAAAAGAGCCAAGGCTGTGTGACCCCCTCATCACTTAGCCAGGCG
TATGGTCCTGGTTTCTGAGGCTGCCAGAAAGCATCTTAGCAATTTGTGTT
TGGATGGTCCATGCCTGACTATTCTAGGCTGGAGGTTCCTAAAGAGTAAC
AAGAGGAAGAGAAACAAGAATCTCTGACACTTGTTGAGAATAGAGCACAG
TCCCATTTGTTTGAAAAGAGACACCAGGTAGCCATGTTTATGTGCCAGAA
ATGCATTCCACCTCAAGGAGGACTTAATTTATGGACCCGTGTGTGCCAAG
CTGAGCTGGGCAAGATCTTTCTCAGGACAAACTCTGCCATGCAGCTAAAA
GCCTGGAAACTAAAGGATTTCATGTAGTAAACTATCTTCCAACCCCTGTA
GGCATCAGACCACAAGATGAGGTTTCAGAAGGTCATAAGGCAGAATAGTT
AAGCCTACAGGGCTTACAGTCTGACAGACCTGGGTTCAATTCTTGGGTCT
TCATCACTAGGTTTGTGACTTTCGGAAAAAGACTCCCGGAACCTCAATGA
GCCTCAATTACTTTATATTGTAATGAAATAATACTATCTTCTTCACGAGG
CTGTTGAAGGGATTAAATGGAGAATGGGTGTAAAAACCTTTATGCAGTGC
CGCGCACACACCGTAAATGCCCGAACTGTGGATGTTGCACTTCACCAAGT
GGAATTCCAATAGGCGGAGCTTGGGAGGCAAATTAATCAGGATTTTGAAG
GG
>Sequence 3129
ACGTCCCCGCGGTGACGCCCGAGGTACAATTGGTTCATTCCACAGTTTAA
ACTAACTGGAGCTCCTAAAAGCAGCAGACAGGAACTGAATGAAAACCCCT
GCGCTGACTGACTTGTATAATCTAGTGGCCTAGCCTGGAAGCCTCATTTT
TGTCACCTGTAAAAGGAGATTGTAAGAGGATGGGTATAAGGAGCTTCATA
AACCTGGATGAGATATTTGAGGGGGAGGGAACAATACTTACCCTCAAAGC
TATTAAGAGGCAGGAGATGGGAATATTCCACAAAGCCACTTCTACAAACA
CGGGAGCCTGTTGAGTCCCAGAAGGGACAGTGGTTGGTGGCTTCCAGACA
TGCTGTGTCCTCAAGAATCCAACAAGCATCTTCTTCATCCTGGTCCTGCC
CCCAGCTGAGTCCAGCGTTAAAATGTCTTAAAGGACTTCTAGGGTCCTGT
GGGCTCCAAACCAGCCTGGGATGGAGGAAGAAAAGGGACAAAAATATTAC
TGATATATTATCAGAATACAAAACTAGGCCCGGGCCTGCTGGCTCATACC
TATAATCACAACACTTTTGGGAAGCCAAAGTGGGCAGAATTGCTTGAGCC
CTGGCAATAAAGTGACACCCCTAACTCTGGAAAAAAAAACAAAAAAANAT
AAAAGGTCTTGCCGGGCCGGCCGTTTAAAATAAG
>Sequence 3130
AGGTACTGCATACATTATTGCTTGTGCATTAGCTTATGTATTTGAATCAC
AGAAATTGCCATCACTGAATATTGCTATAGAACATTTAAATGGGCCACTT
GCAGTGTCTCATGCCTGAATACATTGGAGGCTGAGGCACGAGGACAGTTT
GAGGCCACGAGGTTGAGACTAGCCTGGACAACATAAGGAGATGCCTGTCT
CTACAAAAACATAAAAATAAATCAGCTGGTATCAAGCACAGTTCCATGGA
CATATTAAAATCTTTTTAAAAAGTAAAAATAGGCTGGGTGTGACGGTTCA
TGCCTGAAATCCTAACACTGAGGGACGCCAAGGTAGGCGCATCACCTGCA
GTCAAGTGATCCAGACCAGCCTTCCCAATATGGTGAAACCCCGTCTCTAC
TAATGCTACAAAAATTACCCGTGGGCGGTGTCCGGCCCCTGTAAGACCAG
CTACTCAAGAGGCTGACACATGAGTATTGCTTGAACCCAACAAGTGGAAG
CTGCAGAGAGCCGAGATCGCACCACTGCACTTCAGCCTGGGCAGCAAAGT
GAGAATCTGTCTTAAAAAATAAATTAATTTAATCAAATTAATTAACTGGG
GTGTGGGTGATTGAGACTGGGTCGCAACTACTTGGGAGGCTGCAGTGGAG
GATCACCTTAGGACAAAAAGGCAGGGCTGCTTAGCTGGGAACGCAGTACT
TGGGAACGGGCCCCCCGTCAAGTTAACTTGTTAGGGCTTTATTAATCTGA
AGACCAAAGATGAAAGGGCATTTGAGCATTGGCAAAACGGTCCTATTAAT
TTTGT
>Sequence 3131
CTGGGCAGGTACGCGGGGGCCGCGGGACGCCAGGAGGCGGAGGCGGAGTG
GAGTTAGATTAAATGCCTTAATGGATAAAGAAAAATTGGATGTTAAGATT
GAATATTGTAACTATGCAATGGATTCCTCAGTGGAAAACATGTATGTAAA
CAAAGTGTGGGTTCAATGTGAGAATGAAAATTGTTTGAAATGGAGATTGT
TATCAAGTGAGGATTCAGCCAAGGTTGATCATGATGAACCATGGTACCT

Table 4



>Sequence 3132
GGATCTTCGGCAAGACTCACGTCTCCAACAACCAAGCTCCCCAAAGTCCT
GACCTCAAGCAATCCGCCTGCCTAGGCCTCGCAAAGTGCTGGGATTACAG
GAGTGAGCCACCGTGCCCAGCCAAAAAGATTTTGGAAGAGTGAATGAATA
CAAGGATTTCCACTAGACTGAGAATTAGTTTGTCAACAGCATTTCAGTGT
CTTGAGAAGTGTTTACATTTGGCGTGGACAAAGCTGGCAGATGACGTAGA
AAGTAAAAAGTTGCCTCTTCAAAGTTTCCCTTCTTGTTAAAGAATAAATC
ATAAATGTTAGAAACAATAGTTTCTTTTAAAGGACTACTTACTTCAAGCC
TCCTTGCTTTGGGCTAATAACTCTGTTAAGCCCTATTGTATGTAACTGCG
GGACATGCTTACAAGCCCAGGCCCGTTTCAAATTACAGCCTGTTTACCAA
ATCGGGGATGAGGTTAAGATATTGAGGGTCAGCCCCACCCAACGGGTTCA
GGACACAGCTGTTTAGGACAACCCAAAGGGCGTTAGGGACAAAAATTGGC
TGGCTTTTTCTTTTGTCAAGAATTGTTTTTACCATTGTTTCTTTTGGAAT
TGAGCACCCTTTTTTGATAAAAAAAAAATTGCCTGCTGAAAAAATTTTTG
TGATCAATGGTGCATTTTTTTTGGGGTCCCAAATTTTTTTTTTTTAAACA
TTAAAGGGTTTTTTTTGCTTGAGTTGGCACCAAAATTATTCCAATTAATA
TTTTTTGTAGAACCAAATTACCC
>Sequence 3133
CCGGGCAGGTACTTTTATTTCTAAAAACATCTGCCAAATAAAACCAACCA
AAACTCATTATTTTCACCATTACCAAGAGCTAGCTCTATTAAATTTATAT
CAACAAGTTAATCTGTCTCTATATAGGGAAGGTTTCCGCAAACTAAAATC
TAAACCTAACTTTTGTAGACAGGGATTATGGTAGGAATTTGGTATTACAA
CTAAACCAGCCAGCTAAGGAGTGAACCTAAGAAAAAATATATTGCATATC
CTTATTGACAGAATCACAGTTAGATGCTGCACTAAAACCCTAAATGGTAT
ATCTCTCAGCCCACGTAAAATTTCAGCTCAAGAAGTTCACAAATAGAAAC
AGATAATAATGTTCAAATATTACTTAAGAGTGATTACACTTAAGTCAAAC
ATGGGAAAGAATAGCAAATACAAACCCCAAGGAAAAATGAGATTATGGTG
ATTTCCAAATGCAGTTTCTATAGATTAGGCAGAGGTAATCATTTTAAAGT
GATTCATTCAGCTACCCAGACTCTGGAAAACAAGTCGGGGATGAAGCAAA
GCTCTTAATCTGAAGAAATAAAAAAATTGTGGCCTTTGGTGACAAGATGG
GCATTTCAGTAAATTTTTTTAATGACTTTAATGATTCTTATTTAAGAAAA
AGCCCTTAAATAATGCTACCAAGGCAGTTATATTTGACCTATGAACCAGA
CCAAATACCCCTTAATTTTAAGATAATAAACCTTGCTGAAAAGCTCTTTT
ACAATTGCACATGTACCTGGG
>Sequence 3134
AGGTACATGGTTAACAGGCAGCTTGTGCCCAATCCCAAAGCGGGAAGAAA
GGCCTGGCTTTGGCTCACTGATGATAAAGTCTCCTCCCACTGCCTTTCAG
CAGCTCTGCCGAAGAGCTGATCAAGATGCTGCAAACCCAGCTTCCCCAGA
CCGGCCAAGAGGGAAGAATGATGAGCGTGTTTTAAATTACAAAGAGGGAG
CAGCGCAGGCAGTTTCTGGTCTGGGTGATAAATTGAAATCCATAAATATA
GCAGTGCTAATTTGAAGTTCTGTAATTGTTTGTGCCATGAGAATGTGTAC
CTGCCCG
>Sequence 3135
AGGTACTTGACAGGAAATCTCACACTTGTGAATTCAGAGCTCGTGAGCAT
AAAATTGCTCTTCTAATCACTTGCTTTTATTTGCTGATCTTTATTGGTGC
ATTTTATTGGTCAGGATGTGATTGAGATTATGTAATAAACCCAACTGACT
GCTTCTTTTAACTTCTGCTATTGAAGTAATCCCTCAGATTACTGTCTTGA
GAGACGGAGAGTGCACACAGTCCAACAGTGTGCACTCTTCCTCTGTAAAG
ACAGTAGAAAGGTATCCATCTTGTTTTAAATAGTAGCAGGGAGGTTTATC
AATGGCTTAACATGGTAGGCTGGGCCTGGAGAGCTCTCAATGTAACAGAG
CTCAAATGTGGCATTTACATGAATTCTAAGTTGATTAAGCGACACAATTT
GTTCAACTATAAAACATAATACATTCTTAATAGATTTTACCTATTATTGT
ATATGTAAGTTCCTAGTACCTGCCCG
>Sequence 3136
AGGTACATTTCCTAAGCCGGAACACTCAAGCTTTTTTCAGGGTGTTTGGC
TCTTGCAGCAAAACAATTGAGATGCTAACAGGGAGGATTACAGTGTTTAC

Table 4



AGAACAACCTTCAGCGCCGACCTGGAATGGTAACTTTTTCCCTCCTCAGA
TGACCTTACTTCCACTGCCTCCACAAAGACCTTCTTACCATGACC
>Sequence 3137
TGGGCGGCGTATACGACTACTATACGGCGATTCGACTCCTATACGGCGAG
TCGGACCTCCACCGCNGTGGCCGTATCATGCTCATGTACTGAACACTAAT
GCACTAAGAGTAATTGTGAAAGCTTCAGATTGCGCTATTTTGAACTATAT
ATCTGGATGATATATTCATATATGCTTGAATAACTTATAAGCAATTGAAA
CTTTCAATTACAGTATACTATTGAAGCAAATCAACTAATATATACACATA
TCCATTAGCAATAGTAGATAATTTTTGTAAATGTCCAGCACAGTTCTTCA
TATGTAGAGGATGTTCAAATTGGCTAAGTTCCTTTTCTCTCTTAATTATT
AGTATTTTTCCTACTGCTCTTTGTATAATTATTCCTTCCTCTTTAGCTCC
AATCCTTACAATCTATTCTTAACATAGCAACTGGAAGAAAGTTTTTAAAC
ATAAACCAGATGATGTCACTCCACCCCACAAAACTTGCACTATTCTCTGT
CACACGTANGAACAAGATTCAAAAAAGACGATGGGTTCCT
>Sequence 3138
AGGTACCTAGAAGAGCTCCCTGCAAGTGTAAATATTAAGGATGACCTGTG
CAAAATTATACCCACACCAGCACTAGTGGTAATTATTCTAAATTATTGTC
AAAAAGTTTTTTTTAA
>Sequence 3139
AGGTACTTGACAGGAAATCTCACACTTGTGAATTCAGAGCTCGTGAGCAT
AAAATTGCTCTTCTAATCACTTGCTTTTATTTGCTGATCTTTATTGGTGC
ATTTTATTGGTCAGGATGTGATTGAGATTATGTAATAAACCCAACTGACT
GCTTCTTTTAACTTCTGCTATTGAAGTAATCCCTCAGATTACTGTCTTGA
GAGACGGAGAGTGCACACAGTCCAACAGTGTGCACTCTTCCTCTTTAAAG
ACAGTAGAAAGGTATCCATCTTGTTTTAAATAGTAGCAGGGAGGTTTATC
AATGGCTTAACATGGTAGGCTGGGCCTGGAGAGCTCTCAATGTAACAGAG
CTCAAATGTGGCATTTACATGAATTCTAAGTTGATTAAGCGACACAATTT
GTTCAACTATAAAACATAATACATTCTTAATAGATTTTACCTATTATTGT
ATATGTAAGTTCCTAGTACCTGCCCG
>Sequence 3140
AGGTACTGATGGGATTTATGCTCAATAGAATTAACCAGGAAGCAACCCCT
GGAGATATAGTTGAAAAATTGGGAGCTGATGCAAAAATTCTTTCAAATGT
TATCTCAAAAAGCACGAGACCAAATACTCTTGATATTGGGAAGCCACCTT
TAAGATCAAAAAGAGACAGTCTAGAAAAGGAATCTAGTGATGATGATACA
CCTTTTGATGGTTCTAACTATTTGGCAGATAAAGTGGATTCTCCTGGTAT
TTTTGACTTAGAAGACTTAGACAGTGAAACAGATGTATCAAAAGCAGGAT
GTGTTGCTACACAAAATCCCAAGAGGATTCAACGTATGAACAGCAGCTTT
TCAGTAAAACCTTTTGAAAAAACTGATGTCGCAACAGGAATTGATCCCCT
CTCTCTTTTGGGTGCTGAGACTGAACAGCAGCAAAAAGAAGAAGAGGAGG
AAGGATGAAGATGATAGCAAAGGCATTTTAACACCATCTGCTAGGCGTGA
ATTTAGCTGAAGAAATTGGGATGTATATGAAATAACATGAGCAGTCCTTT
TGACAAAGTCGTACCTGGCCG